

2. Sequenzen

2.1 Plasmid pFLX1, Insertsequenz: *leuX* aus EHEC O157:H7 86-24

	leu-1		→		
1	<u>GACCGTGATA</u>	<u>CCACCACACA</u>		ACAGCGGCC	GGCGGACTCG ATATCAATAT
51	TTTCTGGCAG	TGGAATCACC		CATTGCCAGT	CCGCACGCAA CTTCTCGGCA
101	AAGCCACCGC	GATTCATAAT		CGTCGGCACA	GCACCTTGCT CGCAGTTGAT
151	CTGATTACCG	CTAATACAGG		CGTCGCAGTG	ACCACAGCTA CGCGCCGTCC
201	AGCCAATCCC	GACACGCTGG		CCGACCTGCA	AACCTTTATC CTGCGCGGGC
251	CTCCCGAGCG	CCACCACGCG		CCCAATCACC	TCATGCCCGG CAACCAGCGG
301	ATATTGTGAA	AATCCCCATT		CATTGTGCGAT	CATCGATAGA TCGGAATGGC
351	AGATCCCGCA	ATAATCCACC		TGCACTTCAA	CATCTTGTGG CCTCAGCTCA
401	CCGGGATCGT	ACTCATAAAC		TTCCAGTTCG	CCGCCCGCTT CTTTTGCGGC
451	ATAGCTTTTT	ATCATCGACA		TTTTTTGGTC	CTTCTCTGGT GTTGTTGGG
501	AAGTGTAGAG	CATGGCAGGG		CGGGGTGCCT	GGAGTGTGAC AAAGTTACA
551	CATCGCTGTA	TGCAATGCTG		AAAATTTTCA	CACTTAGCGA GGTGCGAGCA
601	AGCTGGCGCT	TGCATGGTGG		CGTGCACAG	GTATAATCCA CAACGTTTTTC
651	CGCATACCTC	TTCAGT GCCG		AAGTGGCGAA	ATCGGTAGAC GCAGTTGATT
701	CAAAATCAAC	CGTAGAAATA		CGTGCCGGTT	CGAGTCCGGC CTTCCGGCACC
751	AAAAGTATGT	AAATAGACCT		CAACTGAGGT	CTTTTTTTTAT GCCTGAAATC
801	CAGTGTTTAT	CTACCTTTCC		CGCTATATTA	ACTCTCTCAA GGTCAACCGA
851	TATCAACGTA	CATCTACCAA		CATATGTTGG	TACAGATGAT GGTATTTCCG
901	GTTTCGATAAT	GCTTGTACCA		ACAGGGAGGG	AATACGCATG GCATTAACAG
951	ATATCAAAGT	CAGAGCAGCC		AAGCCAACGG	ATAAGCAATA TAAGCTGACT
1001	GATGGTGGCG	GTATGCATCT		GCTTGTCCAT	CAAATGGTT CTAAGTACTG
1051	GCGTTTGCAG	TACCGTTATG		AGGGAAAGCA	AAAAATGCTG GCACTTGGGG
1101	TTTATCCTGA	AATCACACTA		GCGGATGCCA	GAGTACGTCG TGACGAGGCG
1151	CGTAAGCTGC	TTGCGAATGG		CGTCGATCCG	GGAGACAAAA AGAAAAATGA
1201	TAAGGTTGAA	CAGAGTAAAG		CACGAACCTT	TAAAGAAGTC GCGATTGAGT
1251	GGCATGGCAC	CAATAAAAAG		TGGTCTGAAG	ATCACGCCCA TCGTGTGCTA
1301	AAAAGTCTGG	AAGATAATCT	←	TTTTGCAGCG	leu-2 CTTGGT

Der Sequenzbereich der reifen tRNA₅^{Leu} (nach Nomura und Ishihama, 1988), der 85 nt umfaßt, ist fettgedruckt dargestellt. Dieser Bereich ist in EHEC O157:H7 86-24 und UPEC 536 identisch. Die Sequenzen der Primer leu-1 und leu-2 (unterstrichen) wurden in UPEC 536 ermittelt und für die Amplifikation der EHEC-Sequenz verwendet, daher ist für diese kurzen Sequenzbereiche nicht feststellbar, wie hoch die Homologie zwischen EHEC und UPEC ist.

2.2 Plasmid pPSR1, Insertsequenz: ORF L0065 aus EHEC O157:H7 EDL 933 f 933W

					SD
1	GATTGGCACG	GAGTCACGCT	GAAAGATGGC	GTTGAAGTGG	ATA <u>AGG</u> ACTA
	+1				
51	ACAC ATG ACA	ACG TTCACCG	ACAAAGAAAT	GATTAAAGAA	ATCAAAGAGC
101	GAATCGGCAG	CCTGGACGTG	CGAGATAATA	TTGAGCGCCG	TGCTTATGAA
151	ATTGCGTTGA	CTGCATTGAC	CACTGAACCA	TTCGCCACTA	TCGACACAGT
201	GGGAATTGAG	CTCGTTAAAT	ATGGTTGTAA	CACGTTTATT	TGTCCCGACA
251	ATTCGATGGA	GCCGGGAAAT	GTACCACTAT	ATATCGGCCT	GCCACGAATT
301	GATCCAGCAA	GCCAGACTGC	<u>CA</u> AAGCTGTCA	TTCCAGGAAT	GGTTGTCAGA
			↓		
351	ACAAAAAGAA	AAAATAGACG	TTGATTGCGG	ATGTGTAAGC	ATCGAAACGC
401	TTACGCACTG	GATGAAATCC	GCTTATGAGG	CTGGTAACTC	TCCGGTAACT
451	CCGGATAGTT	GGATAAGCTG	TAGTGATCGA	ATGCCTGAAA	AGGGCCAGAA
501	CGTGCTTATT	TCGGTGAATT	TCGATAGCTC	TCTGGTTGAA	CCGCTAATAT
551	GCTCCGCACG	CTATACCGGA	AGCACCTTTC	GCGCGGAGA	TGCAACGATT
601	AAGCCGGGTA	ATGGTATTGA	GCAAGCAACT	CACTGGATGC	CGCTACCAGA
651	ACCGCCGCAG	GAGGTTAACC	GTGGCT TA ACC	TG	

Der Beginn von ORF L0065 (ATG) sowie das Ende (TAA) sind beide fettgedruckt angegeben. Die Shine-Dalgarno-Sequenz (SD) ist unterstrichen. Die Insertion des Transposons Tn10dCam erfolgte nach dem mit dem Pfeil gekennzeichneten A.