Anhang 6.2.2: Gesamtliste der Microarray-Ergebnisse

Experimente mit *n* Wiederholungen und Standardabweichung (±) sind oberhalb der Tabelle angegeben. Experimente mit den *fliA*- und *flgM*-Mutanten wurden mit Oligonukleotid- [Oligo] und PCR-Produkt-Microarrays [PCR] durchgeführt, alle anderen mit PCR-Produkt-Microarrays. Die Bezeichnung für die Lokalisation der einzelnen Gene in *H. pylori* 26695 (TIGR Nr.) und die englische Genbeschreibung (Gene Description) sind für die einzelnen Quotienten der Signalintensitäten des *H. pylori* Wildtyps (wt) zur entsprechenden Mutante angegeben Die Hoch- oder Herunterregulation von einzelnen Genen in der Mutante im Vergleich zum Wildtyp ist durch rote bzw. grüne Unterlegung der Felder hervorgenoben. N.D. - kein Wert bestimmt; HpN6 - *H. pylori* N6; Hp88 - *H. pylori* 88-3887

TIGR Nr.	Gene Description	HpN6 wt / *fliA* (n=1) [PCR]	±	HpN6 wt / *fliA* (n=4) [Oligo]	±	HpN6 wt / *flgM* (n=1) [PCR]	±	HpN6 wt / *flgM* (n=4) [Oligo]	±	HpN6 wt / *rpoN* (n=4) [PCR]	±	Hp88 wt / *rpoN* (n=3) [PCR]	±	HpN6 wt / *flgS* (n=4) [PCR]	±	HpN6 wt / *flgR* (n=2) [PCR]	±	HpN6 wt / *flhA* (n=5)[PCR]	±	Hp88 wt / *flhA* (n=3) [PCR]	±	HpN6 wt / *flhF* (n=4) [PCR]	±	Hp88 wt / *flhF* (n=2) [PCR]	±	HpN6 wt / *flhA*/*flgM* (n=5) [PCR]	±	HpN6 wt / *flhF*/*flgM* (n=3) [PCR]	±
HP0001	hypothetical protein	1,2	0,0	0,9	0,1	1,0	0,0	0,8	0,1	1,0	0,3	1,3	0,3	1,1	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	0,8	0,3	1,3	0,3	0,9	0,2	0,8	0,2	1,4	0,8
HP0002	riboflavin synthase beta chain	0,8	N.D.	0,9	0,1	0,7	0,0	0,9	0,0	0,9	0,1	1,5	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,2	0,3	0,9	0,2	1,2	0,3	0,9	0,1	0,8	0,6	0,8	0,2
HP0003	3-deoxy-d-manno-octulosonic acid 8-phosphate synthetase	1,3	0,1	0,8	0,1	1,0	0,0	0,8	0,0	0,9	0,1	1,4	0,3	1,2	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,2	0,4	1,2	0,1	1,1	0,1	0,6	0,3	0,5	0,1
HP0004	carbonic anhydrase	1,1	0,1	1,4	0,6	0,9	0,1	0,9	0,3	1,0	0,4	1,5	0,5	1,0	0,1	1,2	0,2	1,3	0,2	1,4	0,6	2,6	0,6	1,2	0,2	1,4	0,3	0,9	0,2
HP0005	orotidine 5'-phosphate decarboxylase	1,1	0,0	0,8	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	0,9	0,2	1,5	0,4	1,1	0,1	0,9	0,0	1,5	0,1	0,9	0,3	1,6	0,2	1,0	0,0	1,1	0,4	1,1	0,1
HP0006	pantoate-beta-alanine ligase	1,3	0,1	1,1	0,1	1,1	0,0	1,0	0,1	0,9	0,3	1,1	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,7	0,2	1,4	0,3	1,1	0,0	1,1	0,3	1,0	0,1
HP0009	outer membrane protein	1,4	0,0	N.D.	N.D.	1,3	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,3	0,8	0,0	0,7	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,3	1,0	0,0
HP0010	chaperone and heat shock protein	0,8	0,1	1,0	0,1	1,4	0,1	1,8	0,2	1,2	0,9	0,7	0,1	1,0	0,4	0,7	0,2	0,9	0,1	0,8	0,2	0,8	0,2	0,6	0,1	1,8	0,6	2,2	0,6
HP0011	co-chaperone	0,6	0,1	0,6	0,3	1,0	0,0	1,4	0,7	1,5	1,2	0,6	0,0	1,1	0,4	0,7	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	0,5	0,2	0,9	0,2	2,2	0,9	3,1	1,3
HP0012	DNA primase	0,6	N.D.	1,1	0,1	0,8	0,4	1,2	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	1,1	0,7	1,3	0,0	1,5	1,2	0,3	0,1	1,3	0,5	0,7	0,4	1,3	0,1	1,2	0,7
HP0013	hypothetical protein	0,7	0,1	0,7	0,2	0,8	0,0	0,8	0,2	0,9	0,2	1,3	0,2	1,0	0,3	1,1	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1	1,6	0,3	1,4	0,3	1,4	0,2	1,6	0,3
HP0014	hypothetical protein	1,7	0,5	0,9	0,1	1,3	0,2	0,9	0,2	1,2	0,3	1,6	0,6	1,1	0,2	1,1	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	0,8	0,3	1,3	0,1	1,2	0,4	1,7	0,2
HP0015	hypothetical protein	1,3	0,2	1,0	0,2	1,3	0,0	0,9	0,1	1,4	0,4	0,9	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	1,6	0,2	0,7	0,1	1,5	0,1	1,3	0,1	1,9	0,3
HP0016	hypothetical protein	2,4	1,4	0,9	0,2	N.D.	N.D.	0,8	0,2	1,3	0,7	0,9	0,2	0,9	0,1	1,3	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2
HP0017	no description available	N.D.	N.D.	0,6	0,3	N.D.	N.D.	1,0	0,4	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0018	hypothetical protein	0,8	N.D.	1,4	0,2	0,8	0,1	1,2	0,1	1,0	0,3	1,1	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	1,2	0,1	1,1	0,1	1,3	0,2	1,2	0,0	1,2	0,1	1,0	0,2
HP0019	CheW/CheY hybrid chemotaxis protein (*cheV1*)	2,4	0,2	1,0	0,1	1,3	0,0	0,9	0,0	1,2	0,4	1,6	0,4	1,2	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,2	0,4	0,6	0,2	1,2	0,2	0,9	0,4	0,7	N.D.
HP0020	carboxynorspermidine decarboxylase	1,9	0,3	0,9	0,2	1,5	0,1	0,9	0,2	1,1	0,2	1,3	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	0,8	0,2	1,3	0,5	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1
HP0021	hypothetical protein	1,4	0,1	0,9	0,0	1,4	0,0	1,2	0,1	1,0	0,3	1,1	0,3	1,0	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,3	1,6	0,3	1,1	0,0	0,9	0,2	0,6	0,1
HP0022	conserved hypothetical integral membrane protein	1,4	0,0	1,0	0,2	1,2	0,0	0,9	0,2	1,1	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	1,4	0,2	1,0	0,1	0,7	0,1	1,9	0,2	1,0	0,0	1,3	0,3	1,2	0,3
HP0025	outer membrane protein	1,5	0,0	1,0	0,1	1,2	0,1	0,8	0,1	1,1	0,2	1,1	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,4	0,3	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,4	1,0	0,3
HP0026	citrate synthase	1,1	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	1,1	0,4	1,1	0,3	0,9	0,1	0,7	0,1	0,8	0,2	1,1	0,2	0,7	0,1	0,9	0,1	1,0	0,4	2,0	0,2
HP0027	isocitrate dehydrogenase	1,5	0,0	0,7	0,1	1,7	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	1,4	0,6	1,1	0,1	0,6	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	0,8	0,1	0,9	0,2	3,3	0,8	5,8	0,8
HP0028	conserved hypothetical secreted protein	1,5	0,1	0,9	0,1	2,0	0,1	1,1	0,2	1,2	0,4	1,1	0,3	0,9	0,2	0,7	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	0,7	0,1	1,0	0,1	2,6	0,2	4,1	0,4
HP0029	dethiobiotin synthetase	1,3	0,2	1,0	0,2	1,6	0,1	1,4	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	0,7	0,1	0,9	0,0	2,1	0,7	1,9	0,4
HP0030	hypothetical protein	0,6	N.D.	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	1,1	0,3	1,3	0,5	1,0	0,1	1,2	0,3	1,0	0,3	1,0	0,1	0,9	0,2	0,9	0,4	1,2	0,8
HP0031	hypothetical protein	1,6	0,2	0,9	0,1	1,2	0,1	0,8	0,1	1,0	0,3	1,3	0,1	1,2	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	0,5	0,1	1,2	0,3	0,8	0,3	1,2	0,4
HP0032	conserved hypothetical protein	1,5	0,3	0,9	0,1	1,5	N.D.	0,9	0,1	1,2	0,4	1,1	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	0,7	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1
HP0033	ATP-dependent C1p protease	1,2	0,3	1,2	0,1	1,2	0,1	1,0	0,0	1,1	0,3	0,9	0,1	0,9	0,2	0,9	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	1,0	0,2	1,3	0,1
HP0034	aspartate 1-decarboxylase	0,8	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	1,1	0,3	0,9	0,1	1,0	0,1	0,8	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,3	0,2	1,2	0,2	1,1	0,1	0,8	0,1
HP0035	conserved hypothetical protein	1,4	0,2	1,0	0,1	1,5	0,0	1,0	0,0	1,0	0,3	0,9	0,2	0,7	0,3	0,9	0,0	1,0	0,2	0,9	0,1	1,3	0,4	1,3	0,1	1,3	0,4	1,2	0,3
HP0036	hypothetical protein	1,2	0,2	0,8	0,2	1,2	N.D.	1,1	0,2	1,0	0,2	0,8	0,1	0,7	0,3	1,1	0,1	0,8	0,1	0,8	0,0	1,3	0,3	1,2	0,1	1,1	0,3	0,9	0,1
HP0037	NADH-ubiquinone oxidoreductase subunit	0,9	0,3	0,9	0,1	1,3	0,1	0,8	0,1	1,1	0,4	1,2	0,1	1,0	0,2	1,2	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,3	0,2	1,2	0,0	1,1	0,4	1,2	0,2
HP0038	hypothetical protein	1,7	0,2	0,9	0,2	1,7	0,0	0,8	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,2	1,5	0,1	0,8	0,1	0,6	0,1	1,1	0,0	0,9	0,3	1,1	0,0	1,2	0,2
HP0039	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,8	0,2	N.D.	N.D.	0,8	0,2	1,0	0,3	0,9	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	0,7	0,1	1,3	0,3	1,0	0,1	1,0	0,3	0,8	0,1
HP0040	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,8	0,2	N.D.	N.D.	1,2	0,2	1,0	0,3	1,0	0,2	1,2	0,4	1,5	0,1	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,7	0,2	9,8	N.D.	0,8	0,5	0,9	0,4
HP0041	hypothetical protein	1,2	0,2	1,2	0,3	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	1,1	0,3	1,2	0,2	N.D.	N.D.	0,8	0,1	1,4	0,1	1,0	N.D.	1,1	0,3	1,4	0,3
HP0042	trbI protein	1,1	N.D.	0,9	0,0	1,4	0,1	1,0	0,0	1,1	0,3	1,3	0,2	1,1	0,2	1,0	0,1	0,7	0,2	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,3	0,3	1,5	0,6
HP0043	mannose-6-phosphate isomerase	1,6	0,1	1,0	0,1	1,3	0,0	1,1	0,2	1,1	0,3	1,2	0,3	1,0	0,0	0,9	0,1	1,1	0,1	1,1	0,4	1,2	0,1	1,0	0,1	1,6	0,3	1,3	0,2
HP0044	GDP-D-mannose dehydratase	0,9	0,0	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	1,8	0,8	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,2	1,2	0,3	1,3	0,2	1,1	0,3	1,1	0,3	1,0	N.D.
HP0045	nodulation protein	1,5	0,4	1,0	0,1	1,2	0,0	0,9	0,0	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	0,8	0,2	0,6	0,0	1,1	0,5	1,1	0,3	1,2	0,1	1,9	0,4
HP0046	hypothetical protein	1,1	0,1	1,1	0,1	1,3	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,4	0,2	1,1	0,1	0,9	N.D.	0,9	0,3	0,8	N.D.
HP0047	hydrogenase expression/formation protein	2,1	N.D.	0,9	0,1	0,7	0,1	0,8	0,2	1,2	0,2	0,9	0,0	1,0	0,1	1,2	0,1	1,3	0,1	1,7	0,2	1,0	0,2	1,3	0,4	0,9	0,1	1,2	0,2
HP0048	transcriptional regulator	1,2	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,2	0,2	0,7	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	1,5	0,2
HP0049	hypothetical protein	1,1	0,3	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,1	0,3	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	0,8	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	1,2	0,3	1,7	0,3
HP0050	adenine specific DNA methyltransferase	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,2	1,2	0,1	1,1	0,0	1,1	0,2	0,9	N.D.	1,2	N.D.	0,9	0,1	1,1	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.
HP0051	cytosine specific DNA methyltransferase	0,9	0,2	1,0	0,2	1,0	0,0	1,1	0,2	1,1	0,4	1,2	0,2	0,8	0,1	1,0	0,0	1,2	0,2	0,9	0,1	1,3	0,1	1,1	N.D.	1,3	0,3	1,0	0,3
HP0052	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,2	1,3	0,4	1,0	0,2	1,2	0,2	1,3	0,2	1,3	0,7	N.D.	N.D.	1,9	0,6	N.D.	N.D.	1,1	0,3	N.D.	N.D.
HP0053	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,2	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,3	1,2	0,1	2,5	N.D.	0,9	0,2	0,8	N.D.	1,6	0,2	0,9	0,4	1,3	N.D.	1,0	0,3	1,1	N.D.
HP0054	adenine/cytosine DNA methyltransferase	1,4	N.D.	1,4	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,2	1,4	0,3	1,0	0,3	0,9	0,1	0,7	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	1,0	N.D.	0,9	0,0	1,2	0,3
HP0055	proline permease	1,1	0,3	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,8	0,2	1,2	0,1
HP0056	delta-1-pyrroline-5-carboxylate dehydrogenase	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,7	0,5
HP0057	hypothetical protein	2,3	0,5	1,3	0,3	1,5	0,2	0,9	0,3	1,2	0,2	1,6	0,0	1,6	0,7	1,0	0,1	1,3	0,1	0,8	0,0	0,9	0,4	1,5	0,2	1,2	0,3	2,7	0,4
HP0058	hypothetical protein	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,3	0,3	1,2	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,5	1,0	0,0	0,9	0,1	0,9	0,2	1,2	0,3
HP0059	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,1	0,3	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,2	0,8	0,2	1,5	0,8	1,0	0,3	1,2	N.D.	1,0	N.D.	1,4	0,6	0,5	N.D.	1,3	0,3	1,7	1,0
HP0060	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,7	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,1	1,0	0,1	1,1	0,3	0,8	0,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,0	N.D.
HP0061	hypothetical protein	1,2	N.D.	1,0	0,1	1,4	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,1	0,2	1,2	0,0	0,8	0,2	1,4	0,5	1,4	0,5	0,8	0,1	1,0	0,2	1,1	0,5
HP0062	hypothetical protein	1,3	0,1	0,9	0,1	1,6	0,0	1,0	0,1	1,0	0,3	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,4	0,4	1,4	0,3	0,8	0,1	1,2	0,3	1,0	0,3
HP0063	hypothetical protein	1,1	N.D.	0,8	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,2	1,1	0,4	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,6	0,5	1,3	0,4	0,9	0,1	1,4	0,1	1,4	0,4
HP0064	hypothetical protein	1,7	0,2	0,9	0,2	1,4	0,0	1,0	0,1	0,9	0,2	1,1	0,3	1,0	0,1	0,7	0,1	1,2	0,1	1,0	0,3	0,9	0,1	1,0	0,1	2,3	0,2	2,2	0,6
HP0065	hypothetical protein	1,1	0,1	0,8	0,3	1,2	0,0	0,9	0,2	1,0	0,2	1,2	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	0,9	0,1	1,4	0,1	1,3	0,2
HP0066	no description available	0,9	0,1	0,9	0,1	0,8	0,0	1,2	0,3	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,8	0,0	1,1	0,1	0,8	0,1	0,8	0,0	0,8	0,0	1,6	0,2	1,7	0,1
HP0067	urease accessory protein	0,7	0,2	1,4	0,2	0,7	0,1	1,2	0,2	1,0	0,2	1,1	0,1	0,8	0,1	0,8	0,0	1,1	0,2	0,9	0,3	1,1	0,4	1,2	0,1	1,1	0,2	1,6	0,2
HP0068	urease accessory protein	1,0	0,2	1,2	0,2	0,8	0,0	1,2	0,1	1,0	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	1,5	0,3	1,3	0,0	1,2	0,3	1,2	0,2	1,1	0,2	1,4	0,4
HP0069	urease accessory protein	0,9	0,2	1,1	0,5	0,9	0,1	1,3	0,2	1,0	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	1,7	0,3	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,1	0,8	0,1	0,7	0,1
HP0070	urease accessory protein	1,3	0,2	1,0	0,2	1,2	0,1	1,0	0,2	1,3	0,4	1,1	0,1	0,9	0,1	0,7	0,1	1,4	0,2	0,9	0,2	1,0	0,2	1,0	0,0	1,8	0,3	3,2	0,4
HP0071	urease accessory protein	0,8	0,2	1,1	0,3	0,9	0,1	1,1	0,4	0,9	0,2	1,1	0,0	0,9	0,1	0,6	0,1	1,6	0,1	1,4	0,2	0,9	0,2	1,3	0,0	1,5	0,2	2,6	0,3
HP0072	urease beta subunit (urea amidohydrolase)	0,6	0,1	0,9	0,3	0,7	0,0	1,3	0,2	1,1	0,4	1,4	0,0	1,2	0,2	0,5	0,1	1,0	0,3	1,2	0,2	1,0	0,3	1,2	0,2	1,8	0,6	3,3	0,8
HP0073	urease, alpha subunit	0,4	0,0	0,8	0,4	0,5	0,1	1,5	0,6	1,0	0,3	1,4	0,0	1,2	0,2	0,6	0,1	1,2	0,2	1,3	0,3	1,0	0,2	1,2	0,3	1,9	0,5	3,2	1,0
HP0074	lipoprotein signal peptidase	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	1,0	0,1	0,9	0,3	1,2	0,2	1,0	0,2	1,0	0,0	1,0	0,1	0,9	0,2	1,3	0,2	1,0	0,0	1,0	0,2	1,0	0,2
HP0075	urease protein	0,9	0,1	0,9	0,1	1,2	N.D.	1,0	0,0	1,0	0,2	1,2	0,2	1,0	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	0,8	0,2	1,6	0,5	0,9	0,0	0,8	0,5	0,8	0,1
HP0076	ribosomal protein S20	N.D.	N.D.	0,9	0,2	1,4	0,0	0,9	0,1	1,2	0,3	0,7	0,2	1,1	0,3	1,3	0,1	1,7	0,4	1,2	0,3	1,5	0,1	1,1	0,1	0,7	0,4	0,4	0,0
HP0077	peptide chain release factor RF-1	1,1	0,2	1,1	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,2	0,2	0,7	0,2	0,7	0,1	1,6	0,2	1,2	0,2	1,4	0,3	1,6	0,6	0,6	0,1	0,5	0,3	0,2	0,0
HP0078	hypothetical protein	0,8	0,0	0,8	0,1	0,6	0,0	1,0	0,1	0,7	0,1	1,5	0,2	1,4	0,1	1,1	0,0	1,2	0,2	1,2	0,0	8,3	9,8	0,9	N.D.	1,4	0,4	1,6	1,0
HP0079	outer membrane protein	0,9	0,2	1,1	0,1	0,7	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	1,5	0,3	1,3	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,2	0,3	N.D.	N.D.	0,9	0,0	1,5	0,1	1,5	0,7
HP0080	hypothetical protein	1,3	0,1	0,9	0,2	1,2	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	1,6	0,5	1,2	0,1	1,0	0,1	1,2	0,2	1,0	0,1	1,4	0,1	1,1	0,2	1,2	0,1	1,8	0,3
HP0081	no description available	N.D.	N.D.	0,7	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0082	receptor protein of chemotaxis signalling system (*tlpC*)	0,9	0,1	0,8	0,1	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	1,0	0,1	0,9	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	1,2	0,2	1,0	0,2
HP0083	ribosomal protein S9	0,7	0,2	0,9	0,2	1,0	0,0	1,1	0,2	1,1	0,2	1,1	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	0,8	0,3	1,0	0,1	0,9	0,4	1,1	0,1	0,4	0,1	0,9	0,1
HP0084	ribosomal protein L13	0,5	0,2	1,0	0,2	0,8	0,1	1,1	0,2	1,0	0,3	1,1	0,0	0,8	0,1	0,8	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,2	0,7	1,1	0,0	0,4	0,1	0,3	N.D.
HP0085	hypothetical protein	0,9	0,2	1,0	0,1	0,8	0,0	0,9	0,3	1,1	0,3	1,1	0,3	1,0	0,1	0,9	0,1	1,3	0,3	1,1	0,1	1,1	0,3	1,2	0,1	1,1	0,1	1,5	0,1
HP0086	conserved hypothetical protein	0,7	0,2	1,1	0,1	0,7	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,4	0,3	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1
HP0087	hypothetical protein	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,3	0,8	0,1	1,0	0,3	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	0,9	0,0	0,9	0,2	1,1	0,3
HP0088	RNA polymerase sigma-70 factor	0,8	0,1	0,7	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,4	0,8	0,2	1,0	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	1,2	0,3	1,5	0,4
HP0089	pfs protein	0,6	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	0,9	0,2	0,9	0,2	1,1	0,1	1,0	0,2	0,7	0,1	0,8	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,4	0,2	0,8	0,2	0,6	0,2
HP0090	malonyl coenzyme A-acyl carrier protein transacylase	0,6	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	1,1	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	0,8	0,1	0,7	0,1	0,8	0,0	1,0	0,1	1,3	0,0	1,5	0,3	1,8	0,3
HP0091	type II restriction enzyme R protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,0	0,2	0,6	0,1	1,2	0,1	0,8	0,0	1,1	0,2	1,5	0,6	N.D.	N.D.	1,1	0,2	1,3	0,3	1,0	0,1
HP0092	type II restriction enzyme M protein	0,7	0,0	0,9	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	0,8	0,3	0,5	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	0,7	0,1	1,1	0,5	1,7	0,0	0,7	0,1	1,2	0,7	0,7	0,1
HP0093	hypothetical protein	1,7	N.D.	0,9	0,1	1,3	N.D.	1,0	0,1	1,2	0,3	0,8	0,3	1,2	0,3	1,3	0,0	1,2	0,1	0,8	0,1	1,5	0,1	1,1	N.D.	1,0	0,3	1,0	0,4
HP0094	conserved hypothetical protein	0,8	0,0	1,3	0,2	0,8	0,1	1,2	0,1	1,0	0,2	1,3	0,2	1,0	0,2	1,2	0,1	1,5	0,3	1,0	0,2	1,9	0,6	0,8	0,1	1,2	0,4	0,8	0,2
HP0095	hypothetical protein	1,3	0,0	0,9	0,1	1,0	0,0	1,0	0,2	1,1	0,3	1,4	0,5	1,0	0,2	1,1	0,0	1,3	0,2	1,5	0,1	1,4	0,3	1,3	0,2	1,1	0,1	0,9	0,2
HP0096	phosphoglycerate dehydrogenase	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,6	0,6	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	1,2	0,2	1,0	0,2	1,1	0,3	0,8	0,2	0,8	0,1
HP0097	hypothetical protein	1,2	0,0	0,8	0,2	1,4	0,0	0,9	0,1	1,1	0,2	1,2	0,3	0,9	0,1	0,7	0,0	0,6	0,2	0,8	0,2	0,7	0,1	1,1	0,2	0,7	0,2	0,7	0,1
HP0098	threonine synthase	1,4	0,1	1,0	0,1	1,8	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,4	0,3	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,2	1,2	0,2	0,8	0,2	0,9	0,4	1,2	0,1
HP0099	Methyl accepting chemotaxis protein (*tlpA*)	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	0,8	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	1,1	0,1	1,7	0,1	0,9	0,3	0,9	0,0	0,7	0,3	1,1	0,1
HP0100	conserved hypothetical protein	0,8	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	1,1	0,2	1,2	0,2	0,8	0,1	1,0	0,2	1,3	0,1	1,1	0,1	2,1	1,5	1,4	0,2	1,0	0,1	0,7	0,3	0,5	0,1
HP0101	hypothetical protein	0,8	0,2	1,0	0,0	0,8	0,0	1,0	0,1	1,2	0,3	0,9	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	1,2	0,2	1,1	0,0	1,9	N.D.
HP0102	conserved hypothetical protein	0,7	0,2	1,3	0,2	0,7	0,1	1,4	0,3	1,1	0,4	0,9	0,1	1,0	0,1	1,6	0,2	0,7	0,2	0,9	0,1	1,4	0,6	1,1	0,1	0,8	0,3	0,7	0,2
HP0103	chemotaxis receptor (*tlpB*)	0,6	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	1,1	0,2	1,2	0,3	0,9	0,1	0,8	0,2	1,0	0,2	0,8	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	0,8	0,2	0,4	0,1
HP0104	2',3'-cyclic-nucleotide 2'-phosphodiesterase	0,8	0,1	0,9	0,1	0,6	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	1,4	0,2	1,0	0,1	1,2	0,3	1,2	0,2	1,4	0,2	1,5	0,2
HP0105	conserved hypothetical protein	1,1	0,2	1,2	0,2	0,6	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,2	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,6	0,2	N.D.	N.D.	1,3	0,3	1,2	0,1	1,3	0,3	1,5	0,1
HP0106	cystathionine gamma-synthase	0,8	0,1	1,5	0,5	0,4	0,1	1,3	0,1	0,8	0,2	1,3	0,0	0,9	0,2	0,8	0,1	1,6	0,1	1,1	0,1	1,9	0,3	1,3	0,0	1,9	0,4	2,9	0,2
HP0107	cysteine synthetase	1,0	0,0	0,9	0,1	0,5	0,0	0,9	0,2	0,9	0,3	2,0	0,7	1,0	0,2	0,8	0,1	1,8	0,8	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,2	1,2	0,3	2,0	0,3
HP0108	hypothetical protein	1,6	0,2	1,0	0,3	1,5	0,1	1,1	0,1	0,9	0,3	1,2	0,3	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	1,3	0,3	1,0	0,3	1,0	0,2	1,3	0,1	1,5	0,0
HP0109	chaperone and heat shock protein 70	1,1	0,1	0,8	0,3	2,3	0,1	1,2	0,2	1,6	1,3	0,6	0,2	1,0	0,5	0,9	0,0	1,0	0,0	0,8	0,2	0,6	0,1	0,8	0,1	1,1	0,4	1,2	0,3
HP0110	co-chaperone and heat shock protein	0,7	0,1	0,6	0,3	1,5	0,1	1,1	0,4	2,4	2,2	1,1	0,3	0,8	0,2	1,0	0,1	0,7	0,2	1,1	0,1	0,4	0,2	1,2	0,4	1,3	0,6	1,5	0,4
HP0111	hypothetical protein	1,1	0,0	0,5	0,2	1,8	0,0	0,8	0,3	3,6	3,5	1,7	0,6	1,2	0,4	0,9	0,0	0,5	0,1	1,1	0,1	0,3	0,1	1,6	0,3	1,3	0,7	2,4	0,4
HP0112	hypothetical protein	1,5	0,2	0,8	0,2	1,4	0,1	1,0	0,0	1,0	0,2	1,4	0,4	0,9	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,5	0,3	1,0	0,2	1,0	0,0	0,6	0,1
HP0113	hypothetical protein	1,0	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,1	0,0	1,3	0,1	0,9	0,2	0,8	0,1	0,7	N.D.	1,4	0,2	2,0	0,2
HP0114	Hypothetical protein (operon with *flaB*?)	1,2	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,0	2,9	1,4	2,4	0,4	2,2	0,4	1,1	0,0	1,5	0,4	1,5	0,1	1,4	0,3	1,2	0,4	0,6	0,3	2,9	0,2
HP0115	Flagellin B (*flaB*)	0,9	0,2	0,9	0,1	0,7	0,1	0,9	0,1	3,4	0,5	5,5	2,7	5,6	2,3	2,6	0,4	3,4	1,6	2,5	0,3	2,8	0,8	2,4	0,2	0,2	0,1	9,4	3,7
HP0116	DNA topoisomerase I	0,8	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	0,8	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	1,6	0,8	0,9	0,1	1,1	0,1	1,3	0,0	1,4	0,2	1,1	0,0
HP0117	conserved hypothetical protein	1,7	0,4	0,9	0,3	0,6	0,0	1,2	0,3	1,0	0,2	0,9	0,0	0,7	0,2	1,1	0,1	1,4	0,2	1,7	0,1	1,7	0,2	1,5	0,0	0,8	0,2	0,7	0,2
HP0118	hypothetical protein	0,7	0,2	0,9	0,1	0,7	0,1	1,0	0,3	1,0	0,4	1,1	0,3	1,0	0,2	1,0	0,2	0,9	0,3	0,8	0,2	0,9	0,2	1,1	0,2	1,2	0,4	1,3	0,7
HP0119	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0120	hypothetical protein	1,4	N.D.	0,9	0,2	1,2	0,1	0,9	0,2	0,9	0,2	1,1	0,0	1,1	0,2	0,8	0,2	0,9	0,2	0,9	0,1	0,7	0,0	1,0	0,3	1,5	0,6	2,1	0,4
HP0121	phosphoenolpyruvate synthase	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,3
HP0122	hypothetical protein	1,2	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	1,2	0,1	0,9	0,3	0,9	0,0	1,0	0,0	1,1	0,1	1,2	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	0,9	N.D.	1,2	0,3	1,4	0,5
HP0123	threonyl-tRNA synthetase	0,6	0,1	1,4	0,2	1,0	0,0	1,6	0,4	1,0	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	1,2	0,2	1,9	1,0	1,0	0,2	1,1	0,1	0,6	0,1

HP0124	translation initiation factor IF-3	0,4	N.D.	1,2	0,1	0,7	0,1	1,1	0,1	1,0	0,4	1,1	0,1	0,8	0,2	1,0	0,2	1,0	0,2	0,9	0,3	1,7	0,8	1,5	0,2	0,8	0,1	0,4	0,1
HP0125	ribosomal protein L35	1,3	0,1	1,1	0,3	1,9	0,0	1,1	0,1	1,0	0,3	1,4	0,3	1,0	0,1	0,8	0,0	1,2	0,4	1,2	0,2	0,9	0,1	1,3	0,2	0,8	0,4	1,1	0,7
HP0126	ribosomal protein L20	1,4	0,2	1,3	0,4	1,4	0,1	1,2	0,2	0,9	0,3	1,3	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	1,2	0,1	1,4	0,1	1,0	0,1	1,4	0,2	0,6	0,3	0,5	0,0
HP0127	outer membrane protein	1,4	0,1	1,0	0,2	1,6	0,0	0,9	0,2	1,1	0,2	1,1	0,3	0,9	0,2	0,8	0,0	1,1	0,2	1,2	0,2	0,9	0,1	1,2	0,0	0,2	0,1	0,2	0,0
HP0128	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,1	0,3	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,7	0,1	0,9	N.D.	0,9	0,1	1,0	0,2	1,2	0,0	0,9	0,0	1,0	N.D.	1,0	0,0	0,7	N.D.
HP0129	hypothetical protein	1,1	0,2	0,9	0,1	1,4	0,2	1,0	0,1	0,8	0,1	1,2	0,2	1,2	0,3	1,0	0,1	1,1	0,4	0,8	0,3	0,8	0,3	1,0	0,2	1,3	0,2	1,3	0,3
HP0130	hypothetical protein	1,7	0,1	0,9	0,1	1,3	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	1,4	0,6	0,9	0,3	1,1	0,0	1,1	0,3	1,1	0,1	0,9	0,3	1,1	0,2	0,8	0,1	0,7	0,2
HP0132	L-serine deaminase	1,5	0,1	0,7	0,3	1,5	0,2	1,0	0,2	1,1	0,2	1,6	0,6	1,1	0,2	1,1	0,1	0,7	0,2	1,4	0,3	1,1	0,1	1,3	0,1	1,0	0,4	0,8	0,1
HP0133	serine transporter	1,5	0,1	0,8	0,1	1,6	0,0	0,9	0,1	1,3	0,3	1,3	0,4	1,1	0,1	1,0	0,0	0,6	0,2	1,0	0,2	0,8	0,1	1,3	0,2	0,8	0,2	1,0	0,1
HP0134	3-deoxy-D-arabino-heptulosonate 7-phosphate synthase	1,0	0,1	0,7	0,3	0,9	0,0	0,8	0,3	1,0	0,2	1,3	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	1,2	0,1	0,9	0,1	1,1	0,0	1,9	1,0
HP0135	hypothetical protein	0,8	0,2	0,9	0,1	0,6	0,0	0,9	0,0	1,1	0,1	1,0	0,2	1,5	0,4	1,3	0,1	1,8	0,1	1,2	0,2	1,9	0,4	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2
HP0136	bacterioferritin comigratory protein	0,9	0,2	1,0	0,2	0,8	0,1	1,1	0,2	1,1	0,2	1,2	0,2	0,9	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,5	0,0	1,3	0,1	1,4	0,2
HP0137	hypothetical protein	1,1	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,2	0,0	1,0	0,1	1,2	0,4
HP0138	conserved hypothetical iron-sulfur protein	0,7	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1	1,1	0,0	0,9	0,2	1,1	0,3	1,1	0,1	0,8	0,2	0,9	0,1	0,9	0,0	1,2	0,2	1,1	0,0	0,9	0,2	1,3	0,3
HP0139	conserved hypothetical secreted protein	0,6	0,1	0,9	0,1	0,7	0,0	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	1,1	0,2	0,8	0,1	1,3	0,2	1,2	0,2	1,5	0,5	0,8	0,1	1,2	0,1	1,5	0,5
HP0140	L-lactate permease	0,6	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,3	0,2	0,9	0,2	0,8	0,1	0,8	0,1	0,8	0,4	1,1	0,2	1,1	0,6	1,5	0,0	1,1	0,3	2,2	0,2
HP0141	L-lactate permease	0,6	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,2	0,3	1,0	0,1	0,7	0,1	0,8	0,1	0,8	0,4	0,8	0,0	1,6	0,9	1,2	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2
HP0142	A/G-specific adenine glycosylase	0,6	N.D.	1,1	0,3	0,9	0,1	0,9	0,2	1,1	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	1,2	0,0	0,7	0,1	1,2	0,2	1,0	0,0	1,5	N.D.	1,0	0,2	0,9	0,3
HP0143	2-oxoglutarate/malate translocator, authentic frameshift	1,7	0,1	0,9	0,2	1,5	0,1	0,8	0,1	1,1	0,3	1,2	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	0,8	0,2	1,1	0,0	1,0	0,1	1,3	0,2	0,9	0,2	1,5	0,9
HP0144	cytochrome c oxidase, heme b and copper-binding subunit, membrane-bound	1,3	0,2	0,8	0,1	1,6	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	0,8	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,2	0,0	1,0	0,9	1,4	0,1
HP0145	cytochrome c oxidase, monoheme subunit, membrane-bound	1,4	0,1	0,8	0,2	1,6	0,0	1,1	0,1	1,2	0,5	1,3	0,2	1,0	0,1	0,8	0,0	0,9	0,1	1,1	0,2	0,6	0,0	1,3	0,2	0,7	0,2	1,0	0,1
HP0146	cbb3-type cytochrome c oxidase subunit Q	1,4	0,2	0,8	0,2	1,8	0,2	1,1	0,1	1,2	0,6	1,2	0,0	1,0	0,1	1,0	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	0,7	0,2	1,2	0,3	1,1	0,3	1,2	0,2
HP0147	cytochrome c oxidase, diheme subunit, membrane-bound	1,2	0,1	0,8	0,1	1,5	0,0	1,1	0,1	1,2	0,5	1,6	0,5	1,1	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	0,5	0,1	1,5	0,3	0,9	0,2	1,1	0,1
HP0148	hypothetical protein	1,5	0,2	0,8	0,1	1,5	0,1	1,3	0,2	1,1	0,4	1,5	0,1	1,1	0,2	0,9	0,0	1,0	0,3	1,2	0,2	0,6	0,2	1,4	0,5	1,1	0,2	1,1	0,3
HP0149	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,1	0,2	1,6	0,0	1,0	0,1	1,4	0,5	1,4	0,4	1,1	0,1	0,9	0,0	0,8	0,1	1,4	0,4	0,6	0,1	1,3	0,1	0,9	0,2	0,9	0,2
HP0150	hypothetical protein	1,3	0,1	1,1	0,1	1,4	0,1	1,0	0,1	1,2	0,3	1,2	0,2	1,1	0,2	1,1	0,0	0,9	0,1	1,3	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	1,0	0,3
HP0151	conserved hypothetical membrane protein	1,1	0,2	1,1	0,2	1,4	0,1	1,2	0,2	1,0	0,2	0,9	0,0	0,8	0,2	1,0	0,1	0,8	0,1	0,8	0,1	1,4	0,3	1,1	0,0	1,5	0,3	1,1	0,1
HP0152	hypothetical protein	0,8	0,1	1,2	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	0,9	0,2	1,1	0,2	1,3	0,1	1,4	0,1	1,3	0,1
HP0153	recombinase	0,7	0,1	0,9	0,1	0,7	0,0	1,0	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,2	0,2	1,1	0,2	1,0	0,1	0,9	0,3
HP0154	enolase	0,7	0,1	0,9	0,1	0,7	0,1	0,8	0,1	0,9	0,3	1,1	0,1	1,0	0,2	0,8	0,2	0,8	0,1	0,8	0,1	1,0	0,2	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3
HP0155	hypothetical protein	0,7	0,1	1,0	0,2	0,7	0,0	1,0	0,0	1,0	0,2	1,1	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1	0,9	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,3	0,1	1,2	0,3
HP0156	hypothetical protein	0,5	N.D.	1,3	0,1	0,6	0,1	1,0	0,2	1,0	0,4	1,1	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	0,8	0,1	1,1	0,2	1,2	0,0	0,9	0,2	0,9	0,2
HP0157	shikimic acid kinase I	0,6	0,1	1,2	0,1	0,7	0,0	1,2	0,2	1,1	0,4	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,0	0,0	1,4	0,6	1,2	0,1	1,0	0,3	1,3	0,9
HP0158	hypothetical protein	0,5	0,0	1,1	0,2	0,7	0,1	1,1	0,1	1,1	0,3	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	0,8	0,2	1,0	0,1	1,8	1,0	1,2	0,1	0,9	0,3	0,8	0,0
HP0159	lipopolysaccharide 1,2-glucosyltransferase	1,5	0,1	0,7	0,2	1,2	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	1,2	0,2	1,1	0,1
HP0160	conserved hypothetical secreted protein	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,5	0,5	0,9	0,3	0,9	0,1	1,1	0,3	1,1	0,1	1,3	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2
HP0162	conserved hypothetical protein	1,1	0,1	1,5	0,3	0,8	0,0	1,0	0,0	0,9	0,2	1,4	0,4	1,0	0,4	1,3	0,1	1,7	0,3	1,1	0,3	1,5	0,2	1,5	0,3	0,9	0,4	0,9	0,1
HP0163	delta-aminolevulinic acid dehydratase	1,0	0,1	1,4	0,5	0,7	0,1	1,2	0,1	0,9	0,2	1,3	0,2	1,1	0,2	1,3	0,0	1,6	0,2	0,7	0,3	1,8	0,4	1,2	0,4	1,1	0,1	0,9	0,2
HP0164	signal-transducing protein, histidine kinase	1,1	0,2	1,4	0,2	1,1	0,1	1,3	0,2	0,9	0,2	1,3	0,3	1,0	0,1	1,2	0,1	1,5	0,4	1,7	0,3	1,3	0,4	1,2	0,1	1,4	0,2	1,2	0,2
HP0165	Histidine kinase	1,0	0,1	1,4	0,3	0,9	0,1	1,4	0,2	0,8	0,2	1,3	0,3	1,0	0,2	1,1	0,0	2,6	0,6	2,1	0,3	1,3	0,1	1,2	0,2	1,6	0,3	1,8	0,6
HP0166	Response regulator	0,8	0,0	1,3	0,3	0,9	0,0	1,3	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	1,1	0,3	1,0	0,0	2,9	0,3	1,5	0,2	1,6	0,2	1,1	0,1	1,4	0,5	1,9	0,9
HP0167	hypothetical protein	0,9	N.D.	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	1,1	0,2	1,0	0,1	1,3	0,1	1,2	0,4	0,8	0,2	1,3	0,0	0,9	0,1	1,2	0,1	1,4	0,3
HP0168	hypothetical protein	0,8	0,1	0,8	0,2	1,0	0,0	1,1	0,2	1,0	0,3	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	0,7	0,0	1,5	0,4	1,0	0,1	1,3	0,3	1,1	0,1
HP0169	collagenase	0,5	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	0,9	0,0	0,9	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,2	0,2	1,2	0,0	1,7	0,2	1,9	0,4
HP0170	hypothetical protein	0,7	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	1,0	0,0	1,0	0,3	0,8	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	0,8	0,2	0,7	0,1	0,9	0,2	0,8	0,1	2,1	0,3	2,5	0,9
HP0171	peptide chain release factor RF-2	0,6	N.D.	0,9	0,1	0,8	0,1	0,8	0,0	0,9	0,3	0,9	0,0	0,9	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,3	0,2	1,1	0,0	1,1	0,2	1,1	0,2
HP0172	molybdopterin biosynthesis protein	1,0	0,2	1,3	0,6	0,9	0,1	1,3	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	1,1	0,0	1,0	0,2	1,6	0,4
HP0173	flagellar biogenesis regulatory protein (*fliR*)	0,6	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,4	0,2	1,1	0,0	1,1	0,1
HP0174	hypothetical protein	0,7	0,2	1,0	0,1	0,8	0,0	1,4	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	1,1	0,1	1,2	0,1	1,2	0,1	1,1	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,3	0,5	N.D.	N.D.
HP0175	cell binding factor 2	0,7	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	1,0	0,2	0,8	0,1	1,2	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	0,8	0,2	1,2	0,3
HP0176	fructose-bisphosphate aldolase	1,2	0,1	0,9	0,1	1,1	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	1,2	0,2	1,0	0,2	0,7	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	0,8	0,1	3,7	3,3
HP0177	translation elongation factor EF-P	1,3	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,2	0,3	1,8	0,6	1,0	0,2	0,9	0,1	1,2	0,1	1,3	0,1	0,8	0,2	1,6	0,5	1,0	0,2	1,2	0,2
HP0178	spore coat polysaccharide biosynthesis protein E	1,0	0,1	1,1	0,2	1,1	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	0,9	0,2	1,0	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,3	0,0	0,7	0,3	0,9	0,2
HP0179	ABC transporter, ATP-binding protein	1,0	0,0	1,2	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	1,3	0,4	1,1	0,3	1,3	0,1	0,9	0,1	0,7	0,1	1,5	0,4	1,3	0,2	0,5	0,1	0,6	0,1
HP0180	apolipoprotein N-acyltransferase	1,4	0,1	1,1	0,2	1,3	0,1	1,0	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,3	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,3	0,0	1,2	0,1	1,2	0,2	1,5	0,5
HP0181	hypothetical protein	1,2	0,1	1,2	0,1	1,0	0,0	1,1	0,2	1,0	0,1	1,3	0,5	0,8	0,3	1,0	0,1	0,9	0,1	0,7	0,0	1,7	0,3	0,9	0,2	1,0	0,2	0,8	0,3
HP0182	lysyl-tRNA synthetase	1,4	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,4	0,1	1,1	0,1	0,8	0,2	0,8	0,1
HP0183	serine hydroxymethyltransferase	1,2	0,2	1,1	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,8	0,0	1,0	0,0	1,0	0,0	1,1	0,2	0,9	0,2	0,8	0,1
HP0184	hypothetical protein	0,8	0,1	1,0	0,1	0,7	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,1	0,3	1,1	0,1	0,7	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	1,2	0,2	0,9	0,1	0,9	0,3
HP0185	hypothetical protein	0,7	0,1	1,0	0,2	0,7	0,1	1,1	0,2	1,1	0,3	1,0	0,1	1,1	0,3	0,9	0,1	0,7	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	1,5	0,2	0,9	0,1	1,2	0,6
HP0186	hypothetical protein	0,9	0,1	0,8	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,7	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	1,3	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	1,5	0,3
HP0187	hypothetical protein	0,8	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,7	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	0,8	0,1	0,8	0,2	1,0	0,2	0,9	0,0	1,2	0,1	0,9	N.D.
HP0188	hypothetical protein	0,8	N.D.	0,9	0,2	0,7	N.D.	0,8	0,2	1,1	0,2	1,0	0,3	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,0	1,1	0,1	1,3	0,1
HP0189	conserved hypothetical integral membrane protein	0,6	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	0,8	0,2	0,9	0,1	1,2	0,2	1,0	0,2	1,1	0,3	1,2	0,0	1,1	0,2	1,2	0,2
HP0190	conserved hypothetical secreted protein	0,7	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,8	0,2	1,6	0,5	1,2	0,3	1,1	0,1	1,0	0,0	1,1	0,2
HP0191	fumarate reductase, iron-sulfur subunit	0,8	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	1,1	0,3	0,9	0,2	0,8	0,1	0,6	0,1	1,1	0,1	0,7	0,1	1,2	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1
HP0192	no description available	1,1	0,0	0,8	0,1	1,7	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	N.D.	0,8	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	0,7	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,0	0,2
HP0193	fumarate reductase, cytochrome b subunit	1,0	0,1	0,8	0,1	1,5	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,3	0,4	1,0	0,3	0,8	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	0,8	0,2	1,4	0,4	0,9	0,2	0,9	0,2
HP0194	triosephosphate isomerase	2,4	0,0	1,1	0,1	1,5	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,4	0,3	1,1	0,2	1,0	0,0	1,2	0,2	1,1	0,1	0,8	0,2	1,4	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1
HP0195	enoyl-(acyl-carrier-protein) reductase (NADH)	1,8	0,2	1,0	0,1	1,4	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	1,5	0,3	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,8	0,2	1,2	0,3	1,0	0,1	1,0	0,1
HP0196	UDP-3-0-(3-hydroxymyristoyl) glucosamine N-acyltransferase	1,5	0,1	0,8	0,3	1,2	0,0	1,0	0,1	1,0	0,3	1,2	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	0,0	0,9	0,1	0,9	0,3	1,2	0,1	0,8	0,1	0,8	0,1
HP0197	S-adenosylmethionine synthetase 2	1,2	0,1	0,9	0,4	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,3	0,4	0,9	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	0,7	0,1	1,3	0,2	1,0	0,2	0,8	0,1	0,8	0,1
HP0198	nucleoside diphosphate kinase	1,3	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	1,1	0,2	1,2	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,0	1,3	0,1	1,0	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1
HP0199	hypothetical protein	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	0,9	0,0	1,2	0,2	1,3	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	1,2	0,2	0,8	0,0	1,2	0,2	0,9	0,2
HP0200	ribosomal protein L32	0,7	0,1	1,4	0,2	0,7	0,0	1,4	0,5	0,9	0,3	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,1	0,1	1,4	0,1	1,3	0,3	1,1	0,1	1,1	0,2	0,7	0,1
HP0201	fatty acid/phospholipid synthesis protein	0,4	0,1	1,5	0,1	0,5	0,1	1,3	0,4	0,9	0,5	1,1	0,2	0,9	0,3	0,8	0,2	0,9	0,1	0,8	0,2	1,4	0,5	1,1	0,2	0,7	0,1	0,4	0,2
HP0202	beta-ketoacyl-acyl carrier protein synthase III	0,5	0,1	1,4	0,1	0,6	0,0	1,2	0,2	0,9	0,5	0,8	0,0	0,8	0,3	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,4	0,4	1,2	0,2	0,5	0,0	0,3	0,1
HP0203	hypothetical protein	0,9	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	1,2	0,2	1,0	0,2	0,7	0,0	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	1,0	0,0	0,8	0,1	0,5	0,1
HP0204	hypothetical protein	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	1,4	0,2	0,9	0,2	1,3	0,1	1,4	0,4	1,1	0,1	1,3	0,4	1,2	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,3	0,2	1,9	0,4
HP0205	hypothetical protein	0,7	0,1	0,9	0,1	0,8	0,2	1,1	0,2	1,0	0,2	1,0	N.D.	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	N.D.	1,1	0,3	1,0	0,1
HP0206	hypothetical protein	0,7	0,1	1,1	0,2	0,8	0,0	1,2	0,1	1,0	0,2	1,4	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	N.D.	1,3	0,4	1,3	N.D.
HP0207	ATP-binding protein	0,7	N.D.	1,0	0,1	0,5	0,1	1,0	0,1	0,9	0,3	1,3	0,2	0,9	0,2	1,0	0,2	1,7	0,2	0,9	0,2	1,6	0,2	1,2	0,1	1,1	0,4	1,2	0,3
HP0208	lipopolysaccharide 1,2-glucosyltransferase, authentic frameshift	1,1	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.	0,7	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,5	0,2	0,9	0,1	1,2	0,2	1,1	0,0	1,1	0,2	1,0	0,3
HP0209	hypothetical protein	1,4	0,3	0,9	0,3	1,3	0,2	1,1	0,2	1,2	0,3	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	0,7	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	1,2	0,1	1,0	0,2
HP0210	no description available	1,4	0,0	0,9	0,2	1,3	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,2	0,3	0,9	0,1	1,0	0,1	1,2	0,2	1,5	0,5	1,0	0,1	1,2	0,1	1,3	0,1	1,0	0,2
HP0211	conserved hypothetical secreted protein	N.D.	N.D.	1,1	0,2	1,8	0,0	1,0	0,1	1,3	0,4	1,3	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,3	0,7	0,2	1,2	0,3	1,2	0,4	1,4	0,1
HP0212	succinyl-diaminopimelate desuccinylase	1,2	0,1	0,9	0,1	1,2	0,0	0,9	0,1	1,0	0,3	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	1,1	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	1,1	0,1	1,4	0,2
HP0213	glucose inhibited division protein	0,9	0,1	0,9	0,2	0,8	0,0	0,9	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,0	1,0	0,0	1,4	0,1	1,1	0,2	1,1	0,3	0,8	0,3	0,6	0,0
HP0214	sodium-dependent transporter	1,8	0,0	1,0	0,1	1,4	0,0	1,2	0,2	1,1	0,2	1,1	0,2	1,1	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,4	0,4	0,9	0,1	1,2	0,0	1,1	0,2	1,4	0,2
HP0215	CDP-diglyceride synthetase	1,2	0,2	0,9	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	1,6	0,5	0,8	0,2	0,8	0,0	0,9	0,0	1,1	0,2	1,0	0,2	1,1	0,1	1,1	0,3	0,8	0,1
HP0216	no description available	0,6	0,1	0,8	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	1,0	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1
HP0217	no description available	0,7	0,1	0,9	0,2	0,9	0,2	1,0	0,2	1,0	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,0	1,1	0,0	0,9	0,1
HP0218	hypothetical protein	0,8	0,1	0,9	0,3	0,8	0,1	0,9	0,1	1,3	0,5	1,0	0,2	1,0	0,3	0,8	0,1	0,7	0,1	1,6	0,0	0,6	0,1	1,5	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2
HP0219	hypothetical protein	0,8	N.D.	0,9	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	1,1	0,3	1,0	0,0	1,3	0,2	0,9	0,0
HP0220	synthesis of [Fe-S] cluster	0,7	0,1	1,2	0,1	0,6	0,0	1,1	0,1	0,7	0,4	1,2	0,1	1,2	0,3	1,2	0,2	1,3	0,3	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,1	0,4	1,0	0,3
HP0221	nifU-like protein	0,8	0,0	1,2	0,1	0,6	0,1	1,1	0,1	0,7	0,4	N.D.	N.D.	1,1	0,4	N.D.	N.D.	1,3	0,1	1,1	0,2	1,9	0,1	1,5	N.D.	0,9	0,3	0,7	0,2
HP0222	hypothetical protein	0,8	0,1	0,9	0,1	0,6	0,0	0,9	0,1	0,7	0,3	1,4	0,2	1,1	0,1	1,4	0,2	1,4	0,2	1,2	0,2	1,6	0,2	0,9	0,1	0,6	0,2	0,3	0,0
HP0223	ATP-dependent protease	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0224	peptide methionine sulfoxide reductase	1,9	0,0	0,9	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,3	1,3	0,2	1,2	0,2	0,8	0,1	1,1	0,2	1,3	0,2	0,9	0,4	1,2	0,3	1,0	0,2	0,8	N.D.
HP0226	conserved hypothetical integral membrane protein	1,5	0,2	1,0	0,1	1,1	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	1,3	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,0	3,1	2,7
HP0227	no description available	N.D.	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,3	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0228	conserved hypothetical integral membrane protein	1,4	0,0	0,9	0,1	1,5	0,2	0,9	0,2	1,1	0,4	1,3	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,0	0,8	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,2	0,4	1,2	0,2
HP0229	outer membrane protein	1,3	0,0	0,9	0,2	1,3	0,1	0,8	0,0	1,1	0,2	1,3	0,3	1,0	0,1	0,7	0,0	1,3	0,2	1,5	0,2	0,5	0,2	1,6	0,2	0,9	0,1	1,2	0,3
HP0230	CTP:CMP-3-deoxy-D-manno-octulosonate-cytidylyl-transferase	1,6	0,1	1,3	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,2	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	0,7	0,1	1,0	0,1	0,9	N.D.	1,0	0,1	0,8	0,3
HP0231	hypothetical protein	1,1	0,0	1,0	0,1	1,1	0,0	1,2	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	1,0	0,2	0,7	0,1	1,4	0,2	0,8	0,1	1,3	0,3	1,2	0,1	1,0	0,2	1,6	0,6
HP0232	secreted protein involved in flagellar motility	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,2	0,2	0,9	0,2	1,1	0,3	1,0	0,2	0,8	0,0	1,1	0,1	0,7	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1
HP0233	conserved hypothetical protein	0,6	0,0	0,9	0,1	0,7	0,0	1,0	0,1	0,9	0,2	0,8	0,0	1,1	0,2	0,9	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,3	0,9	0,2
HP0234	conserved hypothetical integral membrane protein	0,8	0,0	1,2	0,3	0,9	0,1	1,1	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,2	0,3
HP0235	no description available	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1	1,1	0,0	0,8	0,1	1,0	0,1	1,3	0,2	0,9	0,2	1,2	0,2	0,8	0,1	0,9	0,2
HP0236	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,1	0,7	N.D.	1,0	0,3	1,2	0,3	1,0	0,1	1,2	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	N.D.	1,1	0,3	0,9	0,0
HP0237	porphobilinogen deaminase	0,7	0,1	0,9	0,1	0,6	0,0	0,9	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,3	1,2	0,2	1,0	0,1	1,3	0,0	1,5	0,3	1,1	0,2	1,0	0,3	0,9	0,2
HP0238	no description available	0,9	0,1	0,9	0,2	0,9	0,2	0,9	0,2	1,0	0,2	1,0	0,0	1,1	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	1,3	0,2	1,2	0,2	1,0	0,1	0,9	0,3	0,8	0,2
HP0239	no description available	0,8	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	1,0	0,0	1,3	0,6	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	N.D.	0,9	0,1	0,9	0,2
HP0240	octaprenyl-diphosphate synthase	0,9	0,0	1,2	0,2	1,2	0,2	1,1	0,2	1,2	0,2	0,8	0,0	1,0	0,1	1,3	0,1	1,2	0,0	1,4	0,1	1,2	0,1	1,2	0,1	1,2	0,2	0,8	N.D.
HP0241	hypothetical protein	2,4	0,1	1,7	0,3	1,3	0,0	1,2	0,2	1,4	0,4	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	1,3	0,0	1,2	0,2	1,2	0,1	1,2	0,1	1,3	0,3	0,7	0,3
HP0242	hypothetical protein	2,2	0,4	1,0	0,1	1,7	0,1	0,9	0,1	1,6	0,5	1,3	0,1	1,1	0,4	0,9	0,1	1,5	0,4	1,2	0,4	1,0	0,1	1,5	0,2	1,4	0,2	1,2	0,4
HP0243	neutrophil activating protein (napA)	2,6	0,0	0,8	0,2	1,5	0,1	0,9	0,4	1,5	0,6	1,7	0,4	1,4	0,4	0,8	0,0	2,1	0,8	1,6	0,5	0,7	0,4	2,4	0,3	1,9	0,4	1,1	0,3
HP0244	Histidine kinase specific for *flgR*	1,1	N.D.	1,2	0,1	1,1	N.D.	1,1	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	1,1	0,0	1,1	0,0	1,2	0,1	1,0	0,0	1,1	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	0,5	0,1
HP0245	hypothetical protein	1,3	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,8	0,3	1,0	0,2	1,0	0,2	1,2	0,3	1,1	0,0	1,0	0,1	0,7	0,1	1,1	0,0	1,5	N.D.	0,9	0,1	2,0	0,4
HP0246	Basal body P-ring protein (*flgI*)	1,7	0,2	1,0	0,1	1,3	0,0	0,9	0,1	1,1	0,2	1,2	0,1	1,0	0,1	1,1	0,0	1,0	0,1	1,0	0,3	1,0	0,1	1,2	0,2	1,0	0,0	1,1	0,3
HP0247	no description available	1,1	0,0	1,1	0,1	0,9	0,0	1,0	0,0	1,0	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	1,4	0,2	1,1	0,1	1,2	0,3	1,2	0,1	1,0	0,0	1,0	0,2
HP0248	conserved hypothetical protein	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,0	0,9	0,1	0,9	0,0	1,1	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,3	0,7	0,1
HP0249	hypothetical protein	0,6	0,0	1,0	0,2	0,7	0,0	1,1	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	1,0	0,2	1,1	0,2	1,0	0,1	1,3	0,2	1,0	0,1	1,2	0,1	1,1	0,1	0,7	0,1
HP0250	oligopeptide ABC transporter, ATP-binding protein	0,7	0,1	0,9	0,2	0,8	0,1	0,7	0,3	1,1	0,3	0,8	N.D.	1,2	0,3	0,9	0,1	0,8	0,0	0,8	0,0	0,8	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1
HP0251	oligopeptide ABC transporter, permease protein	0,7	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	0,7	0,1	1,3	0,4	1,2	0,3	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,2
HP0252	outer membrane protein	0,8	0,0	1,1	0,2	0,8	0,1	1,2	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,3	0,3	1,0	0,2	1,0	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1
HP0253	hypothetical protein	0,6	0,0	1,1	0,1	0,7	0,0	1,1	0,1	0,9	0,2	0,7	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,2	1,1	0,2	0,8	N.D.	0,9	0,1	0,8	0,1
HP0254	outer membrane protein	0,7	N.D.	1,3	0,2	1,0	N.D.	1,1	0,1	0,9	0,3	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	0,8	0,0	1,1	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	0,6	0,2
HP0255	adenylosuccinate synthetase	0,4	0,1	0,8	0,2	0,5	0,0	0,8	0,2	0,9	0,2	0,7	0,0	0,8	0,0	1,1	0,2	0,6	0,1	1,4	0,3	1,6	0,5	1,1	0,1	0,7	0,2	0,8	0,2
HP0256	hypothetical protein	0,5	0,1	1,6	0,6	0,6	0,1	1,2	0,3	1,0	0,5	0,9	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	0,7	0,2	1,0	0,1	1,4	0,4	0,7	0,1	0,9	0,1	0,5	0,0
HP0257	conserved hypothetical secreted protein	1,0	0,0	1,1	0,1	0,9	0,0	1,1	0,1	1,1	0,4	0,9	0,1	1,1	0,1	1,2	0,0	0,8	0,3	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,1	0,9	0,1	0,7	0,1
HP0258	conserved hypothetical integral membrane protein	1,0	0,1	1,1	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	1,2	0,3	1,1	0,0	0,9	0,2	1,1	0,0	1,1	0,0	1,1	0,1	1,2	0,1	1,4	0,1	1,1	0,1	0,6	0,3
HP0259	no description available	1,6	0,0	1,0	0,2	1,3	0,0	0,9	0,1	1,1	0,4	1,0	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,8	0,0	1,3	0,1	0,6	0,1
HP0260	adenine specific DNA methyltransferase	1,4	0,1	0,7	0,1	1,3	0,1	0,9	0,2	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,0	1,0	0,0	1,0	0,1	1,2	0,4	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	0,0	1,0	0,1
HP0261	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,0	1,2	0,2	1,1	0,0	1,2	N.D.	1,1	N.D.	1,0	0,1	2,2	N.D.	1,2	0,1	1,3	0,3
HP0262	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,2	1,1	0,2	1,4	0,1	1,2	0,1	0,6	0,1	1,6	0,2	2,3	N.D.	1,1	0,1	1,9	0,7
HP0263	adenine specific DNA methyltransferase	1,2	0,2	1,2	0,1	1,0	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	1,2	0,1	0,8	0,2	1,3	0,1	3,9	N.D.	1,1	0,1	1,2	0,5
HP0264	ATP-dependent protease binding subunit	1,2	0,1	0,8	0,1	1,2	0,1	0,8	0,2	0,9	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,3	0,5
HP0265	cytochrome c biogenesis protein	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,0	1,0	0,3	0,9	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	0,7	0,1	1,2	0,4	0,9	0,1	1,0	0,0	0,8	0,1	1,2	0,1
HP0266	dihydroorotase	0,7	0,0	1,1	0,0	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,0	0,9	0,2	0,8	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,0	0,9	0,1	1,1	0,2
HP0267	chlorohydrolase	0,8	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	1,1	0,2	0,9	0,2	0,8	0,0	1,2	0,2	0,9	0,0	1,2	0,1	0,9	0,2	0,8	0,1
HP0268	hypothetical protein	1,0	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	1,1	0,3	1,2	0,2	1,1	0,1	0,8	0,1	0,8	0,1	1,1	0,2	0,7	0,1	1,3	0,1	0,8	0,3	1,1	0,2

HP0269	conserved hypothetical ATP-binding protein	0,7	0,1	0,8	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	1,0	0,3	0,9	0,0	0,9	0,2	0,9	0,1	0,7	0,1	1,2	0,3	1,1	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,0	0,3
HP0270	hypothetical protein	0,6	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,3	0,8	0,0	0,8	0,2	0,9	0,1	0,6	0,1	0,8	0,0	1,3	0,2	1,0	0,0	0,8	0,1	0,8	0,3
HP0271	hypothetical protein	0,7	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	0,9	0,0	0,9	0,2	1,2	0,2	0,7	0,2	1,0	0,2	1,4	0,4	1,0	0,1	0,9	0,2	0,5	0,0
HP0272	hypothetical protein	1,0	0,0	1,0	0,2	1,2	0,2	0,9	0,1	1,1	0,4	1,0	0,0	1,0	0,2	1,3	0,2	0,9	0,1	0,9	0,2	1,2	0,1	1,3	N.D.	0,9	0,5	0,7	0,0
HP0273	hypothetical protein	1,2	0,0	1,0	0,2	1,2	0,0	1,1	0,2	1,1	0,3	1,2	0,1	1,0	0,2	1,3	0,0	1,0	0,1	0,9	0,2	1,5	0,4	1,4	0,1	1,1	0,2	0,6	0,2
HP0274	conserved hypothetical protein	1,3	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	1,4	0,1	1,1	0,1	1,3	0,0	1,2	0,1	0,7	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	1,2	0,2	0,8	0,0
HP0275	no description available	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0276	hypothetical protein	1,1	0,2	0,9	0,2	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,3	1,4	0,2	0,9	0,1	1,2	0,1	1,3	0,3	1,4	0,5	1,2	0,1	1,7	0,6	1,2	0,2	0,8	0,1
HP0277	ferredoxin	0,7	0,0	1,0	0,1	0,6	0,0	1,1	0,1	1,0	0,4	1,1	0,3	1,2	0,2	1,0	0,1	1,6	0,4	0,8	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,3	1,3	0,2
HP0278	guanosine pentaphosphate phosphohydrolase	0,4	0,0	1,3	0,2	0,6	0,1	1,4	0,4	1,0	0,4	1,0	0,1	1,0	0,3	1,2	0,1	1,6	0,3	0,8	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,0	1,0	0,3	0,9	0,2
HP0279	lipopolysaccharide heptosyltransferase-1	0,8	0,1	1,5	0,4	0,9	0,0	1,1	0,1	1,1	0,4	1,1	0,1	1,0	0,2	1,4	0,1	1,4	0,4	1,1	0,2	2,3	1,1	1,4	0,0	1,2	0,5	0,7	0,3
HP0280	heat shock protein B	1,0	0,1	0,9	0,2	0,8	0,1	1,4	0,4	0,9	0,2	1,4	0,2	1,2	0,2	1,2	0,1	1,3	0,2	1,2	0,2	1,4	0,3	1,3	0,2	1,3	0,3	0,9	0,1
HP0281	no description available	0,8	0,1	1,2	0,3	0,8	0,0	1,0	0,3	1,1	0,2	0,8	0,1	1,3	0,4	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,0	0,9	0,1	1,4	0,3
HP0282	hypothetical protein	0,7	0,0	1,4	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	0,9	0,3	0,9	0,1	1,0	0,0	0,8	0,1	0,8	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,0	1,1	0,1
HP0283	3-dehydroquinate synthase	1,0	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,1	0,2	1,2	0,2	1,0	0,1	0,8	0,3	1,3	0,3	0,9	0,0	0,9	0,3	0,7	0,1
HP0284	conserved hypothetical integral membrane protein	1,0	0,0	1,1	0,1	0,6	0,3	1,0	0,2	1,1	0,3	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	N.D.	1,0	0,1	0,8	0,1
HP0285	conserved hypothetical protein	0,8	0,0	0,9	0,1	1,0	0,0	0,9	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	1,1	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	1,0	0,0	1,1	0,2	0,9	0,1	1,1	N.D.
HP0286	cell division protein	0,8	N.D.	1,1	0,1	0,7	0,1	1,1	0,2	1,1	0,3	0,8	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	0,6	0,1	0,9	0,0	1,3	0,2	1,1	0,1	0,9	0,2	1,1	N.D.
HP0287	hypothetical protein	0,7	0,0	1,2	0,2	0,9	0,0	1,2	0,1	1,0	0,3	1,0	0,0	0,9	0,2	1,3	0,2	0,9	0,2	1,5	0,4	1,3	0,1	1,0	0,0	1,0	0,3	0,7	0,1
HP0288	hypothetical protein	0,8	0,0	1,1	0,3	0,8	0,1	1,1	0,3	1,0	0,4	1,0	0,0	1,0	0,1	1,2	0,1	1,0	0,2	1,3	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1
HP0289	toxin-like outer membrane protein	1,4	0,1	1,3	0,1	1,3	0,0	1,1	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	1,1	0,0	1,1	0,0	1,4	0,4	1,0	0,1	1,2	0,1	1,3	0,1	1,1	0,1	0,8	0,2
HP0290	diaminopimelate decarboxylase (dap decarboxylase)	0,7	0,1	1,1	0,2	0,7	0,1	1,2	0,1	0,9	0,3	1,2	0,2	0,8	0,2	1,2	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,4	0,0	0,9	0,1	0,8	0,0
HP0291	hypothetical protein	0,8	0,0	0,9	0,1	0,5	0,2	1,1	0,2	0,9	0,4	1,1	0,1	1,0	0,3	1,1	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,8	0,8	1,9	0,6	0,9	0,1	0,5	0,1
HP0292	hypothetical protein	0,7	0,1	1,0	0,1	0,6	0,1	0,8	0,2	0,9	0,3	1,3	0,2	1,1	0,2	1,5	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,3	0,1	0,7	0,1	0,5	0,1
HP0293	para-aminobenzoate synthetase	1,1	0,0	0,8	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,3	1,1	0,2	1,1	0,2	1,0	0,0	1,2	0,2	1,0	0,1	1,3	0,1	1,1	N.D.	1,0	0,2	0,4	0,1
HP0294	aliphatic amidase	0,7	0,1	1,3	0,8	0,1	0,0	1,1	0,5	1,8	1,4	0,7	0,1	0,8	0,3	0,6	0,1	11,0	3,3	0,8	0,4	6,2	0,8	0,3	0,0	16,9	3,4	1,2	0,3
HP0295	Flagellar hook associated protein 3/HAP3 (*flgL*)	1,2	0,0	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	2,2	0,8	3,2	0,8	72	73,9	5,8	0,7	8,4	1,4	5,0	4,9	5,6	1,3	6,3	1,6	0,4	0,1	10,4	6,9
HP0296	ribosomal protein L21	0,6	0,0	1,0	0,1	0,7	0,1	1,0	0,1	0,9	0,3	1,1	0,2	1,1	0,2	0,7	0,1	2,2	0,6	1,0	0,2	1,6	0,6	1,1	0,3	0,9	0,1	1,9	0,2
HP0297	ribosomal protein L27	0,5	0,0	1,0	0,1	0,7	0,0	1,1	0,2	0,9	0,2	0,8	0,1	1,1	0,3	0,8	0,1	1,5	0,2	1,4	0,2	1,0	0,3	1,2	0,3	0,5	0,1	0,6	0,2
HP0298	no description available	0,6	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,3	0,6	0,0	1,0	0,1	0,8	0,0	0,9	0,2	1,4	0,2	0,8	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	0,5	0,2
HP0299	dipeptide ABC transporter, permease protein	0,8	0,0	0,8	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	0,9	0,2	0,6	0,1	0,8	0,2	0,9	0,1	0,6	0,2	0,9	0,0	1,0	0,4	0,9	0,0	0,6	0,2	0,9	N.D.
HP0300	dipeptide ABC transporter, permease protein	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,7	0,0	0,9	0,1	0,7	0,1	0,6	0,2	0,9	0,1	1,1	0,4	0,9	0,0	0,6	0,1	0,7	0,1
HP0301	no description available	0,7	0,0	0,8	0,4	1,0	N.D.	0,9	0,1	0,9	0,1	0,7	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	0,6	0,1	1,2	0,0	0,9	0,1	0,7	N.D.	0,8	0,1	0,6	0,1
HP0302	dipeptide ABC transporter, ATP-binding protein	0,7	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,3	0,7	0,0	0,9	0,1	0,7	0,1	0,6	0,1	0,8	0,1	1,1	0,4	0,9	0,0	0,6	0,2	0,9	N.D.
HP0303	GTP-binding protein	0,7	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	0,8	0,2	0,7	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,6	0,2	1,0	0,2	1,2	0,4	0,9	0,1	0,8	0,0	0,6	0,2
HP0304	hypothetical protein	0,8	0,0	0,9	0,1	0,7	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	0,6	0,2	1,0	0,1	1,3	0,4	1,0	0,0	0,8	0,4	0,6	0,0
HP0305	hypothetical protein	1,3	0,1	1,0	0,4	0,9	0,0	1,1	0,2	0,8	0,1	1,3	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	1,8	0,6	1,7	0,3	1,0	0,2	1,6	0,4	1,2	0,3	0,7	0,1
HP0306	glutamate-1-semialdehyde 2,1-aminomutase	1,0	0,1	1,3	0,1	0,9	0,0	1,5	0,4	1,0	0,2	1,2	0,0	0,9	0,2	0,8	0,0	1,8	0,3	1,2	0,2	1,5	0,6	1,0	0,3	1,4	0,1	2,0	0,4
HP0307	hypothetical protein	1,1	0,0	0,9	0,4	1,1	N.D.	0,8	0,5	1,2	0,3	1,3	0,3	1,0	0,1	1,1	0,0	1,8	0,2	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,1	N.D.	1,3	0,6	1,1	0,0
HP0308	hypothetical protein	1,1	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,2	0,3	1,2	0,4	1,1	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	1,6	0,2	1,0	0,2	1,3	0,1	1,2	N.D.	1,4	0,3	0,9	0,2
HP0309	conserved hypothetical protein	1,2	0,1	1,1	0,1	1,0	0,0	1,1	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	1,1	0,0	1,2	0,2	0,9	0,1	1,8	0,4	1,1	0,1	0,9	0,1	1,3	0,5
HP0310	conserved hypothetical protein	1,2	0,1	0,9	0,0	0,8	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	0,6	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,7	0,2	1,1	0,1	0,7	0,1	1,5	0,7	0,6	0,1
HP0311	hypothetical protein	1,6	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	0,6	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	1,0	0,2	0,7	0,1	1,3	0,4	0,7	0,1	1,4	0,4	1,0	0,3
HP0312	conserved hypothetical ATP-binding protein	1,1	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,7	0,1	0,8	0,1	0,9	0,0	1,0	0,2	0,8	0,1	1,4	0,4	0,8	0,1	1,5	0,4	0,9	0,0
HP0313	nitrite extrusion protein	0,8	0,0	1,0	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	1,1	0,0	1,1	0,2	0,9	0,0	1,1	0,3	1,0	0,2
HP0315	virulence associated protein D	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,1	N.D.	1,1	0,0	1,2	0,2	0,5	0,0	1,2	0,1	1,1	N.D.	1,3	N.D.	1,3	0,0
HP0316	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,3	0,3	1,1	N.D.	1,1	0,2	1,3	N.D.	0,7	0,1	1,3	0,2	1,3	N.D.	1,1	N.D.	1,3	N.D.
HP0317	outer membrane protein	0,7	0,1	0,7	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,3	1,1	N.D.	1,4	0,7	1,0	0,1	0,8	0,1	0,8	0,0	1,0	0,0	0,9	0,1	0,9	0,0	0,9	N.D.
HP0318	conserved hypothetical protein	1,1	0,0	0,7	0,1	1,5	0,1	0,8	0,1	1,3	0,6	1,3	0,2	1,5	0,3	0,8	0,1	0,6	0,2	1,4	0,1	0,3	0,0	1,0	0,1	0,5	0,1	0,7	N.D.
HP0319	arginyl-tRNA synthetase	0,7	0,0	1,1	0,1	0,8	0,0	1,1	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	0,8	0,0	0,8	0,1	0,9	0,2	0,7	0,1	0,9	0,1	1,0	N.D.	1,0	0,1	0,7	0,2
HP0320	conserved hypothetical secreted protein	1,0	0,0	1,0	0,2	1,1	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	0,7	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2
HP0321	5'-guanylate kinase	0,8	0,0	0,9	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,3	0,8	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,3	0,1	0,9	0,1	1,3	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1
HP0322	no description available	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0323	membrane bound endonuclease	1,3	0,0	0,8	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	0,8	0,2	1,1	0,2	1,2	0,3	0,8	0,1	1,2	0,3	1,0	0,4	0,8	0,3	1,3	0,1	1,3	0,2	1,6	0,5
HP0324	outer membrane protein	1,3	0,2	1,0	0,1	1,2	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	1,3	0,1	1,2	0,1	1,5	0,2
HP0325	Basal body L-ring protein (*flgH*)	1,1	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,1	0,2	1,1	0,1	1,3	0,1	0,9	0,1	1,3	0,2	1,0	0,1	0,6	0,2	0,4	0,0
HP0326	(*neuA*)	1,4	0,1	1,1	0,1	1,3	0,1	1,2	0,1	1,1	0,3	1,0	0,1	0,9	0,0	1,1	0,1	1,6	0,1	0,8	0,1	1,3	0,0	1,2	N.D.	1,0	0,2	1,3	0,4
HP0327	(*flaG1/flmH*)	N.D.	N.D.	1,7	0,7	N.D.	N.D.	1,4	0,3	1,2	0,4	1,1	0,2	1,1	0,1	1,5	0,1	1,6	0,4	0,9	0,0	1,5	0,1	1,1	N.D.	1,3	0,4	1,1	N.D.
HP0328	conserved hypothetical protein	1,3	0,1	1,1	0,2	1,4	0,0	1,0	0,1	1,1	0,3	1,0	0,1	0,9	0,0	1,2	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,3	0,1	1,0	0,0	0,9	0,2	1,2	0,2
HP0329	NH(3)-dependent NAD+ synthetase	1,4	0,3	1,0	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	1,2	0,2	0,8	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	0,8	0,0	0,8	0,1	1,1	0,1	0,7	0,0	1,4	0,5	0,8	0,2
HP0330	ketol-acid reductoisomerase	1,4	0,2	0,9	0,2	1,5	0,1	0,9	0,2	0,9	0,2	0,7	0,1	0,9	0,0	0,9	0,0	0,8	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,1	0,4	0,9	0,1	0,8	0,1
HP0331	cell division inhibitor	1,6	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	0,7	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,3	0,3	0,8	0,2	1,5	0,2	1,2	0,2	0,8	0,1
Hp0332	no description available	1,2	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,3	0,5	0,0	1,0	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	1,5	0,2	1,0	0,2	0,9	0,0	1,0	0,1	1,2	0,1
HP0333	DNA processing chain A	0,7	0,0	1,0	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	0,6	0,1	0,9	0,3	1,0	0,1	0,8	0,1	1,4	0,2	1,0	0,2	1,2	0,4	0,9	0,3	1,0	0,1
HP0334	conserved hypothetical protein	1,0	0,1	0,9	0,3	1,4	0,2	1,1	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	1,2	0,1	1,0	0,1	0,7	0,1	1,2	0,1	0,5	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,6	0,1
HP0335	hypothetical protein	1,3	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	1,0	0,2	1,0	0,4	0,8	0,0	1,0	0,0	1,0	0,1	1,9	0,7	1,3	0,1	0,9	0,0	0,9	N.D.	1,2	0,0	0,8	0,1
HP0336	no description available	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0337	hypothetical protein	0,8	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	1,1	0,1	0,9	0,4	0,7	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	1,3	0,3	1,0	0,2	0,6	0,0	0,7	N.D.	1,1	0,3	0,7	N.D.
HP0338	hypothetical protein	0,8	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1	1,3	0,2	0,9	0,2	0,7	0,1	1,0	0,2	1,3	0,2	0,9	0,0	1,2	0,3	0,7	0,1	0,7	0,1	1,0	0,2	0,6	0,1
HP0339	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.	0,9	0,0	1,1	0,3	1,0	0,3	1,0	0,0	N.D.	N.D.	1,2	0,1	1,0	N.D.	0,6	N.D.	0,7	0,2
HP0340	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,3	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,0	1,0	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,0	N.D.	1,1	0,1	0,9	N.D.
HP0342	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,2	0,2	1,2	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,1	0,8	N.D.	N.D.	N.D.	1,3	N.D.
HP0343	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,5	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,7	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	1,0	0,2	1,5	N.D.
HP0344	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,1	0,1	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	0,9	0,0	1,3	0,2	N.D.	N.D.	1,2	0,0	1,1	N.D.	1,3	0,3	0,7	N.D.
HP0345	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,7	0,3	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,3	0,4	1,0	N.D.	0,9	0,1	1,5	0,3	1,0	N.D.	1,0	0,1	1,3	N.D.
HP0346	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	1,0	N.D.	0,9	0,0	1,1	0,1	1,2	0,2	1,0	0,0	1,2	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.
HP0347	conserved hypothetical protein	0,7	0,1	1,0	0,1	0,8	0,2	1,2	0,1	1,0	0,3	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,3	0,3	1,2	0,1	1,4	0,2	1,1	0,0	1,0	0,2	1,0	N.D.
HP0348	single-stranded-DNA-specific exonuclease	0,7	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	4,8	0,3	0,8	0,1	0,9	N.D.	1,1	0,2	0,7	0,1
HP0349	CTP synthetase	0,8	0,0	1,0	0,2	0,7	0,1	1,0	0,2	1,1	0,4	1,0	0,1	1,0	0,3	0,8	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	0,8	0,1	1,3	0,2	1,0	0,2	0,8	0,2
HP0350	hypothetical protein	1,3	0,1	1,4	0,2	1,6	0,0	1,2	0,2	0,9	0,2	0,9	0,0	0,9	0,2	0,9	0,1	1,1	0,2	1,2	0,3	0,8	0,1	1,6	0,3	1,0	0,1	0,9	0,3
HP0351	Basal body M-ring protein (*fliF*)	1,0	0,1	1,2	0,1	1,2	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	0,8	0,0	1,4	0,3	0,8	0,1	1,0	0,2	0,8	N.D.	0,9	0,1	0,7	0,3
HP0352	Flagellar motor switch protein (*fliH*)	1,1	0,1	1,2	0,1	1,0	0,0	1,2	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	0,9	0,2	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,2	0,2	1,1	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1
HP0353	flagellar export protein	1,1	0,0	1,0	0,1	0,9	N.D.	1,0	0,2	1,1	0,3	0,9	0,1	0,9	0,2	1,4	0,1	1,1	0,1	1,0	0,0	1,2	0,1	1,0	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,3
HP0354	deoxyxylulose-5-phosphate synthase, putative	1,2	0,1	1,1	0,0	1,3	0,1	1,1	0,1	1,0	0,3	0,9	0,2	1,1	0,2	1,1	0,1	1,1	0,3	0,8	0,0	1,3	0,0	1,0	N.D.	0,9	0,1	0,6	0,1
HP0355	GTP-binding membrane protein	1,1	0,1	1,0	0,0	1,2	0,2	1,1	0,0	1,0	0,2	1,2	0,2	0,9	0,1	1,0	0,0	0,8	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,5	0,8	0,2
HP0356	hypothetical protein	0,8	0,1	1,0	0,3	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,5	1,1	0,2	0,9	0,1	1,6	0,0	0,9	0,2	0,8	0,3	1,0	0,0	1,1	0,4	0,9	0,2	0,8	0,1
HP0357	short chain alcohol dehydrogenase	1,3	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	0,9	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	1,2	0,1	0,7	0,1
HP0358	hypothetical protein	0,7	0,1	0,9	0,2	0,6	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	0,9	0,2	1,3	0,4	1,1	0,2	1,1	0,1	1,3	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,0	1,1	0,2
HP0359	hypothetical protein	1,0	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	0,7	0,1	1,1	0,0	1,0	0,1	0,9	0,0	0,8	N.D.	1,0	0,1	0,8	N.D.	1,1	0,0	1,1	N.D.
HP0360	UDP-glucose 4-epimerase	0,8	0,0	0,7	0,3	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,3	1,0	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,3	0,3	1,1	0,1	1,0	0,1
HP0361	pseudouridylate synthase I	0,7	0,0	1,0	0,1	0,8	0,0	1,0	0,1	0,7	0,3	0,8	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	0,8	0,0	1,5	N.D.	1,0	0,3	1,7	0,4
HP0362	conserved hypothetical integral membrane protein	0,7	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	0,8	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1	0,8	0,0	1,2	0,1	0,7	0,1	0,9	N.D.	0,9	0,2	0,7	0,1
HP0363	L-isoaspartyl-protein carboxyl methyltransferase	0,8	0,0	1,1	0,2	0,7	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	0,5	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	1,3	0,2	1,2	0,2	0,9	0,2	0,7	0,3
HP0364	ribonucleoside diphosphate reductase, beta subunit	0,7	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,3	1,3	0,1	1,1	0,1	1,2	0,2	1,3	0,1	1,0	0,2	1,2	0,2	0,7	0,0
HP0366	spore coat polysaccharide biosynthesis protein C	0,6	0,0	0,8	0,1	0,7	0,1	0,9	0,2	1,5	0,6	0,8	0,0	3,8	2,1	1,1	0,1	1,5	0,1	1,2	0,5	1,4	0,5	1,4	N.D.	0,5	0,2	4,6	2,5
HP0367	hypothetical protein	1,0	0,1	0,8	0,2	1,2	0,0	1,0	0,2	1,2	0,3	1,4	0,3	3,5	1,4	2,7	0,3	1,5	0,2	2,1	1,0	2,0	0,4	3,3	0,7	0,1	0,1	4,0	0,9
HP0368	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,4	0,4	0,9	0,0	1,2	0,2	1,2	0,1	1,4	0,2	0,8	0,1	1,2	0,0	1,0	N.D.	1,0	0,2	1,1	0,2
HP0369	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,2	0,3	0,9	0,2	1,6	0,6	1,1	0,1	1,4	0,2	0,8	0,1	1,1	0,1	1,2	N.D.	0,9	0,3	N.D.	N.D.
HP0370	biotin carboxylase	0,9	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,3	1,0	0,3	0,8	0,1	1,0	0,0	0,9	0,1	0,7	0,1	1,4	0,3	1,0	0,0	1,0	0,4	1,4	N.D.
HP0371	biotin carboxyl carrier protein	1,3	0,2	1,1	0,1	1,4	0,1	1,2	0,3	1,1	0,2	1,0	0,3	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	0,9	0,1	1,5	0,6	0,8	0,1	1,1	0,2	0,6	0,1
HP0372	deoxycytidine triphosphate deaminase	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	1,2	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,7	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,2	0,2	0,6	0,0
HP0373	conserved hypothetical protein	1,5	0,0	0,9	0,2	2,1	0,0	0,9	0,2	1,2	0,3	0,8	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	0,6	0,1	0,7	0,1	0,8	0,0	0,8	N.D.	1,0	0,2	1,4	0,2
HP0374	conserved hypothetical protein	1,3	0,0	1,0	0,1	1,3	0,2	1,0	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,0	0,8	0,2	1,1	0,2	1,0	0,1	1,2	0,3	1,0	0,3	1,1	0,6
HP0375	hypothetical protein	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	1,1	0,3	0,9	0,2	1,1	0,1	1,2	0,1	0,6	0,1	1,6	0,3	0,7	0,2	1,2	0,3	1,0	0,2	0,9	0,1
HP0376	ferrochelatase	0,9	0,0	1,4	0,5	0,8	0,1	0,7	0,3	1,1	0,3	0,9	0,0	1,0	0,2	1,3	0,2	1,2	0,4	1,1	0,1	1,9	1,0	0,8	N.D.	1,4	0,6	1,3	0,1
HP0377	thiol:disulfide interchange protein (dsbC), putative	0,8	0,0	0,8	0,2	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,4	1,0	0,1	1,0	0,3	0,9	0,1	1,1	0,2	1,7	0,2	0,7	0,0	1,4	0,4	1,0	0,2	1,5	0,3
HP0378	cytochrome c biogenesis protein	0,7	0,0	1,2	0,1	0,7	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	1,1	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	2,1	0,6	1,0	0,2	1,3	0,0	1,2	0,1	1,8	0,5
HP0379	fucosyltransferase	0,8	0,0	1,1	0,1	0,8	0,1	1,0	0,0	0,9	0,3	1,2	0,0	0,9	0,1	1,4	0,1	0,8	0,1	1,8	0,5	1,0	0,2	1,8	0,7	1,2	0,2	1,7	0,5
HP0380	glutamate dehydrogenase	0,9	0,1	0,9	0,1	0,6	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,3	0,1	1,1	0,1	1,3	0,1	1,1	0,1	1,2	0,2	1,0	0,0
HP0381	HemK family methylase, putative	0,9	0,0	0,9	0,2	0,9	0,1	1,0	0,3	1,1	0,3	0,9	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,6	0,4	1,2	0,4	0,9	0,1	1,0	0,1	1,5	0,1
HP0382	zinc-metallo protease	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,4	1,0	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1
HP0383	hypothetical protein	1,2	0,1	1,4	0,3	0,9	0,0	1,1	0,1	1,0	0,3	1,0	0,1	1,1	0,2	1,4	0,2	1,5	0,2	1,4	0,3	1,5	0,2	1,3	0,2	1,2	0,8	1,2	0,3
HP0384	hypothetical protein	1,0	0,2	0,7	0,4	1,1	0,1	0,9	0,4	1,1	0,1	1,0	0,0	1,2	0,1	1,0	0,1	1,3	0,1	0,9	0,0	1,1	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,5	0,1
HP0385	hypothetical protein	0,9	0,0	1,1	0,1	1,0	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	1,0	0,1	1,4	0,3	N.D.	N.D.	1,5	0,3	1,0	N.D.	1,3	0,3	0,8	N.D.
HP0386	hypothetical protein	0,9	0,1	1,0	0,2	1,3	N.D.	1,3	0,4	0,9	0,3	0,9	0,2	1,0	0,1	1,1	0,0	1,3	0,3	0,7	0,0	1,3	0,1	1,1	N.D.	1,3	0,2	1,5	0,2
HP0387	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0388	conserved hypothetical protein	1,2	0,2	0,8	0,2	1,4	0,3	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,3	0,3	1,1	0,0	0,6	0,1	1,6	0,1	0,5	0,1	1,6	0,0	1,0	0,3	0,8	0,1
HP0389	superoxide dismutase	1,8	0,2	0,5	0,2	2,1	0,1	0,6	0,1	1,0	0,3	1,1	0,3	1,8	0,8	0,9	0,0	0,7	0,1	1,1	0,2	0,4	0,1	1,7	0,2	0,6	0,1	1,5	0,4
HP0390	adhesin-thiol peroxidase	1,4	0,2	0,9	0,4	1,0	0,2	0,9	0,2	1,1	0,3	1,4	0,2	1,2	0,1	0,7	0,1	2,0	0,5	1,5	1,0	0,9	0,2	1,9	0,2	1,9	0,4	0,9	0,2
HP0391	chemotaxis adaptor protein (*cheW*)	1,0	0,0	0,9	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	1,3	0,5	0,8	0,0	1,2	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,4	0,2	0,7	0,2	1,1	0,0	0,9	0,0	1,2	0,2
HP0392	receptor coupled histidine kinase (*cheA*)	0,7	0,0	0,9	0,0	0,7	0,1	1,0	0,2	1,1	0,4	1,1	0,0	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	1,0	0,3	1,1	0,3
HP0393	hybrid CheW-CheY chemotaxis protein (*cheV3*)	0,9	0,0	0,9	0,2	0,8	0,1	0,9	0,2	1,0	0,3	1,0	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,0	1,2	0,2	0,8	0,1	1,2	0,3	1,0	0,3	1,6	0,4
HP0394	hypothetical protein	0,7	0,0	1,4	0,1	0,7	0,1	1,2	0,2	1,0	0,4	1,0	0,1	0,9	0,3	1,3	0,1	1,1	0,1	1,2	0,3	1,2	0,0	N.D.	N.D.	1,5	0,4	3,2	0,4
HP0395	conserved hypothetical protein	0,7	0,0	0,9	0,1	0,7	0,1	0,9	0,1	1,0	0,3	1,0	0,0	1,0	0,3	1,3	0,1	1,0	0,1	1,7	0,6	1,5	0,5	1,2	0,4	1,2	0,6	1,0	0,2
HP0396	no description available	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0397	phosphoglycerate dehydrogenase	0,7	0,0	0,7	0,2	0,7	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,2	1,4	0,4	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0
HP0398	hypothetical protein	0,4	0,0	1,0	0,2	0,5	0,0	1,1	0,3	0,9	0,3	0,8	0,0	0,9	0,2	0,8	0,1	0,9	0,2	1,6	0,1	1,2	0,3	0,9	0,2	0,9	0,2	0,9	0,2
HP0399	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0400	penicillin tolerance protein	1,1	0,3	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,0	1,1	0,2	1,0	0,0	1,2	0,1	1,2	0,1	1,2	0,1	1,2	0,2	1,2	0,1	0,9	N.D.
HP0401	3-phosphoshikimate 1-carboxyvinyltransferase	0,8	0,2	0,8	0,2	0,8	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	1,2	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,2	1,1	0,2	1,5	0,3	1,3	0,1	0,9	0,1	1,3	0,0
HP0402	no description available	0,7	0,1	1,2	0,1	1,0	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,2	1,1	0,3	1,1	0,3	0,9	0,0	1,1	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	N.D.	1,0	0,1	0,8	0,2
HP0403	phenylalanyl-tRNA synthetase, alpha subunit	0,8	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	1,6	0,3	0,7	0,1	1,7	0,5	0,9	0,1	1,2	0,3	1,1	0,5
HP0404	protein kinase C inhibitor	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	0,9	0,0	0,9	0,2	1,0	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,3	0,3	1,2	0,0
HP0405	nifS-like protein	1,2	0,3	1,0	0,1	1,6	0,0	1,0	0,1	0,9	0,2	0,8	0,1	1,2	0,3	0,9	0,1	0,9	0,3	1,1	0,1	0,9	0,4	1,2	0,1	0,7	0,1	1,6	0,3
HP0406	hypothetical protein	1,2	0,2	1,2	0,4	1,0	0,1	1,0	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	1,0	0,3	1,5	0,4	1,3	0,1	1,5	0,4	0,9	0,1
HP0407	no description available	N.D.	N.D.	0,8	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0408	hypothetical protein	0,7	0,1	0,8	0,2	0,8	0,1	0,9	0,2	0,9	0,3	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,0	0,8	0,2	1,0	N.D.
HP0409	GMP synthase	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,2	0,2	0,8	0,2	1,0	0,0	0,9	0,1	0,7	0,2
HP0410	Flagellar sheath associated protein (*hpa2*)	0,7	0,0	0,9	0,1	0,7	0,1	0,9	0,1	0,7	0,3	0,9	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	2,1	0,9	1,0	0,0	1,6	0,3	1,1	0,2	0,8	0,2	0,9	0,3
HP0411	hypothetical protein	2,4	0,1	1,4	0,2	1,9	0,0	0,6	0,0	1,4	0,6	0,8	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,2	0,5	1,0	0,1	1,0	0,4	0,5	0,1
HP0412	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,5	0,4	1,0	N.D.	0,7	0,3	0,9	0,4	0,6	0,0	1,1	0,3	1,0	0,1	0,8	0,3	2,4	0,6	0,9	0,2	0,8	N.D.	1,3	0,5	1,2	0,5
HP0413	transposase-like protein, PS3IS	N.D.	N.D.	0,9	0,3	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,8	0,1	0,9	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,0	0,9	0,2	0,9	0,1	0,9	N.D.	1,1	0,1	1,0	0,1

HP0414	IS200 insertion sequence from SARA17	N.D.	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,1	N.D.	1,7	N.D.	0,7	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,3	1,0	N.D.	0,8	0,1	1,2	0,0	0,9	N.D.
HP0415	no description available	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0416	cyclopropane fatty acid synthase	0,4	0,0	0,9	0,1	0,5	0,1	1,0	0,1	0,9	0,3	1,0	0,0	1,1	0,1	0,9	0,1	1,2	0,2	1,4	0,1	1,3	0,5	1,0	0,2	1,2	0,2	1,3	0,5
HP0417	no description available	N.D.	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0418	hypothetical protein	1,4	0,1	1,2	0,2	1,3	0,0	1,2	0,3	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	0,9	0,0	1,1	0,2	0,9	0,1	1,3	0,1	0,8	0,5	0,9	N.D.
HP0419	conserved hypothetical protein	1,5	0,2	1,2	0,2	1,6	0,0	1,1	0,2	1,1	0,3	1,1	0,2	1,0	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	1,2	0,2	1,2	0,2	1,2	0,1	1,3	0,3	0,9	0,1
HP0420	hypothetical protein	1,3	0,1	1,0	0,1	1,5	0,0	1,1	0,2	1,1	0,4	1,2	0,2	1,0	0,2	1,3	0,1	0,7	0,2	1,1	0,1	1,5	0,6	1,3	0,1	1,0	0,3	1,1	0,2
HP0421	type 1 capsular polysaccharide biosynthesis protein J	1,6	0,3	0,9	0,2	1,4	0,1	0,9	0,2	1,1	0,3	1,1	0,2	1,3	0,2	1,5	0,1	0,7	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	1,1	0,3	1,0	0,4
HP0422	arginine decarboxylase	1,4	0,1	1,1	0,1	1,3	0,0	1,0	0,1	1,1	0,3	1,3	0,3	1,0	0,1	1,0	0,1	0,8	0,0	1,0	0,2	0,9	0,1	1,2	0,1	1,2	0,3	1,0	0,1
HP0423	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,3	1,2	0,1	1,1	0,2	0,9	0,3	1,2	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	1,2	0,2	0,8	0,0	1,4	0,2
HP0424	hypothetical protein	1,0	0,0	0,9	0,1	0,9	0,2	1,1	0,0	1,1	0,3	1,0	0,0	1,1	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,6	0,2	0,6	0,0	1,2	0,5	0,9	0,2
HP0425	hypothetical protein	0,9	0,1	0,8	0,1	1,3	0,2	1,3	0,5	1,1	0,5	N.D.	N.D.	1,3	0,2	0,9	0,1	1,1	0,2	0,7	N.D.	0,6	0,0	N.D.	N.D.	1,7	0,8	2,7	0,5
HP0426	hypothetical protein	0,9	0,2	0,8	0,1	1,4	0,2	1,1	0,2	1,2	0,8	0,6	0,1	1,4	0,2	0,8	0,0	1,0	0,2	1,2	0,2	0,7	0,1	0,6	0,1	1,7	0,8	4,1	1,7
HP0427	hypothetical protein	1,4	0,1	1,1	0,2	1,7	0,2	0,7	0,3	1,2	0,4	1,2	0,3	1,4	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,3	0,2	0,7	0,1	0,9	0,0	1,2	0,5	5,6	1,6
HP0428	phage/colicin/tellurite resistance cluster terY protein	N.D.	N.D.	0,7	0,2	1,4	N.D.	1,0	0,2	1,3	0,5	0,7	0,0	1,0	N.D.	1,0	N.D.	1,3	N.D.	1,1	0,1	1,1	N.D.	N.D.	N.D.	1,1	0,0	2,4	0,8
HP0430	no description available	N.D.	N.D.	0,7	0,3	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0431	protein phosphatase 2C homolog	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,6	0,0	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	N.D.	1,2	0,0	1,3	0,5	N.D.	N.D.	0,8	N.D.
HP0432	protein kinase C-like protein	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	0,7	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	1,1	N.D.	1,0	N.D.
HP0433	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	N.D.
HP0434	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,8	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.	1,2	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	1,2	0,3
HP0435	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	0,9	0,0	0,9	0,3	0,9	0,0	1,1	0,1	0,9	N.D.	1,1	0,0	0,9	N.D.
HP0436	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,3	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,0	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	1,4	0,6	0,8	N.D.
HP0437	IS605 transposase	N.D.	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,1	N.D.	1,0	0,0	1,3	N.D.	1,0	0,0	1,0	0,0	1,1	N.D.	1,1	0,2	0,9	N.D.
HP0438	IS605 transposase	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,2	0,4	1,0	0,0	1,2	N.D.	1,0	0,0	1,0	0,0	1,2	0,1	1,2	0,2	1,0	N.D.	1,1	0,1	1,0	N.D.
HP0439	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,2	1,0	N.D.	1,0	0,3	1,0	0,2	1,1	0,2	1,4	0,1	1,1	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.
HP0440	DNA topoisomerase I	N.D.	N.D.	0,8	0,2	N.D.	N.D.	0,6	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,1	1,6	0,5	1,4	0,2	1,5	0,5	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,1	N.D.	1,6	0,7	1,0	N.D.
HP0441	VirB4 homolog	1,4	0,2	0,9	0,1	1,4	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	1,2	0,2	1,2	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	1,6	0,8	1,3	N.D.	1,3	0,4	1,4	N.D.
HP0442	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,3	1,4	N.D.	0,9	0,3	0,8	N.D.	1,0	0,1	1,2	0,2	1,0	N.D.	1,0	0,0	1,7	0,8
HP0443	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,3	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	1,0	0,0	0,8	N.D.	0,8	N.D.	0,9	0,1	1,0	N.D.	0,9	0,1	1,5	N.D.
HP0444	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,2	0,3	1,1	N.D.	1,2	0,5	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,3	N.D.	1,1	0,2	1,0	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	0,0	N.D.	N.D.	1,2	N.D.	0,9	N.D.
HP0445	hypothetical protein	1,1	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,2	0,5	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,0	0,1	1,2	N.D.	0,8	0,0	1,0	0,0	1,0	N.D.	1,1	0,1	0,8	N.D.
HP0446	hypothetical protein	1,6	N.D.	0,9	0,1	1,2	0,2	1,0	0,2	1,1	0,3	1,4	0,5	1,1	0,3	1,2	0,1	1,5	0,3	N.D.	N.D.	1,2	0,2	N.D.	N.D.	1,8	0,1	0,8	N.D.
HP0447	conserved hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,2	N.D.	0,8	0,1	1,3	N.D.	0,8	0,2	0,9	0,1	0,9	N.D.	1,0	0,2	1,8	0,4
HP0448	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,8	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	N.D.
HP0449	hypothetical protein	1,0	0,3	0,8	0,5	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	1,1	0,1	1,0	0,0	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,0	1,0	N.D.	0,8	0,0	0,9	N.D.
HP0450	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,2	N.D.
HP0451	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,3	24,0	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,2	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	1,0	N.D.	1,0	N.D.
HP0452	conserved hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,4	N.D.	N.D.	1,2	0,4	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	1,1	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	1,1	0,1	1,1	N.D.	1,1	0,1	0,8	N.D.
HP0453	hypothetical protein	1,2	0,0	0,9	0,1	1,3	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,2	0,1	1,0	0,0	0,9	N.D.
HP0454	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,7	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	1,0	0,1	0,8	0,2	1,1	0,0	1,0	0,0	0,8	N.D.	1,2	0,3	0,9	0,2
HP0455	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	0,8	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,2	0,8	N.D.	1,1	0,2	1,0	0,0	1,0	0,1	1,2	0,1	1,2	N.D.	1,1	0,1	0,7	N.D.
HP0456	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,4	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,2	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.	0,8	0,2	1,3	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,9	N.D.
HP0457	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,3	N.D.	N.D.	0,7	N.D.	1,4	N.D.	1,0	0,0	0,8	0,1	0,6	N.D.	1,2	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,4	N.D.
HP0458	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,3	0,2	N.D.	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,2	N.D.	0,8	0,2	1,2	0,2	0,8	0,0	1,1	0,1	1,0	N.D.	1,1	0,7	0,9	0,1
HP0459	virB4 homolog	1,6	0,1	0,8	0,1	1,6	0,0	0,9	0,0	1,1	0,3	1,2	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,0	0,7	0,1	1,1	0,0	1,5	0,5	N.D.	N.D.
HP0460	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,4	0,3	N.D.	N.D.	1,1	N.D.	1,0	0,1	1,1	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	1,1	N.D.	0,8	N.D.	1,5	0,2
HP0462	type I restriction enzyme S protein	N.D.	N.D.	1,4	0,6	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,2	1,1	0,1	1,3	N.D.	0,8	N.D.	1,6	0,2	N.D.	N.D.	1,4	0,2	1,3	N.D.
HP0463	type I restriction enzyme M protein	1,0	0,2	1,0	0,1	1,1	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,2	1,2	0,0	1,0	0,1	1,0	0,0	1,3	0,0	1,3	0,2	0,9	0,0	1,0	N.D.	1,0	0,2	1,6	N.D.
HP0464	type I restriction enzyme R protein	0,7	0,0	0,9	0,1	0,5	0,1	1,1	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	0,6	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,0	1,1	0,2
HP0465	conserved hypothetical protein	0,9	0,0	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	0,6	N.D.
HP0466	conserved hypothetical protein	0,7	0,0	1,0	0,2	0,8	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,7	0,0	0,9	0,1	1,1	N.D.	1,2	0,1	0,8	0,2
HP0467	conserved hypothetical integral membrane protein	0,9	0,2	1,1	0,1	1,2	0,0	1,1	0,1	1,2	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,2	0,0	1,3	0,4	0,9	N.D.
HP0468	conserved hypothetical protein	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	1,1	0,3	1,2	0,3	1,0	0,2	0,8	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	1,2	0,1	1,2	0,4	1,6	0,2
HP0469	conserved hypothetical protein	1,0	0,2	0,8	0,1	1,3	0,0	0,9	0,2	1,3	0,5	1,1	0,2	1,0	0,1	0,8	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1	0,6	0,1	1,0	0,1	1,2	0,2	2,0	0,7
HP0470	oligoendopeptidase F	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,1	0,4	1,4	0,5	1,1	0,1	0,7	0,1	0,8	0,1	0,9	0,2	0,5	0,1	1,2	0,2	1,1	0,3	1,9	0,4
HP0471	glutathione-regulated potassium-efflux system protein	1,7	0,2	0,9	0,1	1,7	0,0	0,9	0,1	1,2	0,3	0,8	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	2,6	1,0	0,8	0,1	2,2	0,6	1,0	0,2	2,5	0,8
HP0472	outer membrane protein 11 (*omp11*)	264	70,6	3,7	3,6	0,6	0,0	0,3	0,2	0,9	0,2	0,9	0,2	0,7	0,1	1,2	0,1	15,9	7,1	7,9	3,3	12,5	10,2	21,3	10,1	0,4	0,1	1,0	0,1
HP0473	molybdenum ABC transporter, periplasmic molybdate-binding protein	1,2	0,1	0,9	0,1	1,3	0,0	1,1	0,2	1,1	0,3	1,2	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,4	0,3	1,4	0,5	1,3	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1
HP0474	molybdenum ABC transporter, permease protein	1,2	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,3	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	1,3	0,5	1,4	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,5	0,0	8,9	N.D.	1,0	0,2	1,2	0,5
HP0475	molybdenum ABC transporter, ATP-binding protein	1,3	0,0	0,8	0,5	1,3	0,1	1,2	0,3	1,1	0,3	1,1	0,2	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	0,9	0,1	1,1	N.D.	1,1	0,2	1,8	0,8
HP0476	glutamyl-tRNA synthetase	1,6	0,1	0,8	0,2	1,4	0,1	0,8	0,1	1,2	0,3	1,1	0,3	1,0	0,1	1,0	0,0	0,9	0,2	0,9	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,3	0,5	1,7	0,7
HP0477	outer membrane protein	1,6	0,0	0,7	0,3	1,0	0,0	0,8	0,3	1,1	0,2	1,2	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,2	0,2	1,2	0,2	1,3	0,0	1,4	0,1	1,1	0,3	1,2	0,3
HP0478	adenine specific DNA methyltransferase	1,5	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	0,9	0,1	1,2	0,3	1,8	0,3	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,2	0,2	0,9	0,2	1,6	0,2	1,6	0,6	1,0	0,2
HP0479	no description available	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0480	GTP-binding protein, fusA-homolog	0,8	0,1	0,9	0,0	1,1	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	0,9	0,0	0,9	0,2	0,6	0,0	0,9	0,1	0,9	0,0	0,7	0,1	1,1	0,0	0,8	0,1	0,6	0,0
HP0481	adenine specific DNA methyltransferase	1,1	0,2	0,9	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	0,9	0,0	0,8	0,1	1,2	0,2	0,8	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1
HP0482	hypothetical protein	1,8	0,2	0,8	0,2	0,6	0,0	0,8	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	0,9	0,2	1,3	0,1	1,5	0,6	1,0	0,1	1,5	0,4	1,2	0,0	0,5	0,2	0,8	0,1
HP0483	cytosine specific DNA methyltransferase, authentic point mutation	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	N.D.	N.D.	1,1	0,2	1,2	0,4	1,0	0,0	1,3	0,1	1,2	0,2	0,8	0,0	1,0	0,0	1,1	N.D.	1,0	0,2	1,1	0,2
HP0484	hypothetical protein	1,1	0,0	1,1	0,2	1,1	0,2	0,9	0,0	1,0	0,2	1,1	0,2	0,9	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	0,6	0,1	0,8	0,1	1,1	N.D.	1,1	0,2	1,0	0,1
HP0485	catalase-like protein	1,0	0,2	0,8	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,0	0,4	1,1	0,3	1,0	0,2	0,7	0,1	0,8	0,1	0,9	0,3	0,6	0,1	1,2	0,2	1,2	0,3	1,6	N.D.
HP0486	hypothetical protein	1,1	0,0	0,9	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	1,0	0,2	0,9	0,2	0,8	0,2	0,8	0,0	1,4	0,4	0,9	0,1	0,9	0,3	0,9	0,1	0,7	0,2	1,6	0,5
HP0487	hypothetical protein	1,4	0,1	0,9	0,1	1,5	0,0	1,0	0,1	1,0	0,3	0,9	0,2	0,8	0,2	1,0	0,1	1,6	0,2	1,8	0,8	1,2	0,3	0,9	0,0	0,6	0,3	1,1	0,2
HP0488	Hypothetical protein	7,6	3,6	1,1	0,1	1,0	0,0	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	3,0	1,9	1,8	0,2	4,0	2,4	3,9	0,5	0,7	0,3	1,2	0,1
HP0489	hypothetical protein	1,3	0,0	0,8	0,2	1,4	0,0	1,1	0,2	1,1	0,3	1,2	0,3	1,1	0,2	1,0	0,1	1,1	0,2	0,9	0,2	0,9	0,3	1,0	0,2	0,9	0,1	0,4	0,0
HP0490	putative potassium channel protein, putative	0,7	0,1	0,9	0,2	1,2	0,0	1,0	0,1	1,0	0,3	0,9	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,1	0,2	1,1	0,4	0,9	N.D.	0,8	0,4	1,1	0,2
HP0491	ribosomal protein L28	1,3	0,1	1,0	0,1	1,3	0,0	1,0	0,1	1,1	0,3	0,9	0,2	1,0	0,3	0,8	0,1	1,5	0,1	1,3	0,2	1,0	0,0	1,1	N.D.	1,0	0,3	0,6	0,1
HP0492	Putative flagellar sheath associated protein (*hpaA3*)	1,4	0,1	0,8	0,2	1,3	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,6	0,5	1,2	0,3	0,9	0,2	1,4	0,4	3,2	0,3	0,7	0,2	1,3	0,3	1,2	0,7	1,2	0,3
HP0493	phospho-N-acetylmuramoyl-pentapeptide-transferase	0,8	0,0	0,8	0,2	1,5	0,0	1,1	0,3	1,1	0,2	1,2	0,3	0,9	0,2	1,0	0,1	2,3	2,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,4	0,0	1,7	0,1	0,7	0,1
HP0494	UDP-N-acetylmuramoylalanine-D-glutamate ligase	0,6	0,0	0,8	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	1,2	0,3	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,4	0,2	0,9	0,0	1,3	N.D.	1,3	0,1	2,3	0,9
HP0495	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,2	0,1	1,2	0,3	0,8	0,1	1,3	0,1	1,1	0,0	1,4	0,0	1,3	0,4	0,9	0,0	1,0	N.D.	0,9	0,1	1,8	0,5
HP0496	conserved hypothetical protein	1,0	0,2	0,9	0,2	0,9	0,2	0,9	0,2	1,1	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,0	1,7	0,4	0,8	0,0	1,0	0,1	1,1	N.D.	1,0	0,3	1,1	N.D.
HP0497	sodium- and chloride-dependent transporter	4,6	0,5	1,4	0,9	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,4	0,9	0,1	0,8	0,2	0,9	0,1	0,7	0,0	0,9	0,0	0,8	0,2	1,1	0,0	0,8	0,1	1,3	0,5
HP0498	no description available	N.D.	N.D.	1,5	0,3	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0499	phospholipase A1 precursor	2,3	0,1	0,8	0,2	1,2	0,1	0,8	0,3	0,9	0,3	1,1	0,2	0,9	0,1	1,1	0,0	0,8	0,2	1,2	0,2	1,3	0,4	1,1	0,0	1,0	0,3	0,6	0,1
HP0500	DNA polymerase III beta-subunit	0,9	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	0,8	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	0,8	0,1	0,8	0,3	0,8	0,2	1,3	0,0	0,7	0,2	0,7	0,1
HP0501	DNA gyrase, sub B	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,0	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	1,2	0,2	0,8	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1	0,7	0,1	1,2	0,2	1,1	0,2	1,0	0,2
HP0502	hypothetical protein	0,9	0,1	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,2	0,2	1,1	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,0	0,4	0,0	0,7	0,1	1,1	N.D.	0,9	0,1	1,4	0,3
HP0503	hypothetical protein	1,4	0,0	1,2	0,2	1,4	0,0	0,9	0,1	1,2	0,3	1,1	0,3	1,1	0,2	1,3	0,1	1,2	0,4	1,6	0,2	0,9	0,1	1,1	N.D.	0,9	0,1	1,0	N.D.
HP0504	hypothetical protein	4,8	N.D.	0,9	0,1	1,1	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,3	0,9	0,2	0,9	0,1	1,1	0,0	4,0	1,2	1,4	0,1	4,4	2,6	2,7	0,6	0,7	0,2	1,4	0,5
HP0505	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,3	0,4	N.D.	N.D.	1,0	0,0	1,2	0,2	1,1	0,2	1,0	0,3	1,3	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	1,2	0,3	1,0	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.
HP0506	conserved hypothetical secreted protein	1,7	0,1	1,1	0,1	1,5	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	1,3	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	1,2	0,3	1,0	0,0	1,2	0,1	0,9	0,1	N.D.	N.D.
HP0507	conserved hypothetical protein	1,2	0,1	1,0	0,1	1,1	0,0	1,0	0,1	1,2	0,2	1,3	0,4	0,8	0,2	1,1	0,1	1,0	0,2	1,3	0,2	1,4	0,2	1,1	0,0	0,9	0,1	0,9	0,2
HP0508	hypothetical protein	1,2	0,1	1,1	0,0	1,3	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,2	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,0	0,9	0,1	1,2	0,3	1,0	0,3	0,5	0,1
HP0509	glycolate oxidase subunit	1,3	0,1	1,2	0,2	1,0	0,0	1,2	0,2	1,0	0,2	1,3	0,4	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	1,4	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	0,8	0,1
HP0510	dihydrodipicolinate reductase	1,3	0,2	1,0	0,1	1,2	0,1	1,0	0,2	1,1	0,4	1,4	0,3	0,8	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,2	0,2	1,3	0,1	1,3	N.D.	0,8	0,3	0,5	0,1
HP0512	glutamine synthetase	0,9	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	0,8	0,2	0,9	0,1	1,1	0,0	1,0	0,2	0,7	0,1	1,3	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	0,4	0,1
HP0513	hypothetical protein	1,0	0,3	1,0	0,2	1,0	0,2	1,1	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,3	0,1	0,7	0,0	1,1	0,1	1,1	N.D.	1,2	0,3	1,1	0,3
HP0514	ribosomal protein L9	0,9	0,2	0,8	0,2	0,8	0,1	0,9	0,2	0,9	0,3	1,2	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	1,0	0,2	1,2	0,2	0,7	0,1	1,2	0,3	0,9	0,3	3,0	0,5
HP0515	heat shock protein	0,7	0,1	0,9	0,1	0,6	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	1,1	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	0,8	0,1	1,1	0,3	0,8	0,2	1,2	0,3	0,7	0,2	0,9	0,3
HP0516	heat shock protein (hslU) ORF1	0,7	0,1	1,0	0,1	0,7	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,3	0,3	0,9	0,1	0,7	0,2
HP0517	GTP-binding protein	0,5	0,0	0,9	0,1	0,5	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,4	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,4	1,1	0,4	1,5	0,1	1,1	0,1	0,9	0,4
HP0518	conserved hypothetical secreted protein	1,0	0,2	0,9	0,4	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	1,0	0,2	0,8	0,2	1,1	0,0	0,9	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,2	0,3
HP0519	conserved hypothetical protein	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,3	1,0	0,1	1,0	0,2	1,2	0,3	0,9	0,1	1,3	0,1	1,1	0,3	1,6	0,1	1,0	0,3	1,0	N.D.	1,1	0,1	0,9	0,2
HP0520	cag pathogenicity island protein	2,0	0,1	0,7	0,1	1,7	0,0	0,8	0,2	1,2	0,5	1,2	0,2	1,2	0,3	0,9	0,1	0,8	0,2	1,0	0,1	0,5	0,2	1,2	0,1	0,9	0,3	0,9	0,1
HP0521	cag pathogenicity island protein	3,5	N.D.	1,1	0,1	1,0	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	0,7	0,0	1,0	N.D.	1,1	0,2	1,4	0,6	0,9	0,1	1,9	0,2	1,1	N.D.	0,9	0,1	1,4	0,1
HP0522	cag pathogenicity island protein	1,5	0,1	0,8	0,1	1,6	0,1	1,0	0,1	1,1	0,3	1,1	0,3	1,0	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,3	0,2	0,8	0,1	1,2	0,2	1,0	0,4	1,3	N.D.
HP0523	cag pathogenicity island protein	1,3	N.D.	1,5	0,2	1,4	N.D.	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,1	0,0	1,4	0,2	1,5	0,1	1,1	0,0	1,2	N.D.	1,0	0,2	1,6	0,3
HP0524	cag pathogenicity island protein	1,4	0,0	1,0	0,0	1,1	0,0	0,9	0,1	1,1	0,3	1,1	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	1,2	0,2	1,3	0,3	1,2	0,1	1,1	0,5	1,4	N.D.
HP0525	virB11 homolog	1,3	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	1,3	0,2	1,1	0,2	1,2	0,1	0,8	0,1	1,3	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	1,1	0,6	0,9	0,1
HP0526	cag pathogenicity island protein	1,4	0,1	1,2	0,1	1,2	0,0	1,1	0,1	0,9	0,1	1,3	0,4	1,1	0,3	1,1	0,1	0,8	0,0	1,2	0,1	1,0	0,1	1,6	0,2	0,9	0,3	1,4	0,0
HP0527	cag pathogenicity island protein	0,7	0,0	0,9	0,1	0,8	0,0	1,0	0,2	1,0	0,3	0,9	0,1	1,7	N.D.	1,3	0,1	0,9	0,0	1,1	0,1	1,0	0,0	0,8	N.D.	1,0	0,1	1,2	0,1
HP0528	cag pathogenicity island protein	1,0	0,2	1,3	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,0	0,0	1,0	0,1	0,8	0,0	1,2	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,4	0,3	1,0	0,4	1,3	N.D.
HP0529	cag pathogenicity island protein	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,1	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,0	0,1	1,4	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	N.D.	1,3	0,1	1,6	0,1
HP0530	cag pathogenicity island protein	1,7	0,3	1,0	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	0,8	0,1	1,0	0,2	1,2	0,0	0,9	0,1	0,9	0,3	0,7	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	1,0	0,3
HP0531	cag pathogenicity island protein	1,2	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	1,0	0,2	1,1	0,3	0,9	0,1	0,9	0,2	0,9	0,2	0,7	0,2	1,2	0,2	1,0	0,2	1,0	0,2
HP0532	cag pathogenicity island protein	1,2	0,3	0,9	0,0	1,2	0,1	1,1	0,2	1,0	0,4	0,8	0,1	1,4	0,1	1,0	0,1	0,8	0,2	0,9	0,1	0,7	0,3	1,0	0,3	1,3	0,4	1,6	0,2
HP0534	cag pathogenicity island protein	1,1	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,3	1,2	0,3	1,2	0,2	1,1	0,1	0,9	0,3	0,5	0,0	0,6	0,2	1,3	N.D.	1,1	0,2	1,9	0,7
HP0535	cag pathogenicity island protein	1,4	0,2	1,0	0,2	1,4	0,2	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,1	0,0	0,9	0,3	1,1	0,1	0,7	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,6	0,6
HP0536	cag pathogenicity island protein	1,7	0,1	1,1	0,2	1,3	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	1,2	0,1	1,2	0,0	0,7	0,1	0,8	0,0	0,7	0,1	0,8	N.D.	0,7	0,1	1,0	0,2
HP0537	cag pathogenicity island protein	1,3	0,1	1,0	0,1	1,4	0,1	1,1	0,0	1,3	0,3	1,1	0,4	1,0	0,3	1,3	0,1	0,7	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	0,9	0,2	1,8	0,3
HP0538	cag pathogenicity island protein	1,6	N.D.	0,9	0,2	1,3	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	1,1	0,1	1,5	0,1	0,8	0,1	0,9	0,0	1,3	0,0	1,1	N.D.	0,8	0,1	0,8	0,4
HP0539	cag pathogenicity island protein	1,6	0,1	0,9	0,1	1,5	N.D.	1,0	0,1	1,2	0,2	1,2	0,3	1,2	0,3	1,5	0,1	1,3	0,3	1,1	0,1	1,0	0,1	1,4	N.D.	1,2	0,1	1,3	0,7
HP0540	cag pathogenicity island protein	1,7	0,2	1,0	0,1	2,0	0,2	1,0	0,1	1,1	0,2	1,3	0,3	1,2	0,2	1,1	0,1	0,8	0,1	1,2	0,2	0,7	0,1	1,0	0,1	1,5	0,3	2,4	1,1
HP0541	cag pathogenicity island protein	1,5	0,1	0,8	0,1	2,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	1,2	0,3	1,3	0,2	0,8	0,0	0,7	0,1	1,1	0,1	0,5	0,0	1,3	0,2	1,4	0,3	2,5	0,2
HP0542	cag pathogenicity island protein	1,8	0,2	0,8	0,2	2,2	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,4	0,3	1,3	0,2	1,0	0,1	0,7	0,1	1,2	0,2	0,6	0,1	1,3	0,3	1,7	0,5	2,7	0,3
HP0543	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,8	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0544	no description available	0,7	0,0	1,5	0,3	0,7	0,0	1,2	0,1	0,9	0,3	0,8	0,0	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,0	1,7	0,1	0,7	N.D.	1,3	0,1	2,4	0,4
HP0545	cag pathogenicity island protein	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,2	0,2	1,3	0,3
HP0546	cag pathogenicity island protein	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,0	1,1	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,5	0,5
HP0547	no description available	N.D.	N.D.	0,7	0,1	N.D.	N.D.	0,7	0,3	1,2	0,5	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	1,1	0,1	1,0	0,2	0,6	0,1	1,1	0,0	1,0	N.D.	1,1	0,1	1,3	0,1
HP0548	DNA helicase, putative, authentic point mutation	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,2	0,3	N.D.	N.D.	1,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0549	glutamate racemase	1,0	0,1	1,3	0,3	1,1	0,1	1,2	0,1	1,0	0,3	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,7	0,1	0,9	0,0	0,7	0,1	1,1	N.D.	0,8	0,3	1,0	N.D.
HP0550	transcription termination factor Rho	1,2	0,3	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	0,8	0,1	0,7	0,1	1,0	0,1	0,8	0,0	0,8	0,1	0,9	0,1	0,8	0,0	1,2	0,3	0,9	0,0
HP0551	ribosomal protein L31	1,1	0,1	0,8	0,2	1,2	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,4	0,7	0,1	1,1	N.D.	0,7	0,1	0,6	0,1
HP0552	conserved hypothetical protein	0,7	0,2	1,0	0,1	1,2	0,1	1,1	0,2	0,9	0,2	0,8	0,1	0,8	0,2	0,9	0,1	1,1	0,2	0,7	0,5	1,1	0,4	1,1	0,0	0,3	0,1	0,7	0,2
HP0553	conserved hypothetical protein	0,5	0,0	0,8	0,1	0,9	0,1	0,8	0,3	0,9	0,3	0,9	0,0	0,8	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	1,2	0,4	1,1	0,1	0,5	0,3	0,2	0,1
HP0554	hypothetical protein	1,1	0,1	1,1	0,1	1,2	0,0	1,0	0,1	0,9	0,2	1,2	0,3	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,4	0,2	1,1	0,1	1,3	0,1	0,7	0,3	0,2	0,1
HP0555	hypothetical protein	1,4	0,2	0,9	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	0,5	0,2
HP0556	hypothetical protein	1,7	0,2	1,1	0,1	1,3	0,0	1,1	0,1	1,1	0,3	0,9	0,2	0,9	0,2	1,0	0,0	0,9	0,1	1,2	0,2	1,3	0,2	1,3	N.D.	0,9	0,1	0,9	0,1
HP0557	acetyl-coenzyme A carboxylase	1,0	0,2	1,0	0,1	1,2	0,1	1,0	0,2	1,0	0,3	1,3	0,3	0,9	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	1,4	0,4	1,0	0,1	0,9	0,1	0,8	0,5	2,0	1,0
HP0558	beta ketoacyl-acyl carrier protein synthase II	1,2	0,0	0,8	0,2	1,5	0,0	1,0	0,3	1,1	0,2	1,2	0,6	0,9	0,2	0,7	0,1	0,8	0,2	1,1	0,2	0,8	0,1	0,7	0,1	0,6	0,2	0,6	0,0
HP0559	acyl carrier protein	1,1	0,1	1,0	0,3	1,5	0,1	1,1	0,2	0,9	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	1,6	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	0,8	0,2	0,4	0,1

HP0560	hypothetical protein	1,2	0,1	1,2	0,2	1,6	0,0	1,2	0,3	0,8	0,1	1,1	0,0	1,1	0,4	0,8	0,0	1,1	0,2	1,3	0,3	0,8	0,1	1,1	N.D.	0,9	0,1	0,6	0,1
HP0561	3-ketoacyl-acyl carrier protein reductase	0,6	0,1	0,9	0,2	0,8	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,2	0,1	0,8	0,2	0,7	0,1	1,0	0,2	1,2	0,2	0,6	0,2	1,1	0,2	0,5	0,2	0,8	0,1
HP0562	ribosomal protein S21	0,6	0,2	0,9	0,3	0,8	0,1	1,1	0,1	0,8	0,2	1,0	0,0	1,0	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	1,4	0,1	0,7	0,1	1,1	0,2	0,6	0,0	0,4	0,1
HP0563	no description available	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0564	hypothetical protein	0,9	0,2	0,9	0,1	0,9	0,0	0,9	0,2	1,1	0,2	0,8	0,2	1,1	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,5	0,4	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1
HP0565	hypothetical protein	1,5	0,2	0,9	0,1	1,5	0,2	1,0	0,1	1,5	0,6	1,4	0,4	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,3	1,0	0,2	0,7	0,2	1,5	0,0	2,2	0,3	1,2	0,1
HP0566	diaminopimelate epimerase	1,2	0,3	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,3	0,5	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,0	1,0	0,2	0,7	0,1	0,8	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	3,5	0,5
HP0567	membrane protein	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	1,1	0,2	1,2	0,1	1,2	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	1,3	0,1	0,7	0,1	1,5	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2
HP0568	hypothetical protein	0,6	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	1,1	0,3	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	1,1	0,0	1,3	0,6	1,2	0,0	1,0	0,1	1,6	1,5
HP0569	GTP-binding protein	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,3	1,2	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	0,8	0,1	1,1	0,3	0,8	0,1	1,3	0,1	2,1	0,2	2,0	0,5
HP0570	no description available	1,5	0,0	0,9	0,1	1,4	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,0	1,3	0,1	0,9	0,2	2,5	0,7
HP0571	conserved hypothetical integral membrane protein	1,3	0,2	1,0	0,2	1,3	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	0,7	0,0	0,8	0,0	1,2	0,1	0,9	0,0	0,8	0,4	1,4	0,2
HP0572	adenine phosphoribosyltransferase	1,6	0,0	0,8	0,3	1,3	0,0	0,8	0,2	1,1	0,3	1,2	0,4	1,0	0,2	1,0	0,1	0,8	0,1	1,3	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	0,8	0,1	0,7	0,1
HP0573	hypothetical protein	1,3	0,1	1,0	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,2	0,3	1,0	0,2	1,1	0,1	1,0	0,4	1,3	0,1	1,2	0,5	1,2	0,2	1,1	0,3	0,7	0,0
HP0574	galactosidase acetyltransferase	1,4	0,1	1,0	0,1	1,4	0,0	0,9	0,1	1,1	0,3	1,2	0,3	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,8	0,2	1,3	0,4
HP0575	conserved hypothetical membrane protein	1,4	0,1	1,0	0,1	1,6	0,3	1,0	0,1	1,0	0,3	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,0	0,9	0,0	1,1	0,1	1,1	0,3	0,9	N.D.	0,7	0,2	0,8	0,1
HP0576	signal peptidase I	1,5	0,1	0,9	0,1	1,3	0,0	0,9	0,1	1,1	0,3	1,1	0,3	0,9	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	1,1	0,2	1,1	0,2	1,2	0,0	0,7	0,1	0,6	0,1
HP0577	methylene-tetrahydrofolate dehydrogenase	1,1	0,0	0,8	0,3	1,1	0,1	0,8	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,2	0,2	1,2	0,5	1,0	0,1	0,8	0,1	0,6	0,1
HP0578	no description available	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0579	hypothetical protein	0,8	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,2	0,0	0,9	0,1	1,3	N.D.	0,9	0,2	0,7	0,2
HP0580	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0581	dihydroorotase	0,8	0,0	1,0	0,1	0,9	0,2	1,1	0,0	1,0	0,3	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,5	0,2	1,1	0,3	1,3	0,0	1,1	0,1	1,3	0,1
HP0582	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0583	hypothetical protein	0,8	0,1	1,2	0,5	0,8	0,1	1,3	0,3	1,0	0,3	0,9	0,0	1,1	0,2	1,1	0,1	1,2	0,2	1,4	0,1	1,1	0,4	1,5	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2
HP0584	Flagellar motor switch protein (*fliN*)	1,0	0,3	0,9	0,4	1,0	0,1	0,8	0,2	0,7	0,3	0,9	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,2	0,3	1,1	0,2	1,1	0,3	0,9	0,2
HP0585	endonuclease III	1,0	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,3	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	0,9	0,2	1,1	0,1	1,2	0,2	0,9	0,3
HP0586	no description available	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,2	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0587	aminodeoxychorismate lyase	1,5	0,1	1,0	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	1,0	0,0	1,1	0,0	1,0	0,1	1,1	0,3	1,1	0,1	0,9	0,0	1,1	0,6	1,1	0,2
HP0588	ferrodoxin-like protein	1,2	0,1	0,7	0,1	1,3	0,0	0,8	0,0	1,3	0,3	1,2	0,3	1,0	0,2	0,8	0,0	1,1	0,3	1,3	0,2	0,9	0,2	1,4	0,2	0,7	0,2	0,9	0,2
HP0589	ferredoxin oxidoreductase, alpha subunit	1,1	0,2	0,7	0,1	1,4	0,1	0,8	0,3	1,1	0,2	1,1	0,1	1,0	0,3	0,8	0,0	0,8	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	0,5	0,1	1,7	0,6
HP0590	ferredoxin oxidoreductase, beta subunit	1,4	0,1	0,9	0,1	1,6	0,0	0,8	0,1	1,2	0,2	1,1	0,3	1,2	0,2	0,7	0,0	0,7	0,2	1,0	0,2	0,8	0,2	1,3	0,2	0,5	0,1	1,1	0,2
HP0591	ferredoxin oxidoreductase, gamma subunit	1,5	0,2	0,7	0,1	1,5	0,1	0,7	0,1	1,2	0,2	1,3	0,2	1,1	0,2	0,8	0,0	0,7	0,0	1,1	0,3	0,7	0,1	1,2	0,1	0,8	0,4	1,5	0,1
HP0592	type III restriction enzyme R protein	N.D.	N.D.	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	1,2	N.D.	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,0	1,0	0,1	1,0	N.D.	1,1	0,0	1,7	0,1
HP0593	no description available	N.D.	N.D.	0,8	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0594	hypothetical protein	0,9	0,1	1,3	0,4	0,9	0,1	1,2	0,2	1,0	0,3	1,2	0,2	0,8	0,1	1,1	0,1	2,0	0,3	1,3	0,2	1,5	0,1	1,2	N.D.	0,9	0,2	1,0	0,1
HP0595	DsbB-related protein	0,6	0,1	0,9	0,1	0,6	0,0	0,9	0,2	0,9	0,3	1,2	0,1	1,2	0,1	0,8	0,1	1,2	0,1	1,3	0,0	1,3	0,8	1,0	0,0	0,9	0,2	0,7	0,3
HP0596	hypothetical protein	0,9	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,3	0,8	0,1	0,9	0,2	0,9	0,2	1,1	0,2	1,0	0,2	0,9	0,2	1,2	0,1	0,7	0,1	1,3	N.D.
HP0597	no description available	N.D.	N.D.	1,2	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0598	8-amino-7-oxononanoate synthase	1,1	0,1	0,9	0,2	1,3	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,0	1,1	0,2	1,0	0,0	1,3	0,3	1,1	0,1	0,8	0,2	1,3	0,1	1,1	0,0	0,9	N.D.
HP0599	chemotaxis receptor (*tlpB*)	1,2	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,4	N.D.	0,9	0,1	1,0	0,0	1,6	0,3	0,8	0,0	1,0	N.D.	0,6	0,3	0,9	N.D.
HP0600	multidrug resistance protein	0,9	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,0	1,0	0,1	1,1	0,1	1,3	0,3	0,7	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	2,3	N.D.
HP0601	FlagellinA (*flaA*)	16,2	2,6	3,0	1,5	0,6	0,1	0,4	0,1	0,9	0,2	0,7	0,0	0,4	0,1	1,1	0,1	4,4	1,8	2,2	1,1	4,3	1,2	14,1	5,8	0,5	0,2	0,6	0,0
HP0602	endonuclease III	1,6	0,1	1,6	0,3	0,6	0,1	0,4	0,1	1,0	0,2	0,5	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	1,9	1,0	1,7	0,4	1,1	0,1	1,3	0,1	0,8	0,3	1,0	0,1
HP0603	hypothetical protein	1,7	0,1	0,9	0,1	1,4	0,2	0,9	0,1	1,0	0,3	0,6	0,2	1,1	0,2	1,2	0,1	1,2	0,3	1,8	0,6	1,5	0,4	1,6	N.D.	1,0	0,3	0,6	0,2
HP0604	uroporphyrinogen decarboxylase	1,1	0,1	0,8	0,1	1,6	0,0	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	1,2	0,2	1,2	0,1	0,8	0,3	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2
HP0605	hypothetical protein	1,3	0,1	0,9	0,1	1,4	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,2	0,3	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,7	0,3	0,7	0,1	1,5	0,2	1,0	0,0	0,9	0,0
HP0606	membrane fusion protein	1,3	0,1	0,9	0,1	1,2	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	1,5	0,2	1,1	0,2	0,9	0,0	1,3	0,3	1,7	0,2	0,7	0,2	1,5	0,1	0,9	0,2	1,1	0,0
HP0607	acriflavine resistance protein	0,8	0,0	0,9	0,3	0,9	0,1	0,9	0,2	1,1	0,3	N.D.	N.D.	1,2	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,1	1,1	0,0	0,9	0,1	0,9	N.D.	1,0	0,0	1,1	0,2
HP0608	hypothetical protein	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,3	1,1	0,1	1,0	0,2	1,2	0,1	1,0	0,2	1,4	0,1	1,0	0,1	0,9	N.D.	1,2	0,3	0,8	N.D.
HP0609	no description available	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	0,9	0,2	1,0	0,2	1,1	0,3	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,3	0,5	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,3
HP0610	toxin-like outer membrane protein	1,0	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	1,2	0,1	0,9	0,3	0,9	0,1	1,0	0,2	1,3	0,1	0,8	0,1	1,2	0,2	1,0	0,1	1,1	0,2
HP0611	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,7	0,2	0,8	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,0	0,5	1,2	0,1	1,0	0,1	1,8	0,4	0,7	0,1	1,0	N.D.	1,4	0,6	2,0	0,3
HP0612	hypothetical protein	0,9	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,8	0,0	0,8	0,2	1,1	N.D.	0,8	0,1	1,5	0,1
HP0613	ABC transporter, ATP-binding protein	1,1	0,1	0,8	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	0,6	0,1	1,1	0,3	1,1	0,1	0,6	0,1	1,9	0,5	0,8	0,0	1,5	0,2	1,1	0,2	1,0	N.D.
HP0614	hypothetical protein	0,6	0,1	0,8	0,3	0,4	0,0	1,2	0,1	0,9	0,3	1,2	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	2,7	0,8	0,5	0,0	1,2	0,2	1,1	N.D.	1,4	0,4	1,7	N.D.
HP0615	DNA ligase	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,2	0,4	1,3	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	1,0	0,1	0,9	0,0
HP0616	hybrid cheW-CheY chemotaxis protein (*cheV2*)	0,9	0,1	1,0	0,1	0,8	N.D.	1,0	0,2	1,1	0,3	0,9	0,1	0,9	0,2	1,2	0,1	1,2	0,2	0,9	0,0	1,2	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	0,5	0,1
HP0617	aspartyl-tRNA synthetase	0,7	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,2	1,0	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,1	0,0	1,1	0,4	1,0	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1
HP0618	adenylate kinase	0,8	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	1,1	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	0,9	0,0	1,4	0,0	0,7	0,1	1,2	0,1	0,8	0,2	0,6	0,1
HP0619	lipopolysacharide biosynthesis glycosyl transferase, degenerate	1,5	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,0	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,6	0,1	1,2	0,4	1,2	0,2	1,3	0,2	0,6	0,1
HP0620	inorganic pyrophosphatase	0,9	0,0	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	0,8	0,1	1,3	0,3	0,9	0,2	0,9	0,1	1,3	0,2	0,8	0,2	1,3	0,4	1,0	0,0	1,0	0,1	1,3	0,1
HP0621	no description available	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0622	hypothetical protein	1,2	0,0	0,9	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	1,4	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,2	0,2	1,1	0,1	1,0	0,2	1,2	N.D.	1,0	0,1	0,8	N.D.
HP0623	UDP-N-acetylmuramate-alanine ligase	1,3	0,1	1,0	0,1	1,2	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	1,2	0,3	1,1	0,0	1,0	0,1	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,2	1,2	0,0	0,9	N.D.	1,0	0,2
HP0624	solute-binding signature and mitochondrial signature protein	1,3	0,0	1,4	0,2	1,2	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	1,3	0,4	1,1	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1
HP0625	protein E	1,6	0,1	1,2	0,2	1,4	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	1,2	0,3	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,2	0,2	1,0	0,1	1,2	0,1	1,0	0,2	0,7	0,2
HP0626	tetrahydrodipicolinate N-succinyltransferase	1,6	0,1	0,9	0,2	1,4	0,1	1,0	0,0	1,0	0,2	1,1	0,2	0,9	0,2	0,9	0,0	0,6	0,0	0,8	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,4	0,7	0,1
HP0627	hypothetical protein	1,0	0,2	1,1	0,2	1,3	0,0	1,1	0,2	1,0	0,2	0,8	0,0	0,9	0,2	0,9	0,1	0,6	0,0	1,0	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1
HP0628	hypothetical protein	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	0,8	0,2	0,8	0,0	0,9	0,1	1,1	0,0	0,8	0,2	0,7	0,2
HP0629	hypothetical protein	1,2	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	1,0	0,2	0,7	0,0	0,8	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	2,0	0,2	1,1	0,0	2,2	0,2	1,0	0,1	0,7	0,1
HP0630	modulator of drug activity	0,6	0,0	1,1	0,3	0,6	0,1	1,1	0,1	1,0	0,5	1,4	0,4	1,5	0,4	1,2	0,2	1,2	0,1	1,0	0,1	0,7	0,1	1,7	0,1	0,8	0,2	1,4	N.D.
HP0631	no description available	N.D.	N.D.	0,6	0,2	N.D.	N.D.	0,8	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0632	quinone-reactive Ni/Fe hydrogenase, large subunit	1,7	0,0	0,7	0,3	2,7	0,5	0,9	0,2	1,2	0,6	1,0	0,1	1,7	0,2	0,9	0,1	0,4	0,1	2,9	0,3	0,3	0,0	1,1	0,1	0,6	0,2	0,9	0,1
HP0633	quinone-reactive Ni/Fe hydrogenase, cytochrome b subunit	1,7	0,2	0,8	0,1	3,5	0,1	0,8	0,1	1,2	0,7	1,3	0,0	1,6	0,5	0,9	0,1	0,4	0,1	1,2	0,1	0,3	0,1	1,3	0,1	0,6	0,4	0,6	0,0
HP0634	quinone-reactive Ni/Fe hydrogenase	2,0	0,1	0,7	0,2	2,1	0,4	0,8	0,1	1,2	0,3	1,4	0,1	1,4	0,1	1,0	0,1	0,5	0,1	1,1	0,1	0,5	0,1	1,1	0,1	0,8	0,3	0,4	0,1
HP0635	hypothetical protein	1,6	0,1	0,8	0,1	1,7	0,0	1,2	0,2	1,0	0,2	1,3	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	0,8	0,2	1,7	0,3	0,9	0,1	1,3	0,0	1,0	0,1	0,5	0,1
HP0636	hypothetical protein	1,2	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	1,1	0,3	1,1	0,2	1,0	0,0	1,2	0,4	0,6	0,1	1,0	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1
HP0637	hypothetical protein	2,7	0,2	0,9	0,1	1,5	0,1	0,8	0,1	1,4	0,7	0,9	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	0,7	0,1	0,5	0,3	1,5	0,0	1,0	0,2	1,3	0,3
HP0638	outer membrane protein	1,9	0,2	0,9	0,1	1,5	0,1	0,8	0,1	1,2	0,3	1,0	0,3	1,0	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,0	0,7	0,2	1,1	0,2	0,7	0,4	1,4	0,0
HP0639	conserved hypothetical protein	1,1	0,1	1,0	0,4	1,0	0,0	1,1	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	1,0	0,2	0,9	0,0	1,2	0,1	1,4	0,3	1,0	0,0	1,2	0,1	0,9	0,1	0,6	0,0
HP0640	poly(A) polymerase	1,3	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	1,4	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	0,9	0,0	3,9	N.D.	1,1	0,1	0,9	0,2
HP0641	hypothetical protein	0,9	0,1	1,4	0,5	0,5	0,0	1,2	0,3	1,0	0,3	3,3	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	1,5	0,3	1,9	0,1	1,1	0,2	1,5	0,3	2,0	0,7	1,2	0,3
HP0642	NAD(P)H-flavin oxidoreductase	0,7	0,1	1,8	0,3	0,4	0,0	1,3	0,2	0,9	0,3	3,0	0,8	0,9	0,2	1,0	0,1	1,5	0,1	0,7	0,0	1,4	0,2	1,3	0,1	1,8	0,5	1,5	0,5
HP0643	glutamyl-tRNA synthetase	0,7	0,1	1,4	0,1	0,6	0,0	1,1	0,1	1,0	0,3	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,2	0,2	1,0	0,2	1,6	0,4
HP0644	conserved hypothetical integral membrane protein	0,7	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	0,8	0,0	0,8	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	N.D.	0,9	0,3	1,0	0,4
HP0645	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0646	UDP-glucose pyrophosphorylase	0,7	0,0	0,9	0,0	0,9	0,2	0,9	0,0	1,0	0,4	1,3	0,2	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,0	1,0	0,0	0,7	0,1	1,5	0,0	0,9	0,1	1,3	N.D.
HP0647	hypothetical protein	0,7	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	0,9	0,1	1,1	0,3	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,8	0,2	0,9	0,0	0,6	0,1	1,5	0,2	0,9	0,2	1,0	0,2
HP0648	UDP-N-acetylglucosamine enolpyruvyl transferase	0,7	0,1	0,8	0,1	0,8	0,2	0,9	0,2	1,0	0,4	1,2	0,1	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	1,3	0,1	1,0	0,2	1,6	0,3	1,2	0,2	1,4	0,4
HP0649	aspartate ammonia-lyase	0,4	0,0	1,1	0,2	0,3	0,0	1,0	0,1	0,8	0,2	0,9	0,1	0,8	0,2	0,8	0,1	1,4	0,3	1,1	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,0	0,9	0,2	1,2	0,1
HP0650	hypothetical protein	0,4	0,0	1,2	0,2	0,3	0,1	1,1	0,2	0,9	0,3	1,2	0,3	0,9	0,2	0,9	0,1	1,1	0,3	1,0	0,0	2,3	1,7	0,9	0,0	1,2	0,1	0,6	0,2
HP0651	fucosyltransferase	1,3	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,3	2,0	0,4	0,9	0,0	0,9	0,0	1,0	0,3	0,9	0,1	1,0	0,0	1,6	0,3	1,1	0,0	1,3	0,1
HP0652	phosphoserine phosphatase	1,6	0,0	1,1	0,1	1,5	0,2	1,0	0,0	1,2	0,3	1,7	0,3	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,3	1,0	0,1	1,1	0,2	1,5	0,1	1,5	0,4	1,1	0,0
HP0653	nonheme iron-containing ferritin	10,8	0,8	0,5	0,2	29,4	1,8	0,8	0,3	1,2	0,9	1,4	0,3	5,1	3,1	1,2	0,0	0,2	0,1	1,3	0,3	0,1	0,1	2,5	0,2	0,4	0,2	0,7	0,2
HP0654	conserved hypothetical protein	1,5	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	0,9	0,2	1,0	0,4	1,1	0,3	1,1	0,1	0,9	0,0	0,9	0,3	0,9	0,1	0,8	0,1	1,5	0,0	1,1	0,2	0,1	0,0
HP0655	no description available	N.D.	N.D.	1,2	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0656	conserved hypothetical protein	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,3	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	0,7	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	1,6	0,3	1,0	0,3	0,5	0,1
HP0657	processing protease	1,3	0,1	0,9	0,1	1,3	0,0	0,9	0,1	1,1	0,2	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,5	0,1	0,7	0,2	1,1	0,1
HP0658	Glu-tRNA(Gln) amidotransferase, subunit B	1,3	0,2	1,0	0,1	1,3	0,1	0,9	0,0	0,9	0,2	1,2	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	0,6	0,1	1,0	0,0	0,9	0,1	1,3	0,0	0,7	0,4	0,8	0,0
HP0659	no description available	0,7	0,0	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	1,3	0,4	0,9	0,1	0,7	0,1	0,8	0,1	1,1	0,4	1,1	0,0	0,8	0,0	0,7	0,1
HP0660	hypothetical protein	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	N.D.	0,9	0,1	0,9	0,3	1,0	0,3	1,0	0,1	0,9	0,1	0,8	0,0	0,9	0,0	0,8	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	0,6	0,1
HP0661	ribonuclease H	N.D.	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,1	0,4	1,0	0,1	1,0	0,2	1,3	0,2	0,9	0,3	1,2	0,2	0,9	0,0	1,1	N.D.	0,9	0,1	0,8	0,1
HP0662	ribonuclease III	0,8	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	0,9	0,5	1,2	0,3	1,1	0,1	1,2	0,2	0,7	0,3	0,7	0,0	1,0	0,1	1,3	N.D.	0,7	0,3	1,0	N.D.
HP0663	chorismate synthase	0,8	0,1	1,0	0,0	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	0,7	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	0,5	0,2	1,5	0,1	1,2	0,3	1,7	0,4	0,9	0,1	0,5	N.D.
HP0664	hypothetical protein	0,8	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	1,1	0,4	0,9	0,0	1,1	0,1	1,1	0,2	0,6	0,1	0,8	0,1	0,7	0,1	1,2	0,3	1,1	0,5	1,0	0,2
HP0665	no description available	0,8	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	0,9	0,3	1,0	0,2	0,9	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1	0,7	0,1	1,7	0,2	0,8	0,0	1,0	N.D.	1,1	0,3	1,3	0,4
HP0666	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0667	hypothetical protein	1,2	N.D.	0,9	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	1,5	0,3	1,1	0,2	0,9	0,0	1,1	0,2	0,9	0,0	0,9	0,2	1,3	0,2	1,2	0,0	0,8	N.D.
HP0668	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0669	hypothetical protein	1,9	0,5	0,8	0,1	1,5	0,0	0,9	0,1	1,1	0,3	1,3	0,3	2,1	0,8	1,1	0,1	0,6	0,1	0,9	0,1	0,2	0,1	2,2	0,2	0,5	0,1	0,9	N.D.
HP0670	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,1	N.D.	1,0	0,1	1,3	0,3	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	1,6	0,3	0,4	0,1
HP0671	outer membrane protein	2,0	0,3	0,9	0,1	1,6	0,1	0,9	0,0	1,1	0,4	0,9	0,1	0,9	0,2	0,9	0,0	1,7	0,2	1,2	0,2	1,0	0,1	1,1	0,2	0,7	0,4	1,5	N.D.
HP0672	solute-binding signature and mitochondrial signature protein	1,1	0,1	1,0	0,1	0,7	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	1,0	0,3	0,9	0,1	1,0	0,1	1,7	0,2	1,2	0,1	1,8	0,5	1,0	0,1	1,2	0,2	1,0	0,1
HP0673	hypothetical protein	1,0	N.D.	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,7	0,0	1,5	N.D.	1,1	0,2	1,4	0,4	1,0	0,0	1,1	0,2	0,6	N.D.	1,1	0,2	0,7	0,1
HP0674	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.	0,8	0,2	1,0	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,3	0,1	0,9	0,1	0,9	N.D.	1,0	0,1	1,2	N.D.
HP0675	integrase/recombinase	1,2	0,2	0,9	0,1	1,3	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,2	N.D.	0,8	0,0	0,9	N.D.	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	N.D.	1,2	0,1	0,7	N.D.
HP0676	methylated-DNA--protein-cysteine methyltransferase	0,9	0,1	0,8	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,3	1,0	0,4	0,8	0,1	1,0	0,0	1,4	0,1	1,3	0,3	1,0	0,0	1,1	0,0	0,9	N.D.	0,9	0,2	1,2	0,2
HP0677	conserved hypothetical integral membrane protein	0,9	0,2	0,9	0,1	0,7	0,1	0,9	0,1	1,0	0,3	1,1	0,0	0,8	0,1	1,1	0,0	1,2	0,1	0,9	0,1	1,3	0,3	1,0	0,1	0,9	0,1	0,6	0,4
HP0679	lipopolysaccharide biosynthesis protein (*wbpB*)	2,3	0,2	1,0	0,1	0,5	0,0	1,0	0,2	0,9	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	2,7	0,7	2,0	0,0	2,1	0,6	2,0	0,6	0,7	0,2	0,8	0,2
HP0680	ribonucleoside-diphosphate reductase 1 alpha subunit	0,6	0,1	1,4	0,1	0,6	0,1	1,0	0,1	0,9	0,3	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,9	1,3	0,8	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	0,3	0,0
HP0681	hypothetical protein	1,2	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	1,0	0,0	0,8	0,2	0,8	0,1	0,8	0,2	0,9	0,1	0,8	0,2	1,6	0,0	0,7	0,1	0,9	0,2	1,6	0,5	0,9	0,0
HP0682	hypothetical protein	0,9	0,0	1,0	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,3	0,7	0,0	0,9	0,2	0,9	0,1	0,8	0,2	1,2	0,1	0,6	0,1	0,9	0,2	1,7	0,8	1,6	0,3
HP0683	no description available	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0684	N-terminal domain of flagellar export apparatus gene (*fliP'*)	0,7	0,0	N.D.	N.D.	0,7	0,0	N.D.	N.D.	1,2	0,4	1,0	0,0	1,2	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,0	1,0	0,0	0,7	0,1	0,7	N.D.	1,1	0,3	N.D.	N.D.
HP0685	second part of FliP (*fliP''*)	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,3	0,9	0,1	1,2	0,3	1,3	0,2	1,6	0,4	1,5	0,1	1,4	0,3	0,8	N.D.	1,4	0,5	1,5	0,0
HP0686	iron(III) dicitrate transport protein	0,4	N.D.	1,6	0,4	0,3	0,1	1,7	0,5	0,7	0,3	0,8	0,0	0,9	0,1	1,1	0,1	4,2	0,8	0,8	0,1	7,6	4,5	0,4	0,0	3,1	1,5	1,0	N.D.
HP0687	no description available	0,7	0,0	0,9	0,1	0,7	0,1	1,0	0,0	1,0	0,2	0,8	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,4	0,1	1,0	0,0	0,9	N.D.	1,5	0,0	0,7	0,1
HP0688	hypothetical protein	1,4	0,3	0,8	0,1	1,3	0,1	0,8	0,2	1,1	0,4	1,2	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	0,7	0,1	0,6	0,1	0,8	0,3	0,8	0,0	1,0	0,4	1,4	0,2
HP0689	hypothetical protein	1,9	0,0	0,9	0,1	1,9	0,1	0,9	0,1	1,3	0,4	1,1	0,2	1,2	0,3	1,1	0,0	0,7	0,1	0,7	0,1	0,3	0,0	1,6	0,3	0,7	0,0	1,1	0,1
HP0690	no description available	1,4	0,5	0,8	0,1	1,2	0,1	0,8	0,1	1,1	0,3	0,9	0,0	0,9	0,1	0,8	0,0	1,0	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	1,0	0,2	1,0	0,2
HP0691	3-oxoadipate coA-transferase subunit A	1,2	0,0	0,9	0,1	0,9	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	0,6	0,0	0,8	0,2	0,6	0,1	1,0	0,3	1,0	0,2	1,2	0,6	1,0	0,1
HP0692	3-oxoadipate coA-transferase subunit B	1,1	0,1	0,8	0,1	0,8	0,1	0,8	0,0	1,1	0,2	0,8	0,0	0,9	0,2	0,6	0,0	0,8	0,1	0,9	0,0	1,0	0,3	0,9	0,2	0,9	0,4	1,6	0,4
HP0693	no description available	N.D.	N.D.	0,7	0,3	N.D.	N.D.	0,7	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0694	hypothetical protein	0,9	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	0,8	0,2	1,0	0,0	0,9	0,1	0,8	0,0	1,3	0,4	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	N.D.
HP0695	hydantoin utilization protein A	0,8	0,0	0,8	0,1	1,0	0,0	0,9	0,1	1,3	0,7	0,7	0,0	0,9	0,2	0,6	0,1	0,9	0,3	1,4	0,1	0,8	0,2	1,0	0,1	1,7	0,8	1,0	0,3
HP0696	N-methylhydantoinase	0,8	0,0	0,8	0,1	0,9	0,3	0,7	0,2	1,3	0,6	0,7	0,0	1,0	0,2	0,6	0,1	0,9	0,2	1,3	0,1	0,8	0,2	1,0	0,2	1,7	0,9	2,9	0,6
HP0697	hypothetical protein	1,1	0,1	0,7	0,1	1,2	0,1	0,8	0,1	1,5	0,5	0,6	0,1	0,9	0,1	0,5	0,1	0,9	0,2	2,3	0,1	0,7	0,2	0,9	0,0	1,6	0,6	2,3	0,5
HP0699	hypothetical protein	1,2	0,3	1,3	0,2	0,8	0,1	1,0	0,2	1,0	0,3	0,8	0,0	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,2	1,4	0,5	1,9	0,4
HP0700	diacylglycerol kinase	0,6	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	0,8	0,0	1,0	0,1	1,2	0,2	1,1	0,1	1,4	0,0	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	N.D.
HP0701	DNA gyrase, sub A	0,8	0,0	0,9	0,1	1,1	N.D.	0,9	0,1	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,0	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	0,7	0,1	0,9	N.D.	1,2	0,1	0,6	0,0
HP0702	hypothetical protein	0,5	0,1	1,0	0,2	0,7	0,1	1,2	0,2	0,9	0,3	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,7	0,1	1,0	0,0	0,7	0,1	1,1	0,0	0,8	0,1	N.D.	N.D.
HP0703	Response regulator (*flgR*)	0,5	0,1	0,8	0,1	0,7	0,1	0,9	0,1	0,9	0,3	1,1	0,0	0,9	0,0	1,5	0,2	0,9	0,2	1,4	0,3	1,0	0,3	1,3	0,1	0,6	0,1	0,9	0,2

HP0705	no description available	N.D.	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0706	outer membrane protein	1,9	0,3	0,9	0,0	1,4	0,2	0,9	0,1	1,2	0,5	0,8	0,2	1,0	0,2	0,9	0,0	1,4	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	0,8	0,0	0,7	0,1	0,9	0,2
HP0707	conserved hypothetical protein	1,4	0,0	1,0	0,2	1,0	0,0	1,1	0,1	1,0	0,3	0,8	0,1	0,9	0,2	1,2	0,2	1,4	0,2	1,3	0,1	0,9	0,2	1,0	0,0	0,6	0,3	0,9	0,1
HP0708	hypothetical protein	1,3	N.D.	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	N.D.	1,2	0,1	1,3	0,0	1,0	0,0	1,0	0,0	1,4	N.D.	0,8	0,2	0,4	0,1
HP0709	conserved hypothetical protein	1,2	0,0	0,9	0,1	1,3	0,0	0,9	0,1	1,3	0,3	0,7	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	0,7	0,3	1,5	0,2	0,9	0,3	1,3	0,2	1,2	0,3	0,8	N.D.
HP0710	no description available	N.D.	N.D.	0,8	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0711	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,2	0,2	1,4	N.D.	1,1	N.D.	1,1	0,0	1,1	N.D.	1,0	0,0	0,8	0,0	1,2	N.D.	0,9	0,1	1,2	N.D.
HP0712	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,4	0,3	N.D.	N.D.	1,2	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,2	N.D.
HP0713	conserved hypothetical protein	1,1	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,3	0,6	1,0	0,0	1,0	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	1,8	0,3	0,8	0,1	1,1	N.D.	0,9	0,1	0,9	N.D.
HP0714	*rpoN*	1,0	0,0	1,0	0,2	0,7	0,1	1,0	0,0	1,0	0,3	0,8	0,2	0,8	0,2	1,0	0,1	1,3	0,1	1,1	0,0	0,8	0,1	1,1	0,2	0,9	0,3	0,6	0,0
HP0715	ABC transporter, ATP-binding protein	1,4	0,2	0,9	0,1	0,3	0,0	0,9	0,2	0,9	0,2	0,9	0,2	0,8	0,1	1,3	0,2	1,7	0,2	1,8	0,1	N.D.	N.D.	1,4	0,2	0,5	0,1	0,6	0,1
HP0716	conserved hypothetical protein	0,9	0,0	1,2	0,1	0,9	0,1	0,6	0,1	1,1	0,3	0,8	0,0	0,9	0,1	1,1	0,1	1,2	0,4	0,9	0,0	0,8	0,1	0,9	N.D.	1,2	0,2	0,9	0,1
HP0717	DNA polymerase III gamma and tau subunits	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,3	0,0	1,0	0,1	0,9	N.D.	1,2	0,0	1,1	0,1
HP0718	conserved hypothetical integral membrane protein	0,8	0,1	0,8	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	1,3	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,5	0,4	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	N.D.	1,2	0,2	1,0	0,1
HP0719	hypothetical protein	0,5	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	1,3	0,1	0,8	0,3	1,5	0,1	0,8	0,3	0,9	0,1	1,6	0,4	1,3	0,1	0,8	0,0	1,6	0,2	1,5	0,7	1,0	0,3
HP0720	hypothetical protein	0,5	0,0	0,9	0,3	0,8	0,1	1,2	0,4	0,8	0,4	1,4	0,0	0,8	0,3	1,0	0,1	1,7	0,4	1,1	0,1	0,8	0,1	1,4	0,2	1,6	0,6	0,9	0,3
HP0721	hypothetical protein	0,9	0,0	0,9	0,1	1,2	0,0	1,0	0,2	0,9	0,4	1,6	0,3	0,8	0,4	1,0	0,1	1,6	0,4	0,9	0,1	0,7	0,1	1,8	0,2	0,5	0,1	0,3	0,0
HP0722	outer membrane protein	1,4	0,2	N.D.	N.D.	1,2	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,2	0,3	0,0	0,9	0,1	0,9	0,0	1,1	0,0	1,1	0,2	0,9	0,2	1,3	0,3	1,1	0,2	1,4	0,1
HP0723	L-asparaginase II	2,7	0,2	0,7	0,1	2,6	0,1	0,9	0,2	1,6	0,9	1,3	0,3	1,4	0,3	0,9	0,1	0,6	0,2	0,6	0,1	0,3	0,1	1,2	0,1	0,6	0,2	0,8	0,1
HP0724	anaerobic C4-dicarboxylate transport protein	1,3	0,1	1,1	0,1	1,4	0,2	1,2	0,1	1,1	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,1	0,9	0,0	0,7	0,3	1,7	0,3	0,9	0,0	0,8	N.D.	0,9	0,0	1,0	N.D.
HP0725	no description available	0,7	0,1	N.D.	N.D.	0,6	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,2	0,6	0,0	0,8	0,2	0,8	0,1	1,4	0,1	1,1	0,0	1,2	0,3	1,1	0,2	1,0	0,0	1,5	0,3
HP0726	hypothetical protein	1,1	0,0	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,3	1,0	0,1	0,8	0,1	1,0	0,0	1,0	0,2	0,7	0,0	1,3	0,2	0,9	0,0	1,0	0,3	0,6	0,1
HP0727	transcriptional regulator, putative	1,6	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,2	0,9	0,3	0,9	0,1	1,0	0,0	0,9	0,2	0,6	0,2	1,3	0,2	1,0	0,2	0,9	0,2	0,7	0,0
HP0728	conserved hypothetical protein	1,5	N.D.	1,3	0,1	1,5	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	0,7	0,1	0,9	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	1,1	N.D.
HP0729	hypothetical protein	0,9	0,0	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	0,9	0,0	1,0	0,0	1,0	0,2	0,8	0,1	1,6	0,1	0,8	0,2	1,3	0,2	1,1	0,2	1,1	0,4
HP0730	hypothetical protein	0,9	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	1,0	0,1	1,0	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,2	0,0	0,8	0,1	1,3	0,1	1,1	0,3	1,2	N.D.
HP0731	no description available	N.D.	N.D.	1,2	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0732	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	1,1	0,2	1,2	0,1	1,2	0,2	1,4	0,1	0,8	0,3	0,8	N.D.	1,4	0,2	1,1	N.D.
HP0733	hypothetical protein	1,3	0,2	1,0	0,2	1,2	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	1,6	0,5	1,0	0,0	1,2	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1
HP0734	conserved hypothetical protein	0,6	0,0	1,2	0,1	0,7	0,1	0,9	0,1	0,9	0,3	0,7	0,0	0,9	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	1,1	0,2	1,0	0,1	0,7	0,1	0,5	0,0
HP0735	xanthine guanine phosphoribosyl transferase	0,5	0,0	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,0	0,8	0,1	0,7	0,0	0,9	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,2	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	0,7	0,0
HP0736	phosphoserine aminotransferase	0,6	0,0	0,8	0,1	0,7	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	0,6	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,7	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	0,8	0,0	0,7	0,1
HP0737	conserved hypothetical integral membrane protein	1,4	0,2	1,0	0,1	1,3	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	1,0	0,2	1,2	0,1	1,2	0,2	1,3	0,3	1,0	0,1	1,2	0,1	1,2	0,3	0,9	0,1
HP0738	D-alanine:D-alanine ligase A	1,3	0,1	1,3	0,2	1,5	0,2	1,1	0,1	0,9	0,2	0,8	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	1,2	N.D.	1,3	0,2	1,8	N.D.
HP0739	2-hydroxy-6-oxohepta-2,4-dienoate hydrolase	1,5	0,1	1,3	0,3	1,3	0,1	1,1	0,1	1,1	0,3	1,1	0,1	1,0	0,3	1,3	0,0	1,1	0,2	0,9	0,1	1,4	0,2	1,0	0,0	1,4	0,4	1,0	0,2
HP0740	UDP-MurNac-pentapeptide presynthetase	1,3	0,0	1,3	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,0	0,9	N.D.	1,1	0,1	1,2	N.D.
HP0741	conserved hypothetical protein	1,2	0,1	1,1	0,1	1,0	0,0	1,1	0,1	1,1	0,4	1,3	0,2	1,0	0,3	1,3	0,1	1,1	0,2	0,7	0,1	0,9	0,0	0,6	0,5	1,0	0,1	1,0	0,2
HP0742	phosphoribosylpyrophosphate synthetase	1,2	0,1	1,0	0,2	1,3	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	1,1	0,1	0,7	0,0	1,0	0,1	1,4	0,1	1,6	0,5	1,3	0,1
HP0743	rod shape-determining protein	1,4	0,0	1,4	0,3	1,2	0,0	1,0	0,2	1,0	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,3	0,2	1,1	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	0,9	0,0
HP0744	hypothetical protein, authentic frameshift	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,3	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	0,8	0,1	1,3	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	0,6	0,1
HP0745	conserved hypothetical protein	0,8	0,0	0,9	0,1	0,8	0,2	0,9	0,1	1,2	0,3	1,1	0,2	1,9	0,3	1,3	0,2	1,1	0,2	1,5	0,0	1,6	0,7	1,3	0,1	0,6	0,0	1,5	0,1
HP0746	hypothetical protein	0,9	0,0	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	1,1	0,3	0,9	0,0	1,1	0,1	0,9	0,0	0,9	0,2	1,1	0,0	0,8	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1
HP0747	no description available	1,4	0,1	1,1	0,1	1,3	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	0,8	0,1	0,8	0,0	1,4	0,3	1,4	N.D.
HP0748	cell division protein	0,7	0,0	1,0	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	1,1	0,3	0,9	0,1	0,9	0,2	1,1	0,0	0,8	0,1	1,1	0,1	1,3	0,4	1,0	N.D.	1,2	0,4	0,9	0,3
HP0749	cell division membrane protein	0,8	0,0	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	1,3	0,1	1,1	0,2	1,0	0,0	1,0	0,2	0,8	0,1
HP0750	hypothetical protein	0,7	0,1	1,0	0,2	0,7	0,1	1,1	0,1	0,9	0,3	0,9	0,1	1,0	0,2	1,2	0,1	0,9	0,0	0,7	0,0	1,1	0,2	1,3	0,1	0,9	0,2	1,2	0,3
HP0751	*flaG2*	4,4	0,3	1,2	0,3	0,4	0,1	0,8	0,2	0,9	0,2	0,6	0,1	0,7	0,1	1,6	0,2	3,6	0,8	3,9	0,8	2,7	0,7	2,9	0,2	0,4	0,1	0,4	0,1
HP0752	flagellar capping protein 2/HAP2 (*fliD*)	1,4	0,1	1,5	0,5	0,5	0,0	0,8	0,1	0,9	0,2	0,6	0,0	0,8	0,2	1,0	0,1	2,4	0,7	1,2	0,1	1,6	0,4	1,9	0,3	0,4	0,0	0,4	0,0
HP0753	Flagellar chaperone (*fliS*)	2,3	0,4	1,4	0,5	0,4	0,0	0,9	0,1	0,9	0,2	0,7	0,1	0,8	0,1	1,2	0,1	3,3	N.D.	2,3	1,2	4,2	0,1	1,2	N.D.	0,8	0,1	0,9	0,3
HP0754	(*fliT*)	N.D.	N.D.	1,2	0,6	0,4	0,1	0,5	0,0	1,1	0,2	0,8	0,0	0,9	0,1	1,2	0,1	1,3	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	N.D.	0,8	0,0	0,9	N.D.
HP0755	molybdopterin biosynthesis protein	1,3	0,1	1,3	0,2	1,4	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	1,4	0,2	1,1	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,0	1,1	0,3	1,0	0,1
HP0756	hypothetical protein	0,3	N.D.	1,1	0,0	0,9	0,1	1,3	0,2	1,0	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,1	0,8	0,0	1,1	0,2	1,0	0,0	0,7	0,1	0,8	N.D.	1,2	0,2	1,8	0,8
HP0757	beta-alanine synthetase homolog	0,6	0,0	1,0	0,2	0,9	0,0	1,2	0,2	1,0	0,2	1,0	0,2	0,9	0,2	1,1	0,1	1,3	0,1	0,6	0,0	1,5	0,5	1,1	0,2	0,9	0,4	0,3	0,1
HP0758	conserved hypothetical integral membrane protein	0,9	0,0	1,3	0,3	1,1	0,1	0,8	0,3	1,0	0,3	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,0	1,0	0,1	1,1	0,1	1,2	0,4	0,9	N.D.	0,9	0,1	0,7	0,1
HP0759	conserved hypothetical integral membrane protein	1,3	0,0	1,0	0,1	1,1	0,0	0,8	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,0	0,9	0,1	0,8	0,2	1,0	0,1	1,3	N.D.	0,9	0,1	0,9	0,2
HP0760	conserved hypothetical protein	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	0,8	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2
HP0761	hypothetical protein	1,1	0,0	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	0,6	0,0	0,7	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,5	0,3	1,2	0,3	0,9	0,0	1,1	0,2	0,9	0,2
HP0762	hypothetical protein	0,8	0,0	0,9	0,1	0,6	0,1	0,8	0,1	1,1	0,4	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	0,8	0,1	0,8	0,0	1,0	0,2	0,9	0,1	1,2	N.D.
HP0763	cell division protein	0,9	0,0	0,9	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,3	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,0	0,8	0,1	0,8	0,2	0,9	0,4	0,9	0,2
HP0764	hypothetical protein	1,4	N.D.	0,9	0,3	1,1	N.D.	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	1,1	N.D.	1,0	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	0,9	0,1	1,0	0,0	1,1	0,0	0,9	N.D.
HP0765	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,2	0,8	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,3	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	1,6	0,3	0,8	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	1,3	0,4
HP0766	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,2	0,8	N.D.	1,0	0,3	1,4	0,5	0,9	0,0	1,0	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,6	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	1,1	N.D.	0,8	N.D.
HP0768	molybdenum cofactor biosynthesis protein A	0,9	0,1	0,8	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	0,9	0,0	1,3	0,1	1,4	0,1	1,4	0,3	1,3	0,3	0,8	N.D.	1,0	0,2	0,8	0,1
HP0769	molybdopterin-guanine dinucleotide biosynthesis protein A	1,0	N.D.	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,1	0,3	1,0	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	1,2	0,2	0,8	N.D.	1,4	0,3	0,9	N.D.	1,2	0,2	1,1	0,3
HP0770	Flagellar basal body protein involved in export (*flhB1*)	1,3	0,1	1,0	0,2	1,2	0,0	1,2	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	0,9	0,0	1,1	N.D.	1,0	0,0	1,4	0,2
HP0771	hypothetical protein	1,4	0,2	1,0	0,2	1,2	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	0,9	0,1	0,8	N.D.	1,3	0,1	1,2	0,1	1,4	0,0	1,1	0,0	1,7	N.D.	1,0	0,3	0,9	0,1
HP0772	N-acetylmuramoyl-L-alanine amidase	1,4	0,1	0,9	0,0	1,1	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,3	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	1,1	0,1	0,9	N.D.	1,2	0,2	1,0	0,0
HP0773	hypothetical protein	1,1	0,1	0,8	0,3	0,8	0,1	0,7	0,4	0,9	0,3	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	1,1	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,0	1,0	N.D.
HP0774	tyrosyl-tRNA synthetase	1,1	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,2	0,2	0,9	0,0	1,3	0,0	1,1	0,0	1,1	0,2	1,0	0,2
HP0775	penta-phosphate guanosine-3'-pyrophosphohydrolase	1,1	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,5	0,2	0,9	0,0	1,1	N.D.	1,4	0,2	2,3	N.D.
HP0776	hypothetical protein	1,1	0,1	1,1	0,1	1,2	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,0	1,2	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	1,3	0,2	1,1	0,2	1,2	0,1
HP0777	uridine 5'-monophosphate (UMP) kinase	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	0,8	0,2	1,1	0,3	0,8	0,1	0,7	0,1	0,9	0,1	1,1	0,0	0,9	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2
HP0778	hypothetical protein	0,9	0,0	0,9	0,2	0,7	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	1,2	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	N.D.
HP0779	aconitase B	0,8	0,0	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	0,7	0,0	0,5	0,0	0,8	0,1	0,9	0,0	0,7	0,2	0,6	0,1
HP0780	hypothetical protein	0,8	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	0,9	0,0	1,0	0,2	0,9	0,1	0,7	0,1	1,4	0,1	0,7	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,8	0,2
HP0781	hypothetical protein	0,6	0,0	1,1	0,1	0,6	0,1	1,0	0,2	1,0	0,4	0,8	0,1	1,0	0,0	1,0	0,1	0,7	0,1	1,2	0,1	0,8	0,0	0,9	0,1	1,0	0,0	0,8	0,1
HP0782	hypothetical protein	1,3	0,1	0,9	0,3	1,2	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,2	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	0,9	0,0	1,0	N.D.	0,9	0,1	0,9	N.D.
HP0783	hypothetical protein	0,9	0,0	0,9	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,7	0,2	0,8	0,1	1,1	0,2	0,8	0,0	0,7	0,1	1,0	0,1	1,4	0,1	1,4	0,1
HP0784	hypothetical protein	1,0	0,0	0,9	0,2	1,7	0,3	1,0	0,1	0,9	0,3	0,9	0,2	1,4	0,1	1,1	0,1	1,5	0,2	1,6	0,2	1,3	0,3	0,9	0,2	2,1	0,4	3,2	0,7
HP0785	conserved hypothetical secreted protein	0,6	0,0	0,9	0,1	0,7	0,1	1,0	0,1	0,9	0,3	1,0	0,1	1,6	1,0	0,9	0,1	1,3	0,2	1,2	0,1	0,7	0,1	1,2	0,2	1,0	0,2	1,3	0,3
HP0786	preprotein translocase subunit	1,2	0,1	1,0	0,2	1,1	0,0	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1	0,8	0,0	1,1	0,1	0,8	0,2	0,8	0,2
HP0787	conserved hypothetical integral membrane protein	1,1	0,2	0,9	0,1	1,1	0,2	0,9	0,2	1,2	0,3	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,0	0,9	0,0	0,9	N.D.	0,9	0,1	0,7	0,0
HP0788	hypothetical protein	1,0	0,1	0,9	0,2	1,2	0,0	0,9	0,2	0,8	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	0,7	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	0,7	0,3	0,8	0,1
HP0789	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,8	0,2	N.D.	N.D.	0,5	0,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	0,1	0,8	N.D.	1,1	N.D.	1,0	0,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0790	anti-codon nuclease masking agent	1,3	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	1,1	0,0	1,3	0,0	1,3	0,1	1,3	N.D.	1,2	0,1	1,7	0,4
HP0791	no description available	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0792	no description available	N.D.	N.D.	1,2	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0793	no description available	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0794	ATP-dependent clp protease proteolytic component	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	1,1	0,3	1,0	0,2	0,8	0,0	1,0	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2
HP0795	trigger factor	0,8	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,8	0,0	1,0	0,0	1,6	0,0	1,0	0,2	0,9	0,0	1,3	0,3	1,3	0,2
HP0796	outer membrane protein	0,7	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	0,9	0,3	1,0	0,2	0,8	0,0	0,9	0,2	1,1	0,1	1,1	0,2	1,5	0,1	0,9	0,2	0,9	0,0	1,1	0,2	1,3	0,3
HP0797	Flagellar sheath associated protein (*hpaA*)	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	1,0	0,3	0,9	0,1	1,3	0,3	0,8	0,1	1,5	0,5	1,2	0,0	0,9	0,2	1,3	0,2	1,1	0,2	1,0	0,1
HP0798	molybdenum cofactor biosynthesis protein C	0,5	0,0	0,9	0,1	0,5	0,1	0,9	0,1	0,8	0,4	1,0	0,2	1,1	0,4	1,3	0,1	1,0	0,1	1,3	0,2	1,5	0,2	1,0	0,1	0,9	0,3	0,8	N.D.
HP0799	molybdopterin biosynthesis protein	0,5	N.D.	1,2	0,2	0,5	0,0	1,2	0,1	0,8	0,3	1,0	0,1	0,8	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,6	0,2	1,8	0,4	1,2	0,2	0,9	0,3	0,4	0,1
HP0800	molybdopterin converting factor, subunit 2	0,6	0,0	1,2	0,1	0,6	0,1	1,2	0,1	0,9	0,3	0,8	0,0	0,8	0,2	1,2	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,9	0,2	0,9	N.D.	1,0	0,5	0,4	0,1
HP0801	molybdopterin converting factor, subunit 1	0,7	0,0	0,9	0,2	0,6	0,1	1,1	0,2	0,9	0,4	0,9	0,0	0,8	0,1	1,0	0,1	1,3	0,2	1,2	0,0	0,9	0,0	0,9	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.
HP0802	GTP cyclohydrolase II	0,5	0,0	0,9	0,0	0,5	0,1	1,0	0,1	0,9	0,4	1,0	0,0	1,0	0,1	1,2	0,1	1,7	0,2	1,3	0,1	2,8	1,3	0,8	0,2	1,1	0,4	0,4	0,1
HP0803	hypothetical protein	0,5	0,0	1,2	0,2	0,5	0,1	1,1	0,1	1,0	0,4	0,8	0,0	0,8	0,1	1,2	0,1	1,7	0,4	1,5	0,1	N.D.	N.D.	0,7	0,0	1,0	0,4	0,6	0,2
HP0804	GTP cyclohydrolase II/3,4-dihydroxy-2-butanone 4-phosphate synthase	0,7	0,1	1,2	0,1	0,5	0,0	1,1	0,1	0,7	0,3	1,0	0,3	1,2	0,3	1,0	0,1	2,3	0,8	1,0	0,0	N.D.	N.D.	1,1	N.D.	1,1	0,2	1,0	0,2
HP0805	lipooligosaccharide 5G8 epitope biosynthesis-associated protein	1,0	N.D.	0,8	0,2	1,3	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	0,8	N.D.	1,1	0,0	1,2	0,8	1,1	0,0	1,0	0,0	1,3	N.D.	1,2	0,1	0,9	N.D.
HP0806	hypothetical protein	1,1	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,2	0,8	0,2	1,1	0,2	0,9	N.D.	1,1	0,1	1,9	N.D.	1,3	0,0	1,5	0,0	0,8	N.D.	1,2	0,3	0,4	0,2
HP0807	iron(III) dicitrate transport protein	1,0	0,2	0,7	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	1,1	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	1,2	0,0	0,9	0,1	0,8	0,0	1,1	0,1	0,8	0,1
HP0808	holo-acp synthase	1,0	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,2	0,3	0,8	0,1	0,8	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,2	0,8	0,0	1,1	0,1	0,9	N.D.	1,0	0,1	0,6	0,1
HP0809	hypothetical protein	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	1,1	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1
HP0810	conserved hypothetical protein	1,2	0,0	1,0	0,2	0,9	0,0	1,1	0,1	0,9	0,2	0,9	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,2	0,1	0,5	0,1	1,0	0,1	1,1	N.D.	1,1	0,3	0,8	0,1
HP0811	hypothetical protein	0,9	0,1	1,2	0,1	1,0	N.D.	1,4	0,1	0,9	0,2	0,9	0,0	1,1	N.D.	1,0	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	0,9	N.D.	1,3	0,1	1,2	N.D.
HP0812	hypothetical protein	0,6	0,0	1,0	0,2	0,7	0,0	0,9	0,2	0,9	0,2	0,6	N.D.	1,1	0,0	1,1	0,0	1,3	0,1	1,4	0,2	1,0	0,1	0,9	N.D.	1,2	0,3	1,1	0,1
HP0813	conserved hypothetical protein	1,1	0,0	1,1	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,1	0,3	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	1,1	0,1	1,2	0,3	1,1	0,1	2,8	0,6	4,0	0,6
HP0814	thiamin biosynthesis protein	1,0	0,0	1,2	0,1	0,7	0,1	0,8	0,2	1,0	0,2	0,8	0,1	0,8	0,3	1,4	0,1	1,1	0,1	1,4	0,0	1,6	0,5	1,3	0,1	0,9	0,3	1,7	0,3
HP0815	Flagellar motor protein A (*motA*)	1,0	0,0	1,1	0,2	0,6	0,0	0,8	0,1	1,0	0,2	0,7	0,1	0,9	0,2	1,2	0,1	1,2	0,1	1,4	0,1	1,5	0,3	1,4	0,0	0,8	0,2	1,5	0,4
HP0816	Flagellar motor protein B (*motB*)	0,7	0,0	1,0	0,5	0,4	0,0	0,8	0,0	0,8	0,2	0,8	0,0	0,8	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	N.D.	N.D.	1,4	0,4	1,3	0,2	0,7	0,1	1,3	0,1
HP0817	hypothetical protein	0,9	0,0	1,0	0,1	0,5	N.D.	0,9	0,1	1,0	0,3	0,8	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	N.D.	0,9	0,3	1,4	0,1
HP0818	osmoprotection protein	1,0	0,0	1,1	0,2	1,1	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	0,7	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	1,2	0,0	0,8	N.D.	1,3	0,3	1,0	0,3
HP0819	osmoprotection protein	0,6	0,1	1,0	0,1	0,7	0,1	1,0	0,2	0,9	0,4	1,0	0,1	0,9	0,2	1,3	0,1	0,9	0,2	1,2	0,0	1,5	0,2	0,9	N.D.	0,9	0,1	0,4	0,1
HP0820	hypothetical protein	1,5	0,1	1,2	0,3	1,4	0,0	1,1	0,1	1,1	0,2	1,1	0,0	1,2	0,3	1,1	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	N.D.	1,0	0,0	0,7	0,1
HP0821	excinuclease ABC subunit C	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	N.D.	1,1	0,0	0,9	0,1	1,1	0,0	1,0	0,1	1,1	N.D.	1,0	0,1	0,9	0,1
HP0822	homoserine dehydrogenase	1,2	N.D.	1,2	0,2	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	0,8	0,3	1,1	0,2	1,1	0,1	0,9	0,4	0,7	0,0	1,2	0,0	1,4	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0
HP0823	conserved hypothetical protein	1,0	0,0	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,3	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,0	0,8	0,1	1,3	0,1	0,9	0,0	1,1	N.D.	1,0	0,0	1,0	0,2
HP0824	thioredoxin	1,4	0,2	0,8	0,2	1,4	0,1	0,8	0,1	1,1	0,4	1,3	0,2	0,9	0,1	0,6	0,1	1,4	0,5	1,1	0,1	1,0	0,3	0,8	0,1	1,3	0,1	1,8	0,4
HP0825	thioredoxin reductase	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,4	0,2	0,9	0,1	0,6	0,0	1,3	0,3	1,0	0,1	0,9	0,3	0,9	0,0	1,3	0,1	1,9	0,3
HP0826	lipooligosaccharide 5G8 epitope biosynthesis-associated protein	1,5	0,2	1,0	0,2	1,5	0,0	0,9	0,1	1,1	0,2	0,9	0,2	1,2	0,1	1,1	0,0	1,0	0,2	1,0	0,0	1,0	0,0	0,9	0,0	1,1	0,2	1,3	0,1
HP0827	ss-DNA binding protein 12RNP2 precursor	1,6	0,0	1,0	0,1	1,4	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	0,7	0,1	1,3	0,3	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,3	0,1	1,1	0,3	1,2	0,1	1,5	0,3	0,9	0,5
HP0828	ATP synthase F0, subunit a	0,8	0,0	1,1	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	1,2	0,4	0,8	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,7	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	0,8	0,1
HP0829	inosine-5'-monophosphate dehydrogenase	0,8	0,0	0,9	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,3	0,8	0,0	1,1	0,1	0,9	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	1,1	0,3
HP0830	Glu-tRNA(Gln) amidotransferase, subunit A	1,0	0,0	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	0,9	0,2	0,7	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,0	0,0	1,0	0,2	0,8	0,1	0,8	0,0	1,1	0,3
HP0831	conserved hypothetical ATP binding protein	0,9	0,0	1,2	0,2	0,8	N.D.	1,0	0,0	1,3	0,4	0,8	0,0	0,9	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	N.D.	1,2	0,1	1,1	N.D.
HP0832	spermidine synthase	0,9	0,0	1,3	0,2	0,7	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	0,8	0,0	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,2	0,2	1,1	0,2	1,4	0,4	2,2	0,5
HP0833	hypothetical protein	0,6	0,0	1,1	0,2	0,7	0,1	1,2	0,2	1,0	0,3	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,0	0,8	0,1	1,3	0,2	0,9	0,0	1,0	0,1	0,9	0,0	0,9	0,3
HP0834	GTP-binding protein homologue	0,9	0,0	1,2	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	1,0	0,3	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1
HP0835	histone-like DNA-binding protein HU	0,7	0,1	0,9	0,1	0,6	0,0	1,0	0,1	0,8	0,4	0,9	0,2	1,3	0,2	1,2	0,2	1,8	1,1	0,8	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	0,7	0,3
HP0836	hypothetical protein	1,1	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,2	1,1	0,0	0,8	0,0	0,8	0,1	1,0	0,0	0,9	0,1	0,8	0,0	1,0	0,2	1,3	0,2
HP0837	hypothetical protein	0,9	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	1,1	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	0,7	0,1	0,6	0,0	0,7	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	2,8	1,7
HP0838	hypothetical protein	0,9	0,1	1,2	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,2	1,0	0,0	0,8	0,2	1,0	0,1	1,0	0,3	1,0	0,2	1,0	0,1	1,2	0,3
HP0839	outer membrane protein P1	0,7	0,1	1,4	0,4	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,0	1,3	0,4	1,0	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1
HP0840	Flagella associated protein with no known function (*flaA1*)	1,0	0,2	1,2	0,2	1,1	0,1	1,2	0,1	1,0	0,4	0,9	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	0,8	0,2	0,8	0,0	1,4	0,5	0,9	N.D.	1,2	0,2	0,8	0,0
HP0841	pantothenate metabolism flavoprotein	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,5	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,0	0,8	0,1	0,8	0,0	1,0	0,1	1,2	N.D.	1,3	0,1	1,0	0,3
HP0842	hypothetical protein	1,1	0,1	1,1	0,2	1,3	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,4	1,0	0,2	0,9	0,1	1,3	0,1	1,1	0,1	1,3	0,2	1,1	0,0	1,1	N.D.	1,4	0,4	1,1	0,2
HP0843	thiamin phosphate pyrophosphorylase/hyroxyethylthiazole kinase	1,2	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	1,0	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	0,8	0,1	1,0	0,0	1,4	0,2	0,8	0,0	1,2	0,0	1,1	N.D.	1,2	0,2	1,3	0,4
HP0844	thiamine biosynthesis protein	0,8	0,0	0,9	0,1	0,8	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	1,1	0,2	1,0	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,3	0,9	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1
HP0845	thiamin phosphate pyrophosphorylase/hyroxyethylthiazole kinase	1,0	0,1	0,9	0,2	0,7	0,0	0,9	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,4	0,1	1,2	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	1,1	0,2	1,2	0,1
HP0846	type I restriction enzyme R protein	0,9	0,0	1,2	0,1	0,8	0,1	0,5	0,2	0,9	0,2	0,9	0,0	1,1	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2
HP0848	type I restriction enzyme S protein	0,9	0,1	1,1	0,2	0,6	0,1	1,1	0,1	1,0	0,3	0,9	0,1	1,0	0,2	1,2	0,1	1,1	0,1	1,3	0,1	1,1	0,0	1,1	N.D.	1,3	0,2	1,9	0,4

HP0849	hypothetical protein	0,9	0,0	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	0,9	0,0	1,2	0,1	1,1	0,1	1,2	0,1	1,2	0,2	1,0	0,1	1,0	N.D.	1,3	0,3	1,8	0,7
HP0850	type I restriction enzyme M protein	1,0	0,1	0,9	0,2	0,8	0,1	0,9	0,2	1,0	0,3	1,0	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0
HP0851	conserved hypothetical integral membrane protein	0,6	0,0	1,1	0,2	0,6	0,1	1,0	0,1	0,9	0,3	0,9	0,0	1,0	0,3	0,9	0,1	1,3	0,2	0,5	0,0	1,8	0,4	1,0	0,0	0,9	0,4	0,6	0,1
HP0852	hypothetical protein	0,6	0,1	1,0	0,2	0,6	0,0	0,8	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,7	0,1	0,8	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	0,9	0,2
HP0853	ABC transporter, ATP-binding protein	0,7	0,0	0,9	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	1,3	0,3	0,9	0,4	0,7	0,1	1,0	0,1	1,4	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,1	0,4	1,1	0,0
HP0854	GMP reductase	1,5	0,2	1,4	0,2	1,5	0,0	1,1	0,1	1,1	0,4	1,1	0,0	0,9	0,1	1,1	0,1	1,2	0,3	0,7	0,0	N.D.	N.D.	1,1	0,2	1,2	0,4	0,8	0,1
HP0855	alginate O-acetylation protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,1	0,3	N.D.	N.D.	0,7	N.D.	0,9	0,0	1,3	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	N.D.	1,1	0,0	0,9	N.D.
HP0856	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,1	N.D.	1,7	0,3	1,0	0,1	0,9	N.D.	2,1	1,0	N.D.	N.D.
HP0857	phosphoheptose isomerase	1,5	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	0,9	0,3	1,1	0,2	1,5	0,3	1,1	0,1	0,8	0,1	1,0	0,2	1,3	0,2	0,9	0,1	1,3	0,1	1,3	0,3	1,4	0,2
HP0858	ADP-heptose synthase	1,2	0,1	1,1	0,0	1,2	0,0	1,0	0,1	0,9	0,2	1,5	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	0,8	0,1	1,0	0,0	1,5	0,5	0,8	0,3	0,8	N.D.
HP0859	ADP-L-glycero-D-mannoheptose-6-epimerase	1,4	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,2	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,2	0,1	1,1	0,3	1,4	0,2
HP0860	conserved hypothetical protein	1,1	0,1	1,1	0,1	1,4	0,2	1,0	0,1	1,1	0,6	1,2	0,0	0,9	0,1	1,1	0,1	0,7	0,2	1,2	0,0	0,9	0,0	1,2	N.D.	1,0	0,1	0,8	N.D.
HP0861	hypothetical protein	1,5	0,2	1,1	0,2	1,5	0,0	1,0	0,2	1,2	0,5	1,1	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	1,4	0,4	1,3	0,2	1,2	0,3	0,8	0,2
HP0862	hypothetical protein	1,2	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,0	0,4	1,1	0,0	0,9	0,1	1,2	0,1	0,8	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,3	0,0	0,9	0,1	0,6	0,1
HP0863	hypothetical protein	0,9	0,1	1,0	0,1	0,8	N.D.	1,1	0,2	1,0	0,2	1,1	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	0,7	0,1	1,3	0,0	0,8	0,1	1,0	N.D.	0,7	0,1	0,7	0,0
HP0864	hypothetical protein	1,0	0,2	1,1	0,3	1,3	0,2	1,0	0,2	0,9	0,1	0,7	0,0	0,8	0,2	1,0	0,0	0,9	0,0	1,3	0,1	1,1	0,2	1,3	N.D.	1,3	0,0	1,3	0,2
HP0865	deoxyuridine 5'-triphosphate nucleotidohydrolase	0,9	0,2	0,6	0,4	1,0	0,0	0,7	0,4	0,9	0,2	0,9	0,0	0,9	0,2	1,0	0,0	1,0	0,0	0,8	0,0	0,9	0,1	0,9	0,2	1,3	0,3	1,2	0,3
HP0866	transcription elongation factor GreA	1,3	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,0	1,3	0,1	1,2	0,2
HP0867	lipid A disaccharide synthetase	1,0	0,2	1,0	0,0	1,0	0,0	1,0	0,1	1,3	0,2	1,2	0,1	1,3	0,3	1,5	0,0	1,6	0,2	1,5	0,0	1,9	1,0	1,1	N.D.	0,7	0,1	1,7	0,3
HP0868	Hypothetical protein	1,4	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,6	0,3	1,5	0,3	1,9	0,5	1,8	0,1	2,4	0,3	1,1	0,1	1,4	0,1	1,2	N.D.	0,5	N.D.	1,2	0,1
HP0869	Hydrogenase expression/formation protein (*hypA*)	1,5	0,2	1,2	0,2	1,2	0,1	0,9	0,2	2,0	0,3	1,6	0,1	2,8	0,4	1,7	0,0	2,5	0,2	1,7	0,0	1,4	0,1	1,8	0,3	0,4	0,2	5,0	0,8
HP0870	Flagellar hook protein1 (*flgE1*)	0,9	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	0,8	0,1	2,1	0,5	1,7	0,1	2,8	0,3	1,9	0,1	1,8	0,4	1,5	0,1	2,3	0,6	2,2	0,2	0,4	0,1	4,5	1,1
HP0871	CDP-diglyceride hydrolase	1,6	0,2	0,9	0,1	1,5	0,2	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,5	0,0	0,8	0,1	1,0	0,1	1,1	0,4	0,9	0,0	1,0	0,4	1,6	0,2	1,4	0,2	1,5	0,1
HP0872	alkylphosphonate uptake protein	1,3	N.D.	0,9	0,1	1,5	0,1	1,0	0,1	1,1	0,3	1,0	0,1	0,8	0,0	0,9	0,1	0,6	0,1	0,8	0,1	0,7	0,0	1,1	N.D.	1,1	0,1	0,8	N.D.
HP0873	hypothetical protein	1,7	0,1	0,8	0,1	1,8	0,0	0,8	0,1	1,4	0,4	0,9	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	0,6	0,1	0,9	0,1	0,7	0,1	1,2	N.D.	1,4	0,3	1,7	N.D.
HP0874	KapA protein	1,5	0,1	0,6	0,2	1,7	0,2	0,5	0,1	1,1	0,4	0,8	0,0	0,9	0,1	0,6	0,0	0,5	0,1	0,3	0,0	0,3	0,1	1,6	0,0	1,3	0,6	2,3	0,3
HP0875	catalase	1,1	0,0	0,6	0,2	1,2	0,0	0,5	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	0,9	0,2	0,5	0,0	0,5	0,1	0,9	0,1	0,5	0,1	1,5	0,2	1,8	0,7	2,9	0,1
HP0876	iron-regulated outer membrane protein	0,6	0,1	1,6	0,6	0,2	0,0	1,2	0,4	0,7	0,2	0,7	0,0	0,8	0,1	0,9	0,1	2,0	1,3	1,2	0,2	0,8	0,1	0,9	N.D.	2,0	0,3	0,8	0,3
HP0877	Holliday junction endodeoxyribonuclease	1,2	0,0	0,8	0,1	0,6	0,0	0,9	0,1	1,1	0,3	0,9	0,2	0,8	0,1	0,8	0,1	2,7	0,1	0,9	0,0	2,4	0,5	0,8	0,1	2,1	0,5	0,7	0,0
HP0878	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,1	0,0	0,9	0,1	0,9	0,2	1,1	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,4	0,3	1,6	0,1	1,1	0,1	1,2	N.D.	1,0	0,0	1,0	0,4
HP0879	hypothetical protein	1,1	0,0	0,8	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,4	0,4	2,0	0,2	0,8	0,1	1,1	0,3	1,7	0,5	2,4	0,4
HP0880	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,8	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,2	1,2	0,2	1,0	0,1	2,0	N.D.	1,1	0,1	1,0	0,2	1,1	N.D.	1,1	0,0	1,2	N.D.	1,3	0,3	1,3	N.D.
HP0882	no description available	N.D.	N.D.	1,5	0,2	N.D.	N.D.	1,2	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0883	Holliday junction DNA helicase	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,0	0,9	0,1	1,1	0,0	1,4	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1	1,2	N.D.	0,9	0,1	0,6	0,0
HP0884	hypothetical protein	0,8	0,1	0,9	0,3	1,2	N.D.	1,1	0,1	1,0	0,2	1,3	0,5	1,0	0,1	1,0	0,0	1,0	0,2	1,0	0,0	1,1	0,4	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1
HP0885	virulence factor mviN protein	N.D.	N.D.	1,0	0,0	1,2	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,2	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	1,0	0,0	1,2	0,1	1,0	0,0	0,9	0,0	1,0	N.D.	1,2	0,0	0,6	N.D.
HP0886	no description available	0,8	0,0	0,9	0,2	0,7	0,1	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,1	N.D.	1,0	0,0	1,1	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	0,7	N.D.	0,9	0,1	2,5	N.D.
HP0887	no description available	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0888	iron(III) dicitrate ABC transporter, ATP-binding protein	1,0	0,2	1,2	0,2	1,2	N.D.	1,2	0,1	1,2	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,0	1,1	0,2	0,9	0,1	1,1	0,3	1,0	0,0	1,0	0,1	1,2	0,1
HP0889	iron(III) dicitrate ABC transporter, permease protein	0,9	0,0	1,1	0,2	0,9	0,1	1,3	0,1	1,1	0,2	1,2	0,1	0,9	0,2	1,1	0,0	1,2	0,1	1,0	0,1	1,3	0,3	1,1	0,2	1,1	0,2	1,2	0,2
HP0890	conserved hypothetical protein	1,0	N.D.	1,0	0,1	1,1	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,2	1,1	0,3	1,0	0,0	0,8	0,1	1,2	0,2	0,7	0,1	0,9	0,1	1,0	N.D.	1,2	0,3	0,9	N.D.
HP0891	conserved hypothetical protein	1,8	0,1	0,9	0,2	1,5	0,1	0,9	0,1	0,8	0,2	1,1	0,0	1,3	0,0	0,8	0,1	1,9	0,8	1,7	0,1	0,7	0,2	1,1	0,2	2,2	0,9	3,2	0,3
HP0892	conserved hypothetical protein	1,4	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,0	1,0	N.D.	0,9	0,1	1,1	0,3	1,4	0,0	0,8	0,1	1,2	N.D.	1,3	0,2	0,8	N.D.
HP0893	hypothetical protein	1,3	0,1	0,5	0,3	1,5	0,3	0,9	0,3	1,1	0,2	1,1	0,1	0,8	N.D.	0,7	0,1	0,6	0,0	1,0	0,1	0,5	0,0	1,2	N.D.	1,0	0,2	1,4	N.D.
HP0894	conserved hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,8	0,2	1,8	0,1	0,9	0,2	1,2	0,5	1,1	0,2	1,0	N.D.	0,8	0,1	1,2	0,0	1,2	0,2	1,0	0,0	1,2	N.D.	1,7	0,2	0,9	N.D.
HP0895	hypothetical protein	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,5	N.D.	0,8	0,2	0,8	N.D.	0,8	0,0	N.D.	N.D.	1,4	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	N.D.
HP0896	outer membrane protein	1,0	0,0	0,9	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	0,8	0,2	1,1	0,3	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,8	0,0	1,0	0,1	1,2	0,4	1,1	0,1
HP0897	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,3	0,9	0,1	0,9	N.D.	1,0	0,3	1,1	0,1	1,1	0,0	1,1	0,1	1,1	N.D.	1,0	0,0	1,1	N.D.
HP0898	hydrogenase expression/formation protein	1,1	0,0	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	0,9	0,4	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	1,3	0,3	1,5	0,1	1,4	0,4	1,0	0,0	1,6	0,4	1,5	0,3
HP0899	hydrogenase expression/formation protein	1,4	0,0	1,0	0,2	1,3	0,1	1,3	0,1	1,0	0,3	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,6	0,4	1,6	0,2	1,3	0,2	1,0	0,0	2,0	0,4	1,5	0,4
HP0900	hydrogenase expression/formation protein	1,1	0,1	1,0	0,3	0,9	0,1	1,0	0,3	0,9	0,2	1,3	0,0	1,0	0,0	0,8	0,1	1,7	0,2	1,3	0,1	1,3	0,4	1,0	0,1	2,1	0,3	2,0	0,3
HP0901	hypothetical protein	0,7	N.D.	1,4	0,3	0,9	N.D.	1,4	0,3	0,7	0,2	2,0	0,3	1,2	0,2	1,0	0,0	1,3	0,6	1,5	0,3	0,9	0,0	1,0	N.D.	0,8	0,1	0,8	N.D.
HP0902	hypothetical protein	0,8	N.D.	1,1	0,3	1,1	N.D.	1,3	0,3	1,1	0,3	1,7	0,1	0,9	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,0	1,0	0,0	0,9	0,1	1,5	0,1	1,0	0,1	0,8	N.D.
HP0903	acetate kinase, authentic frameshift	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	0,1	0,8	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,0	1,0	N.D.	1,1	0,2	0,8	N.D.
HP0904	no description available	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	1,0	N.D.	1,2	0,4	1,1	0,0	0,7	N.D.	0,9	0,0	1,1	N.D.	1,0	0,2	1,2	N.D.
HP0905	phosphotransacetylase, degenerate	N.D.	N.D.	1,2	0,4	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,0	1,0	N.D.	1,2	0,1	1,1	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,0	1,2	N.D.	1,1	0,1	1,1	N.D.
HP0906	Hypothetical protein (operon with *flgD/E2*)	N.D.	N.D.	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,5	0,4	2,0	0,2	2,3	N.D.	1,5	0,1	1,9	0,2	1,2	0,1	1,3	0,0	1,3	N.D.	0,7	0,1	N.D.	N.D.
HP0907	Hook assembly protein (*flgD*)	1,0	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,2	0,2	1,5	0,3	2,2	0,7	1,4	0,1	1,1	0,0	0,7	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	0,6	0,5	1,6	0,3
HP0908	Flagellar hook protein homolog (*flgE2*)	0,8	0,0	0,8	0,2	0,8	0,1	1,2	0,4	1,4	0,3	1,1	N.D.	1,3	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	N.D.	1,3	0,5	0,8	N.D.
HP0909	hypothetical protein	1,6	0,0	0,9	0,1	1,1	0,1	1,2	0,4	1,0	0,2	1,1	0,3	1,2	0,2	1,3	0,1	1,3	0,2	1,4	0,0	1,2	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,3	0,3
HP0910	adenine specific DNA methyltransferase	1,4	0,2	0,9	0,1	1,2	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,7	0,2	1,3	0,0	1,1	0,1	0,9	N.D.	1,9	0,4	1,5	N.D.
HP0911	rep helicase, single-stranded DNA-dependent ATPase	1,4	0,2	1,0	0,2	1,4	0,0	1,1	0,1	1,0	0,3	1,0	0,2	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,3	0,2	1,3	0,3	1,1	N.D.	1,2	0,2	1,1	0,2
HP0912	outer membrane protein	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	0,8	0,3	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	0,7	0,0	0,8	0,2	1,0	0,0	0,5	0,0	1,2	N.D.	1,2	0,2	1,1	N.D.
HP0913	outer membrane protein	1,1	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,8	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	1,1	0,4	1,3	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	1,2	0,4	1,6	0,9
HP0914	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0915	no description available	N.D.	N.D.	0,9	0,3	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0916	iron-regulated outer membrane protein	1,2	0,1	1,3	0,4	1,0	0,0	1,3	0,1	1,1	0,3	1,2	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,2	0,2	1,0	0,0	0,8	0,0	0,7	0,1	1,2	0,0	0,6	0,2
HP0918	hypothetical protein	1,0	0,1	1,0	0,3	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,3	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,0	0,8	0,2	1,2	0,1	1,3	0,5	0,9	0,0	1,5	0,2	1,0	0,1
HP0919	carbamoyl-phosphate synthase (glutamine-hydrolysing)	0,7	0,1	1,2	0,4	0,8	N.D.	1,0	0,2	0,9	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	0,6	0,0	1,1	0,0	1,1	0,3	0,9	0,1	1,0	0,1	1,4	N.D.
HP0920	conserved hypothetical integral membrane protein	1,1	0,2	0,9	0,2	1,2	N.D.	0,9	0,2	1,0	0,2	1,0	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	0,8	0,0	0,9	0,1	1,1	0,0	1,0	0,2	1,3	0,2
HP0921	glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase	N.D.	N.D.	0,8	0,2	0,8	N.D.	0,8	0,2	1,1	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	1,0	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.
HP0922	toxin-like outer membrane protein	1,0	N.D.	1,2	0,1	1,1	0,0	1,1	0,3	0,9	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	1,2	0,0	1,2	0,0	1,0	0,1	1,0	0,0	1,1	N.D.	0,8	0,0	0,8	0,1
HP0923	outer membrane protein	1,3	N.D.	1,2	0,2	0,7	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	1,2	0,0	1,4	0,1	1,0	0,1	1,1	0,0	1,2	0,1	1,0	0,0	1,2	N.D.
HP0924	4-oxalocrotonate tautomerase	1,2	0,3	1,0	0,1	0,8	0,1	1,0	0,2	0,8	0,2	1,0	0,1	1,5	0,4	0,9	0,1	1,5	0,7	0,8	0,1	1,2	0,5	1,0	0,1	1,5	0,4	1,7	0,5
HP0925	recombinational DNA repair protein	1,1	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	0,9	0,2	0,9	0,2	1,2	0,0	1,0	0,1	1,1	0,0	1,0	0,0	1,1	N.D.	0,9	0,0	0,8	0,2
HP0926	conserved hypothetical protein	1,0	0,0	1,0	0,0	1,2	0,0	1,0	0,1	1,0	0,3	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	1,3	0,3	1,0	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,1
HP0927	heat shock protein	1,6	0,2	0,9	0,1	1,6	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,0	1,2	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	0,8	0,2	1,5	0,4	1,3	0,5	1,5	0,2
HP0928	GTP cyclohydrolase I	1,4	N.D.	1,2	0,1	1,4	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	1,0	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	0,8	0,0	1,0	0,0	1,2	0,1	1,2	N.D.	1,0	0,1	1,5	0,3
HP0929	geranyltranstransferase	1,7	0,2	1,1	0,1	1,4	0,1	1,0	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	1,1	0,4	0,9	0,2
HP0930	stationary-phase survival protein	1,5	0,0	1,0	0,1	1,3	0,0	1,0	0,1	1,2	0,3	1,1	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,4	0,1	0,7	0,3	0,6	0,1
HP0931	hypothetical protein	1,0	0,1	1,0	0,1	1,4	0,0	0,9	0,1	1,1	0,4	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,3	0,1	1,0	0,0	1,2	N.D.	0,8	0,2	0,7	0,2
HP0932	hypothetical protein	1,3	0,1	1,2	0,3	1,3	0,0	1,1	0,1	1,3	0,9	1,2	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	1,2	0,2	1,2	0,0	1,3	0,1	1,1	0,1	1,0	0,4	0,6	0,1
HP0933	hypothetical protein	1,0	0,1	1,2	0,3	1,2	0,0	1,0	0,1	1,1	0,4	1,0	0,0	0,7	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,0	1,1	0,0	1,1	0,1	1,0	N.D.	1,1	0,0	1,0	N.D.
HP0934	conserved hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,0	0,0	0,8	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,4	N.D.
HP0935	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,2	0,8	0,1	0,9	0,3	1,1	0,3	0,8	0,2	0,9	N.D.	1,1	0,1	1,0	0,0	0,7	0,0	1,0	0,1	1,1	N.D.	1,1	0,1	1,0	N.D.
HP0936	proline/betaine transporter	0,9	0,2	1,1	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,0	1,1	0,2	1,1	0,0	1,0	0,1	1,2	0,2	0,9	0,0	1,0	N.D.	2,9	6,5	1,1	N.D.
HP0937	hypothetical protein	2,2	N.D.	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	0,8	0,3	0,8	0,1	1,4	0,2	1,1	0,1	1,9	0,1	0,9	0,0	1,4	0,3	0,8	N.D.	1,6	0,1	1,4	0,4
HP0938	hypothetical protein	0,8	0,2	0,9	0,3	0,9	0,0	0,7	0,3	0,8	0,2	0,8	0,1	1,4	0,2	1,1	0,1	1,7	0,5	1,7	0,7	1,6	0,3	0,7	N.D.	1,5	N.D.	1,5	0,5
HP0939	amino acid ABC transporter, permease protein	0,9	N.D.	1,1	0,1	0,7	N.D.	1,0	0,4	1,0	0,3	0,8	0,1	0,9	N.D.	1,3	0,0	1,0	0,1	3,2	0,8	1,1	0,0	1,0	N.D.	0,8	0,4	1,0	0,1
HP0940	amino acid ABC transporter, periplasmic binding protein	1,0	0,2	1,2	0,4	0,8	0,0	1,1	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	1,3	0,1	1,7	0,1	0,9	0,0	2,5	0,4	1,0	0,1	1,2	0,4	0,8	0,2
HP0941	no description available	0,7	0,0	1,1	0,2	0,7	0,1	0,9	0,1	1,3	0,6	0,9	0,1	1,1	0,3	1,1	0,0	1,0	0,4	0,5	0,1	0,8	0,0	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1
HP0942	D-alanine glycine permease	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	0,9	0,2	1,2	0,4	0,9	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	0,8	0,4	0,8	0,1	1,6	0,7	1,1	0,0	1,0	0,2	1,5	0,8
HP0943	D-amino acid dehydrogenase	0,9	0,2	0,9	0,1	1,3	0,2	1,0	0,1	1,2	0,4	0,8	0,0	1,1	0,2	1,0	0,1	0,8	0,1	1,0	0,0	1,0	0,3	1,0	0,0	1,2	0,4	1,3	0,3
HP0944	conserved hypothetical protein	1,3	0,0	0,8	0,2	1,5	0,0	1,0	0,1	2,0	1,2	0,8	0,2	1,2	0,3	1,1	0,1	0,8	0,3	1,2	0,1	1,1	0,4	1,2	0,0	1,2	0,4	1,5	0,5
HP0945	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,3	0,4	0,9	0,2	1,0	N.D.	0,9	0,1	1,1	0,0	1,7	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	1,2	N.D.	0,8	N.D.
HP0946	conserved hypothetical integral membrane protein	1,5	0,1	0,9	0,1	1,8	N.D.	1,0	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	0,8	N.D.	1,1	0,1	0,8	0,2	1,1	0,1	0,7	0,0	0,8	N.D.	1,0	0,0	0,8	0,2
HP0947	hypothetical protein	2,2	0,1	1,0	0,2	2,0	0,0	1,2	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	1,1	0,1	1,3	0,2	0,9	0,2	1,0	0,2	0,9	0,2	0,5	0,1
HP0948	hypothetical protein	1,4	0,2	1,1	0,3	1,3	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	1,2	0,0	1,1	0,2	1,1	0,1	0,8	0,1	0,6	0,0	0,8	0,1	1,2	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1
HP0949	conserved hypothetical secreted protein	1,3	0,0	1,1	0,1	1,5	N.D.	1,3	0,1	1,1	0,3	0,9	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,2	0,2	1,1	N.D.	0,7	0,1	0,7	0,1
HP0950	acetyl-CoA carboxylase beta subunit	1,4	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,1	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	0,7	0,1	1,2	0,2	0,8	0,1	0,9	0,3	0,8	0,1
HP0951	hypothetical protein	1,1	0,2	0,9	0,1	0,8	0,0	0,8	0,2	1,0	0,3	1,1	0,0	1,0	0,1	1,2	0,1	1,5	0,2	1,2	0,1	1,1	0,1	1,0	N.D.	1,4	0,5	0,9	0,2
HP0952	conserved hypothetical integral membrane protein	N.D.	N.D.	0,9	0,2	0,8	N.D.	0,9	0,2	0,9	0,3	1,1	0,0	1,0	0,1	1,1	0,1	1,4	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	0,7	0,1	1,0	0,2	1,3	N.D.
HP0953	hypothetical protein	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,3	1,0	0,0	1,0	0,1	1,0	0,0	1,6	0,4	1,0	0,1	1,3	0,3	0,9	0,0	1,2	0,1	1,3	0,1
HP0954	oxygen-insensitive NAD(P)H nitroreductase	0,7	0,0	1,2	0,2	0,7	0,2	1,2	0,1	0,9	0,3	1,2	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	2,1	0,2	0,9	0,0	N.D.	N.D.	1,1	0,1	2,2	0,9	0,5	0,1
HP0955	prolipoprotein diacylglyceryl transferase	0,7	0,1	1,1	0,3	0,7	0,1	1,0	0,2	0,8	0,2	1,0	0,0	0,9	0,2	1,2	0,1	0,9	0,4	1,3	0,0	1,2	0,2	1,5	0,2	1,0	0,2	0,7	0,1
HP0956	conserved hypothetical protein	0,7	0,0	1,3	0,3	0,7	0,1	1,1	0,1	0,8	0,2	0,8	0,0	0,9	0,1	1,2	0,0	0,7	0,1	1,1	0,0	0,9	0,1	1,1	0,1	0,8	0,0	0,7	0,1
HP0957	3-deoxy-d-manno-octulosonic-acid transferase	0,8	0,2	0,9	0,1	1,1	N.D.	1,0	0,1	0,9	0,1	0,7	0,0	1,0	0,1	1,2	0,0	0,8	0,0	1,2	0,0	1,2	0,1	0,8	N.D.	0,9	0,2	0,6	0,1
HP0958	hypothetical protein	1,1	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	0,8	0,2	1,0	0,2	1,1	0,0	0,9	0,2	0,8	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	1,0	0,1
HP0959	conserved hypothetical protein	1,1	0,1	0,9	0,1	1,4	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	0,9	0,2	0,9	0,0	0,8	0,1	0,7	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1
HP0960	glycyl-tRNA synthetase, alpha subunit	1,2	0,2	0,9	0,1	1,4	0,1	0,9	0,0	0,8	0,2	0,9	0,0	0,9	0,2	1,0	0,0	0,7	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,3	0,7	0,0
HP0961	glycerol-3-phosphate dehydrogenase, NAD(P)+ dependent	1,5	0,1	0,9	0,1	1,6	0,0	1,1	0,2	0,9	0,2	1,1	0,3	0,8	0,2	0,8	0,0	0,7	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,2	0,1	1,0	0,4	0,6	0,2
HP0962	acyl carrier protein	0,8	0,0	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,2	1,0	N.D.	1,2	0,0	0,9	0,2	0,9	0,4	1,0	0,0	0,8	0,0	N.D.	N.D.	0,8	0,1	1,0	0,1
HP0963	hypothetical protein	1,2	0,2	1,0	0,3	1,0	0,2	1,1	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,6	0,3	1,0	0,1	0,9	N.D.	1,0	0,1	1,2	N.D.
HP0964	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	1,5	0,0	1,5	0,5	0,9	0,1	1,0	0,3	1,3	0,2	1,0	0,2	1,2	N.D.	1,0	0,1	0,7	0,1
HP0965	hypothetical protein	1,4	0,3	0,8	0,2	1,2	0,2	0,9	0,2	1,0	0,2	1,4	0,0	1,1	0,1	1,2	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,0	0,3
HP0966	conserved hypothetical protein	4,1	N.D.	1,2	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,3	0,2	0,9	0,0	1,2	0,1	1,5	N.D.	1,1	0,3	1,5	N.D.
HP0967	virulence associated protein D	1,1	0,2	1,0	0,0	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,3	1,1	0,0	1,1	0,3	1,3	0,1	1,8	0,6	1,1	0,0	1,4	0,3	1,2	0,2	1,3	0,2	1,0	0,2
HP0968	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,2	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,2	0,2	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	1,0	0,1	0,9	N.D.	1,3	0,0	1,0	0,1	1,2	N.D.	1,1	0,2	1,5	N.D.
HP0969	cation efflux system protein	0,9	N.D.	1,0	0,1	1,3	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	1,3	0,6	1,1	0,1	0,8	0,1	1,3	0,0	1,1	0,3	1,0	N.D.	1,1	0,3	0,9	N.D.
HP0970	nickel-cobalt-cadmium resistance protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,2	0,2	1,1	0,2	1,1	0,2	1,2	0,1	1,0	0,1	0,6	0,0	1,0	0,1	1,5	0,4	0,9	0,0	1,0	N.D.
HP0971	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,2	0,1	1,6	0,1	1,2	0,2	1,4	0,2	1,2	0,1	1,2	N.D.	1,1	0,2	0,7	0,0
HP0972	glycyl-tRNA synthetase, beta subunit	1,1	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	1,1	0,2	1,0	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,2	0,1	1,0	0,0	1,1	N.D.	1,0	0,0	0,7	N.D.
HP0973	hypothetical protein	1,1	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,4	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	0,8	0,1	0,6	0,0	1,3	0,2	1,0	0,2	1,3	0,5
HP0974	phosphoglycerate mutase	0,9	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	1,2	0,0	1,0	0,1	1,0	0,0	1,2	0,1	1,1	0,1	0,8	0,3	0,5	0,1
HP0975	Glu-tRNA(Gln) amidotransferase, subunit C	0,6	0,1	1,3	0,1	0,7	0,0	1,0	0,2	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,4	0,3	1,3	0,1	0,9	0,2
HP0976	adenosylmethionine-8-amino-7-oxononanoate aminotransferase	0,8	0,1	0,8	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	1,0	0,0	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,0	0,8	0,0	0,9	N.D.	0,8	0,0	1,1	0,2
HP0977	conserved hypothetical secreted protein	1,4	0,0	1,0	0,2	1,5	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,0	0,3	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	N.D.	1,0	0,1	0,9	0,0
HP0978	cell division protein (ftsA) protein	1,2	0,2	1,0	0,1	1,2	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,7	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	0,6	0,1	0,8	0,1
HP0979	cell divison protein	1,3	0,1	0,9	0,1	1,4	0,0	1,0	0,1	1,1	0,4	1,0	0,2	0,9	0,2	0,8	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	0,7	0,1	0,6	0,1
HP0980	conserved hypothetical secreted protein	N.D.	N.D.	1,2	0,2	N.D.	N.D.	1,2	0,2	1,0	0,4	1,1	N.D.	1,0	N.D.	1,2	0,0	0,8	0,1	0,7	0,1	1,3	0,1	1,2	N.D.	1,1	0,3	1,4	N.D.
HP0981	exonuclease VII-like protein	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	0,7	0,3	1,2	0,8	0,8	0,2	0,9	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	0,8	0,0	1,4	0,4	1,1	N.D.	1,1	0,2	0,7	N.D.
HP0982	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,3	N.D.	N.D.	0,8	0,0	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	N.D.	N.D.	0,6	0,1	1,0	0,2	0,8	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	N.D.
HP0983	conserved hypothetical integral membrane protein	1,5	0,3	0,9	0,1	1,3	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	1,5	0,1	1,1	0,2	0,7	0,0	1,4	0,4	0,9	0,0	0,7	0,1	1,2	0,1	1,4	0,3	2,0	0,2
HP0985	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0986	no description available	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,3	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0987	hypothetical protein	1,0	N.D.	0,8	0,2	N.D.	N.D.	0,8	0,2	1,2	0,2	N.D.	N.D.	1,1	N.D.	1,0	0,1	1,0	N.D.	1,1	0,2	1,4	0,0	0,9	N.D.	1,3	0,1	0,8	N.D.
HP0988	IS605 transposase	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	0,1	0,9	N.D.	0,9	0,1	1,1	0,1	1,1	0,0	1,0	0,1	1,1	N.D.	1,0	0,0	1,2	N.D.
HP0989	IS605 transposase	1,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,1	0,1	2,5	N.D.	0,8	0,1	0,9	0,0	1,4	0,2	1,0	0,3	1,2	0,4	2,0	1,1	N.D.	N.D.
HP0990	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,4	0,9	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	2,4	0,1	1,2	0,2	1,2	0,1	1,0	0,4	1,3	0,1
HP0991	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,5	0,1	1,0	0,1	0,9	0,3	0,7	0,0	1,2	0,3	1,1	0,1	0,9	0,1	1,6	0,1	0,8	0,0	0,8	N.D.	0,8	0,0	1,2	0,0
HP0992	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,8	0,0	1,2	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	1,0	N.D.	1,0	0,2	0,9	0,1	1,4	0,4	0,9	0,0	1,0	N.D.	0,9	0,2	1,0	N.D.
HP0993	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,1	N.D.	1,1	0,0	1,1	0,2	0,9	0,1	1,3	0,2	1,0	0,1	0,9	0,3	1,8	0,3	0,8	0,0	1,2	0,2	0,6	0,1	1,0	0,3

HP0994	hypothetical protein	1,5	0,1	1,2	0,2	1,2	0,2	1,1	0,0	0,9	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	1,5	0,2	1,3	0,2	1,0	0,0	1,5	0,0	1,0	N.D.	1,0	0,0	1,6	0,6
HP0995	integrase/recombinase	N.D.	N.D.	1,0	0,1	0,9	N.D.	1,1	0,2	1,1	0,4	1,2	0,3	1,2	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,4	0,1	1,6	N.D.	1,2	0,1	1,2	0,2
HP0996	no description available	N.D.	N.D.	0,7	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP0997	IS605 transposase	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,0	1,1	N.D.	1,1	N.D.	1,0	N.D.	0,6	N.D.
HP0998	IS605 transposase	0,8	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	0,0	1,1	N.D.	0,9	N.D.	0,7	N.D.	1,2	0,2	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	1,0	0,0	1,0	N.D.
HP0999	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,1	0,1	0,7	0,1	1,1	0,2	0,7	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	1,3	0,2	1,7	0,4	1,2	0,0	1,8	0,5	0,7	N.D.	1,2	0,2	1,1	0,3
HP1000	PARA protein	N.D.	N.D.	0,7	0,4	0,9	N.D.	0,8	0,4	1,2	0,2	0,9	N.D.	1,6	N.D.	1,2	0,1	1,6	N.D.	1,2	0,1	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,3	0,2	N.D.	N.D.
HP1001	hypothetical protein	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,2	0,3	1,3	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	0,9	N.D.	0,8	0,2	1,1	0,0
HP1002	hypothetical protein	0,9	0,0	0,7	0,2	0,9	0,2	1,1	0,1	1,1	0,2	1,1	0,0	1,3	N.D.	1,1	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	1,1	N.D.	0,9	0,2	0,8	N.D.
HP1003	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	1,2	0,1	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	1,0	0,1	0,9	N.D.	1,2	0,2	1,3	N.D.
HP1004	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,8	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,3	0,9	N.D.	N.D.	N.D.	1,4	0,2	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,4	0,2	N.D.	N.D.	1,7	0,3	1,0	N.D.
HP1005	hypothetical protein	1,2	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,8	0,2	1,0	0,2	1,3	0,2	1,3	0,1	1,4	0,5	0,6	0,1	1,3	0,2	1,4	0,3	1,1	0,1	1,3	0,1
HP1006	conjugal transfer protein	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	1,2	N.D.	1,2	0,1	1,3	0,0	1,2	0,1	1,2	0,0	N.D.	N.D.	1,2	0,3	0,8	N.D.
HP1007	transposase-like protein, PS3IS, authentic frameshift	1,4	N.D.	N.D.	N.D.	1,3	N.D.	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,0	0,0	1,0	N.D.	1,2	0,1	1,5	N.D.	1,3	0,1	1,6	0,2	2,8	1,4	0,9	0,1	0,9	N.D.
HP1008	IS200 insertion sequence from SARA17	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,3	0,4	1,1	0,2	0,9	0,0	1,1	0,1	1,2	0,1	1,0	0,0	1,1	0,1	0,9	0,2	0,9	0,0	1,1	N.D.
HP1009	site-specific recombinase	N.D.	N.D.	1,4	0,3	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,0	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,2	0,0	0,9	0,0	1,2	N.D.	1,3	0,5	0,8	N.D.
HP1010	polyphosphate kinase	0,8	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1	1,2	N.D.	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,3	0,5	0,9	N.D.	1,0	0,1	0,9	N.D.
HP1011	dihydroorotate dehydrogenase	0,9	0,1	0,9	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,3	1,1	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	0,8	0,0	0,8	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	1,0	0,0	0,8	0,0
HP1012	protease	0,8	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	1,1	0,3	0,9	0,0	0,8	0,2	0,8	0,1
HP1013	dihydrodipicolinate synthetase	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,3	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	0,8	0,1	1,3	0,5	0,9	0,1	0,6	0,2	0,8	0,1
HP1014	7-alpha-hydroxysteroid dehydrogenase	1,0	0,2	1,0	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,3	1,1	0,1	1,0	0,3	0,9	0,0	1,3	0,4	1,0	0,0	0,9	0,4	0,8	0,2
HP1015	hypothetical protein	1,0	N.D.	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	0,8	0,0	0,9	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,1	0,0	1,1	0,1	1,2	N.D.	1,1	0,1	0,7	0,1
HP1016	phosphatidylglycerophosphate synthase	0,7	0,2	0,9	0,3	N.D.	N.D.	0,9	0,2	1,3	0,5	0,8	0,0	1,0	0,3	1,2	0,0	1,0	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,0	0,9	N.D.	1,2	0,1	0,7	0,1
HP1017	amino acid permease	0,8	0,1	0,8	0,1	0,7	0,0	0,8	0,1	1,0	0,2	0,7	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	0,7	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,0	N.D.	0,9	0,0	1,8	N.D.
HP1018	hypothetical protein	1,4	N.D.	1,0	0,1	0,9	0,0	1,1	0,0	1,2	0,4	1,1	0,1	1,2	0,3	0,8	0,0	1,6	0,1	N.D.	N.D.	1,4	0,1	0,6	N.D.	1,5	0,1	9,4	7,7
HP1019	serine protease	1,2	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	1,5	0,4	1,2	0,1	0,6	0,0	1,3	0,3	1,8	1,3	1,1	0,3	0,9	0,1	0,7	0,1	0,9	0,1
HP1020	conserved hypothetical protein	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	0,9	0,2	1,5	0,1	1,1	0,1	0,8	0,0	1,3	0,2	1,9	1,2	1,2	0,5	1,0	0,1	0,8	0,3	0,8	0,1
HP1021	response regulator	1,0	0,0	1,0	0,0	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	1,3	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	1,3	0,3	1,7	1,2	1,4	0,4	1,2	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1
HP1022	hypothetical protein	2,1	0,2	0,9	0,1	1,4	0,1	0,8	0,1	1,1	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	1,2	0,0	1,6	0,2	1,7	1,0	1,7	0,8	1,0	N.D.	1,3	0,0	1,1	0,1
HP1023	hypothetical protein	1,2	0,1	0,9	0,1	1,2	0,0	1,0	0,0	1,1	0,3	1,2	0,2	1,1	0,3	1,1	0,0	1,2	0,3	1,7	0,9	0,9	0,2	1,7	0,3	1,3	0,1	0,9	0,3
HP1024	co-chaperone-curved DNA binding protein A	0,8	0,1	0,6	0,3	0,8	0,1	0,8	0,4	4,1	3,5	1,5	0,2	1,1	0,2	0,8	0,0	0,4	0,1	1,6	1,0	0,3	0,1	1,5	0,4	1,6	1,0	1,3	0,2
HP1025	putative heat shock protein	0,6	0,0	0,8	0,2	0,9	0,0	0,7	0,2	3,0	2,4	0,8	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	0,6	0,1	1,5	1,0	0,6	0,2	1,4	0,1	1,6	0,3	1,1	0,0
HP1026	conserved hypothetical helicase-like protein	0,4	0,0	1,0	0,2	0,8	0,1	1,1	0,0	1,5	0,6	0,8	0,0	1,0	0,2	1,2	0,1	0,8	0,1	1,6	0,9	1,0	0,1	0,9	N.D.	1,2	0,1	0,9	0,2
HP1027	ferric uptake regulation protein	1,3	0,2	1,0	0,1	0,8	0,1	1,0	0,2	0,6	0,1	1,0	0,1	1,7	0,2	1,3	0,1	1,5	0,3	1,7	0,6	0,9	0,3	2,3	0,5	1,0	0,1	0,2	0,1
HP1028	Hypothetical protein	1,1	0,1	1,0	0,1	0,7	0,0	0,9	0,1	0,9	0,3	0,8	0,0	1,1	0,2	1,9	0,1	1,5	0,3	1,9	0,4	2,5	0,2	4,7	N.D.	0,5	0,1	0,8	N.D.
HP1029	Hypothetical protein	1,9	0,0	1,2	0,2	1,0	0,0	1,0	0,1	1,0	0,4	1,1	0,1	1,1	0,2	2,3	0,1	1,4	0,3	2,2	0,1	2,6	0,3	7,5	2,0	0,9	0,2	1,4	0,1
HP1030	FliY protein (*fliY*)	2,2	0,5	1,0	0,2	0,8	0,1	1,0	0,2	1,0	0,5	0,9	0,1	0,9	0,3	2,0	0,1	1,3	0,1	1,5	0,5	2,8	0,5	4,2	2,4	0,9	0,2	1,8	0,5
HP1031	flagellar motor switch protein putative C ring component (*fliM*)	1,3	0,2	1,6	0,5	0,8	0,1	1,1	0,1	1,1	0,4	1,0	0,0	0,9	0,1	1,7	0,1	1,2	0,1	1,4	0,5	2,9	1,0	2,1	0,4	1,0	0,1	1,3	0,4
HP1032	Alternative sigma factor sigma28 (*fliA*)	N.D.	N.D.	1,6	0,6	0,9	0,1	1,2	0,3	1,1	0,4	0,9	0,2	0,9	0,1	1,7	0,0	1,2	0,1	1,5	0,5	1,9	0,2	2,0	N.D.	0,9	0,2	1,5	N.D.
HP1033		1,2	0,1	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	1,6	0,1	1,2	0,2	1,4	0,5	1,6	0,1	1,4	N.D.	1,1	0,2	2,1	0,6
HP1034	[ATP-binding protein (*ylxH*)] (*flhG*)	1,1	0,0	1,1	0,2	0,8	0,1	1,0	0,2	1,0	0,4	1,0	0,1	0,8	0,1	2,4	0,3	1,2	0,2	1,7	0,3	6,0	2,1	15,0	6,7	1,0	0,3	2,2	0,6
HP1035	flagellar biosynthesis protein of unknown function (*flhF*)	1,4	0,1	1,6	0,3	1,0	0,0	0,9	0,1	0,9	0,2	1,2	0,1	0,8	0,1	1,5	0,1	1,4	0,1	1,6	0,3	1,7	0,4	2,6	0,6	1,4	0,2	2,0	0,3
HP1036	7, 8-dihydro-6-hydroxymethylpterin-pyrophosphokinase	1,7	0,2	1,3	0,2	1,5	0,1	0,8	0,1	0,9	0,2	1,2	0,0	1,0	0,1	0,8	0,1	1,2	0,2	1,6	0,4	1,1	0,0	0,9	0,0	1,2	0,2	2,1	0,4
HP1037	conserved hypothetical protein	2,1	0,1	1,0	0,1	1,9	0,0	0,9	0,0	1,0	0,4	1,2	0,1	1,1	0,0	0,7	0,0	1,1	0,2	1,5	0,4	0,8	0,0	1,0	0,1	0,9	0,3	1,4	0,0
HP1038	3-dehydroquinase type II	2,1	0,3	0,8	0,2	1,6	0,2	0,8	0,1	1,1	0,6	1,3	0,2	1,1	0,1	0,7	0,0	1,1	0,1	1,4	0,4	0,6	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	1,4	0,1
HP1039	no description available	N.D.	N.D.	0,8	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,1	0,2	1,0	N.D.	0,8	N.D.	0,9	0,0	1,1	0,1	2,0	0,1	1,2	0,2	1,2	N.D.	1,0	0,1	0,6	N.D.
HP1040	ribosomal protein S15	1,3	0,1	1,1	0,2	1,5	0,1	0,9	0,1	1,2	0,3	1,1	0,3	1,1	0,2	0,9	0,1	1,4	0,3	1,3	0,4	0,7	0,1	1,2	N.D.	1,1	0,6	0,8	0,2
HP1041	flagellar basal body protein involved in export (*flhA*)	1,7	0,1	0,9	0,1	1,4	0,0	0,9	0,1	1,4	0,3	0,8	0,0	1,0	0,3	1,1	0,1	0,8	0,2	1,2	0,5	1,0	0,1	0,9	N.D.	0,8	0,1	0,8	N.D.
HP1042	hypothetical protein	1,0	0,1	1,3	0,2	0,9	0,1	1,1	0,2	1,3	0,2	1,2	0,0	1,8	0,4	1,3	0,1	4,0	0,7	1,7	0,1	0,9	0,0	1,6	0,2	0,5	0,3	1,1	0,1
HP1043	response regulator	0,9	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	1,2	0,2	1,0	0,3	0,9	0,0	1,1	0,2	1,0	0,1	1,7	0,5	1,3	0,4	0,8	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,2
HP1044	no description available	1,2	0,1	0,8	0,2	1,1	0,2	0,8	0,3	1,1	0,3	1,0	0,0	1,0	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,2	0,4	1,1	0,3	1,1	0,1	2,2	0,7	3,0	0,5
HP1045	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP1046	conserved hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,2	1,3	0,3	0,9	0,2	0,9	0,2	1,3	0,0	1,0	0,2	1,7	0,1	1,2	0,0	1,2	0,0	1,0	0,2	0,9	N.D.
HP1047	ribosome-binding factor A	N.D.	N.D.	0,9	0,0	0,8	0,1	1,0	0,1	1,1	0,3	1,0	0,0	0,9	0,1	1,3	0,1	0,8	0,1	1,4	0,3	1,1	0,0	1,2	0,1	0,9	0,2	0,7	N.D.
HP1048	translation initiation factor IF-2	0,6	0,2	1,2	0,2	0,7	0,0	1,1	0,1	0,8	0,3	0,8	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,2	0,4	1,5	0,5	1,2	N.D.	0,9	0,1	0,7	0,1
HP1049	conserved hypothetical protein	0,7	0,0	1,3	0,2	0,8	0,1	1,3	0,2	0,9	0,4	0,7	0,0	0,8	0,2	1,3	0,1	1,1	0,1	1,2	0,4	1,3	0,1	0,9	0,1	1,3	0,3	0,7	0,0
HP1050	homoserine kinase	0,9	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	0,8	0,2	1,1	0,0	1,3	0,2	1,5	0,2	1,9	0,5	0,9	0,0	1,3	0,2	0,8	0,1
HP1051	Hypothetical protein (operon with *envA*)	2,5	0,0	2,2	0,5	0,5	0,1	0,5	0,1	0,9	0,2	0,6	0,1	0,8	0,1	1,4	0,1	2,0	0,4	2,6	0,6	1,9	0,2	2,2	0,3	0,5	0,1	0,8	0,2
HP1052	UDP-3-0-acyl N-acetylglycosamine deacetylase (*envA*)	7,3	0,6	2,7	0,4	0,7	0,0	0,3	0,1	0,9	0,3	0,8	0,1	0,8	0,2	1,2	0,1	3,4	1,1	2,2	0,4	2,0	1,0	4,4	0,8	0,5	0,2	0,7	0,1
HP1053	hypothetical protein	1,3	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	0,9	0,3	1,2	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	1,3	0,3	1,0	0,0	1,5	N.D.	1,0	0,1	1,3	0,2
HP1054	hypothetical protein	1,6	0,3	1,2	0,1	1,4	0,0	1,2	0,1	1,1	0,4	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,3	0,3	1,0	0,0	1,2	N.D.	1,0	0,2	1,1	N.D.
HP1055	hypothetical protein	1,8	0,4	1,0	0,1	1,2	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,3	0,3	0,8	0,0	1,0	N.D.	1,0	0,1	1,4	N.D.
HP1056	hypothetical protein	0,9	0,0	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	1,3	0,8	0,6	0,0	0,9	0,1	1,3	0,1	0,7	0,0	1,0	0,5	1,6	0,3	1,1	0,0	0,8	0,3	0,6	0,0
HP1057	hypothetical protein	1,5	0,2	1,3	0,2	0,9	0,1	1,1	0,3	1,1	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,2	0,3	0,9	0,1	1,5	N.D.	1,0	0,2	1,0	0,2
HP1058	3-methyl-2-oxobutanoate hydroxymethyltransferase	1,8	0,2	0,9	0,1	1,1	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,1	0,1	1,1	0,0	1,1	0,1	1,0	0,5	1,0	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,2	0,0
HP1059	Holliday junction DNA helicase	1,5	0,3	1,0	0,1	1,4	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	0,9	0,1	1,1	0,0	0,8	0,0	1,1	0,4	1,4	0,2	0,8	0,0	0,7	0,1	0,7	0,1
HP1060	hypothetical protein	1,0	0,1	1,3	0,1	1,0	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	1,0	0,1	1,4	0,1	1,4	0,2	1,2	0,4	1,4	0,1	0,9	N.D.	1,4	0,5	1,1	0,2
HP1061	conserved hypothetical integral membrane protein	1,0	0,1	1,2	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	0,9	0,0	0,9	0,2	1,2	0,1	1,1	0,1	1,1	0,4	1,4	0,3	1,0	0,0	1,1	0,2	0,6	0,1
HP1062	S-adenosylmethionine:tRNA ribosyltransferase-isomerase	N.D.	N.D.	0,8	0,3	N.D.	N.D.	0,9	0,3	1,1	0,2	0,9	0,0	1,4	N.D.	1,4	0,1	1,2	0,2	1,2	0,4	1,3	0,0	1,3	N.D.	1,3	0,4	1,4	N.D.
HP1063	glucose-inhibited division protein	N.D.	N.D.	1,1	0,2	1,1	0,2	1,0	0,3	1,1	0,4	1,0	0,0	N.D.	N.D.	1,3	0,1	1,2	0,0	1,1	0,4	1,5	0,0	1,7	N.D.	1,6	0,8	N.D.	N.D.
HP1064	hypothetical protein	0,6	0,0	0,9	0,2	0,9	N.D.	0,9	0,2	0,9	0,4	1,1	0,0	0,8	0,2	0,9	0,1	1,0	0,0	1,3	0,2	0,9	0,1	1,1	N.D.	0,9	0,3	1,0	0,0
HP1065	hypothetical protein	0,7	0,0	1,2	0,6	0,8	0,2	1,7	0,9	0,9	0,5	1,2	0,1	1,1	0,2	1,2	0,1	1,7	0,1	1,1	0,4	1,0	0,0	1,4	N.D.	1,4	0,4	0,8	N.D.
HP1066	conserved hypothetical protein	0,8	0,1	1,0	0,1	1,4	0,3	1,1	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	0,8	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	1,3	0,2	1,4	0,2	0,9	0,0	1,2	0,2	1,0	0,2
HP1067	chemotaxis effector protein - link to basal body motor (*cheY*)	1,2	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,4	0,9	0,1	0,7	0,2	0,9	0,0	0,8	0,1
HP1068	ribosomal protein L11 methyltransferase	1,7	0,2	1,1	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1	0,8	0,3	1,1	0,1	1,3	0,2	0,9	0,5	1,5	0,2	1,6	0,1	0,8	0,1	0,7	0,1
HP1069	cell division protein	1,5	0,1	0,8	0,2	1,2	0,1	0,8	0,0	1,0	0,2	1,2	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	0,9	0,0	1,1	0,4	1,0	0,1	1,1	0,0	1,0	0,2	1,1	0,3
HP1070	hypothetical protein	1,6	0,1	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,3	0,7	0,7	0,2	1,1	0,3	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,3	0,9	0,0	1,4	N.D.	1,1	0,1	1,2	0,2
HP1071	phosphatidylserine synthase	1,8	0,1	1,0	0,2	1,4	0,2	1,1	0,2	1,2	0,3	1,0	0,0	0,9	0,2	1,2	0,1	1,0	0,1	1,2	0,2	1,1	0,1	2,1	N.D.	1,1	0,2	1,3	0,3
HP1072	copper-transporting ATPase, P-type	1,4	0,1	0,9	0,3	1,4	0,0	0,7	0,2	1,1	0,2	1,1	0,2	1,0	0,2	1,2	0,1	1,2	0,1	1,2	0,3	1,1	0,0	1,2	N.D.	1,0	0,2	1,0	0,1
HP1073	copper ion binding protein	1,3	0,2	0,9	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,2	0,2	1,1	0,2	1,0	0,1	1,5	0,4	1,6	0,2	0,9	0,2	1,5	0,1	1,4	0,1	2,0	0,3
HP1074	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,2	0,5	N.D.	0,3	1,2	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	1,7	0,2	0,9	0,1	1,8	0,5	1,0	0,1	1,0	N.D.
HP1075	conserved hypothetical protein	1,2	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,1	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	1,4	0,2	1,2	0,3	1,5	0,3	1,4	0,4	1,0	0,1	1,1	0,1
HP1076	Hypothetical protein	0,6	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	0,8	0,1	5,6	1,4	2,9	1,1	12,0	8,6	1,9	0,3	2,6	0,5	1,6	0,3	2,0	0,8	1,2	N.D.	0,4	0,2	10,6	4,2
HP1077	nickel transport protein	0,9	0,0	0,9	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	1,2	0,3	0,9	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	1,6	0,4	1,1	0,3	1,3	0,2	0,7	0,0	1,1	0,1	1,2	0,1
HP1078	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	0,8	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,3	1,2	0,3	N.D.	N.D.	0,7	N.D.	0,9	N.D.	1,0	N.D.
HP1079	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,7	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	1,0	0,0	1,1	0,2	1,2	0,2	0,9	0,0	1,2	0,3	1,1	0,1	1,2	N.D.	1,6	0,3	1,3	0,3
HP1080	conserved hypothetical integral membrane protein	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,2	0,5	1,1	0,1	1,2	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,5	N.D.	0,9	0,0	1,0	N.D.	1,4	0,5	0,9	N.D.
HP1081	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,1	0,1	0,6	N.D.	1,2	0,0	1,0	0,2	1,0	0,2	1,3	N.D.	1,1	0,2	1,1	0,0	1,1	0,4	1,1	0,0	1,4	N.D.	1,3	0,2	1,1	N.D.
HP1082	multidrug resistance protein	0,8	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,4	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	1,0	0,3	0,9	0,2
HP1083	hypothetical protein	1,5	0,1	0,9	0,1	1,5	0,2	0,8	0,2	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	0,8	0,1	1,6	0,1	0,7	0,2	1,2	0,2	0,8	0,2	0,5	0,1
HP1084	aspartate transcarbamoylase	1,5	0,1	0,9	0,3	1,2	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	1,1	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	1,9	0,3	0,9	0,0	1,2	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1
HP1085	hypothetical protein	1,4	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	1,1	0,1	1,1	0,3	1,0	0,1	1,0	N.D.	1,2	0,0	1,6	0,5	1,1	0,3	1,2	0,0	1,9	N.D.	1,5	0,4	0,9	0,3
HP1086	hemolysin	1,7	0,1	1,1	0,1	1,3	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	1,1	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	1,2	0,3	1,2	0,2	1,0	0,1	1,0	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2
HP1087	riboflavin biosynthesis regulatory protein	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,3	1,0	0,2	1,7	N.D.	1,5	0,1	1,0	N.D.	1,1	0,4	N.D.	N.D.	10,9	N.D.	1,1	0,3	1,0	0,1
HP1088	transketolase A	1,4	0,1	1,0	0,1	1,2	0,0	1,2	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,3	1,1	0,0	1,0	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1
HP1089	hypothetical protein	1,3	0,2	0,9	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,3	0,3	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	1,2	0,2	1,0	0,1	1,2	0,0	1,0	0,3	1,2	0,1
HP1090	cell division protein	1,2	0,1	0,9	0,3	1,1	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	0,7	0,4	1,0	0,0	1,0	0,1	1,2	0,3	1,2	0,2	0,9	0,0	1,0	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,0
HP1091	alpha-ketoglutarate permease	1,3	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	1,1	0,2	1,2	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,3	0,1
HP1092	(*flaG1*)	0,8	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	1,2	0,2	1,2	N.D.	1,0	N.D.	0,9	0,1	0,8	0,1
HP1094	hypothetical protein	0,5	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	1,0	N.D.	N.D.	1,3	0,5	0,9	0,1	1,4	0,0	1,1	0,4	1,3	0,1	N.D.	N.D.	1,5	0,2	1,3	N.D.
HP1095	IS605 transposase	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,2	0,9	0,0	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,2	0,2	0,9	0,0	1,2	0,4	1,1	N.D.	1,2	0,2
HP1096	IS605 transposase	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,5	0,4	1,0	N.D.	0,9	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,3	0,1	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	1,2	0,1	0,9	N.D.
HP1098	conserved hypothetical secreted protein	0,8	0,0	0,9	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	0,8	0,2	1,0	0,0	1,0	0,2	0,8	0,1	1,5	0,1	1,2	0,2	0,9	0,2	0,9	0,2	1,5	0,7	1,4	0,3
HP1099	2-keto-3-deoxy-6-phosphogluconate aldolase	1,1	0,1	0,7	0,1	1,2	0,1	0,8	0,1	1,1	0,5	0,8	0,0	1,2	0,2	0,8	0,0	0,9	0,2	0,9	0,4	0,8	0,1	0,9	0,1	1,3	0,5	1,9	0,4
HP1100	6-phosphogluconate dehydratase	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,7	0,1	1,1	0,2	0,9	0,0	0,8	0,1	1,2	0,1	0,7	0,1	1,0	N.D.	1,0	0,2	1,6	0,3
HP1101	glucose-6-phosphate dehydrogenase	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,2	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,3
HP1102	glucose-6-phosphate 1-dehydrogenase	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	1,1	0,2	0,8	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	0,7	0,1	1,1	0,2	0,8	0,0	1,3	0,0	1,0	0,3	1,4	0,6
HP1103	glucokinase	1,0	0,1	0,7	0,2	1,2	0,1	0,8	0,3	1,1	0,2	0,9	0,0	1,1	0,0	1,0	0,1	0,7	0,2	1,0	0,3	1,2	0,2	1,1	0,1	1,1	0,3	1,5	0,1
HP1104	cinnamyl-alcohol dehydrogenase ELI3-2	1,0	0,0	0,9	0,2	0,9	0,1	1,2	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,2	0,1	0,8	0,0	1,1	0,2	1,1	0,2	1,3	0,2	0,7	0,0	1,0	0,1	1,4	0,2
HP1105	LPS biosynthesis protein	1,3	0,1	1,0	0,0	1,2	0,0	1,1	0,2	1,1	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,1	0,3	1,1	0,0	0,8	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,2
HP1106	hypothetical protein	1,1	0,1	1,2	0,2	1,2	0,1	1,2	0,2	1,0	0,2	0,8	N.D.	0,8	0,1	1,1	0,1	1,2	0,1	1,1	0,2	1,3	0,1	1,0	N.D.	1,4	0,3	1,2	N.D.
HP1107	outer membrane protein	1,3	0,1	1,1	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,0	0,9	0,1	1,1	0,2	1,3	0,1	1,3	0,3	1,1	0,4	1,0	0,1
HP1108	pyruvate ferredoxin oxidoreductase, gamma subunit	1,3	0,2	0,6	0,1	2,0	0,2	0,9	0,1	1,2	0,6	0,9	0,0	1,1	0,2	0,7	0,0	0,5	0,1	1,0	0,3	0,6	0,1	1,1	0,2	0,7	0,2	1,0	0,1
HP1109	pyruvate ferredoxin oxidoreductase, delta subunit	1,4	0,0	0,7	0,1	2,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,4	0,9	0,1	1,2	0,1	0,6	0,1	0,5	0,2	1,1	0,2	0,5	0,1	0,9	0,1	0,7	0,3	0,8	0,1
HP1110	pyruvate ferredoxin oxidoreductase, alpha subunit	1,3	0,1	0,7	0,2	1,9	0,2	0,9	0,1	1,0	0,3	1,0	0,0	1,2	0,1	0,8	0,0	0,6	0,0	1,1	0,2	0,7	0,0	1,0	0,0	0,6	0,3	0,6	0,0
HP1111	pyruvate ferredoxin oxidoreductase, beta subunit	2,0	0,1	0,8	0,1	2,3	0,0	0,9	0,1	1,2	0,5	1,2	0,2	1,1	0,2	0,8	0,1	0,5	0,1	1,2	0,2	0,6	0,1	1,0	0,1	0,5	0,1	0,7	0,1
HP1112	adenylosuccinate lyase	1,2	0,1	1,1	0,0	1,2	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	1,1	0,0	1,0	0,1	0,8	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	0,9	0,2	0,7	0,0
HP1113	outer membrane protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,2	1,0	0,2	0,7	0,0	0,9	0,0	1,1	0,2	1,0	0,0	1,1	0,2	1,0	0,0	1,1	N.D.	1,1	0,3	0,9	0,0
HP1114	excinuclease ABC subunit B	0,8	0,0	1,3	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1	1,0	0,0	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,3	1,1	0,0	1,0	0,0	1,1	0,2	0,6	N.D.
HP1115	hypothetical protein	0,8	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,1	0,0	1,0	0,2	0,8	N.D.	1,2	0,2	0,9	0,1	1,2	0,2	1,3	0,1	0,9	0,0	1,0	N.D.	1,5	0,3	1,2	N.D.
HP1116	hypothetical protein	0,7	0,1	N.D.	N.D.	0,7	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,2	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	0,9	0,2	1,4	0,3
HP1117	conserved hypothetical secreted protein	0,7	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,3	0,5	1,2	0,2	0,9	0,2	1,2	0,4	1,0	0,1	0,5	0,1
HP1118	gamma-glutamyltranspeptidase	0,6	0,0	1,0	0,1	0,6	0,1	1,0	0,1	0,8	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	1,2	0,1	1,0	0,2	1,3	0,1	0,9	0,2	1,5	0,3	0,7	0,1
HP1119	Flagellar hook associated protein 1/HAP1 (*flgK*)	0,6	0,0	1,1	0,1	0,7	0,0	0,9	0,1	1,9	0,4	1,7	0,1	8,2	6,1	2,1	0,1	2,4	0,6	2,2	0,6	1,8	0,2	1,5	N.D.	0,3	0,0	1,7	0,2
HP1120	Hypothetical protein (operon with *flgK*)	0,5	0,1	1,0	0,4	0,9	0,1	0,9	0,1	8,7	3,3	5,2	1,5	111	127,3	3,5	1,2	15,9	14,4	2,1	0,5	8,0	3,7	2,0	N.D.	0,4	0,2	3,5	1,4
HP1121	cytosine specific DNA methyltransferase	1,2	0,6	0,9	0,1	1,7	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	0,8	0,1	0,9	0,0	1,3	0,2	N.D.	N.D.	1,4	0,1	1,2	0,1	1,2	0,1	1,5	0,5	1,5	0,3
HP1122	Anti-sigma28 factor (*flgM*)	2,5	0,5	1,8	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	1,8	0,9	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	1,3	0,1	2,9	1,3	2,3	0,7	1,8	0,4	3,4	0,6	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP1123	peptidyl-prolyl cis-trans isomerase, FKBP-type rotamase	1,4	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	0,7	0,0	1,0	0,2	1,1	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	1,4	0,2	1,0	0,3	1,0	0,0	1,6	0,3	1,4	0,2	1,3	0,4
HP1124	hypothetical protein	1,1	0,2	1,0	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,0	1,4	0,2	1,1	0,2	0,9	0,1	0,9	N.D.	0,8	0,2	0,7	0,2
HP1125	peptidoglycan associated lipoprotein precursor	1,7	0,1	1,0	0,2	1,6	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	1,1	0,2	0,8	0,0	2,0	0,5	1,3	0,1	0,8	0,2	1,2	0,2	0,6	0,3	0,6	0,2
HP1126	colicin tolerance-like protein	1,3	0,1	0,9	0,1	1,2	0,2	0,8	0,2	0,9	0,3	1,1	0,1	1,1	0,2	1,2	0,0	1,0	0,1	1,0	0,3	0,8	0,1	1,8	0,2	1,0	0,4	1,7	0,1
HP1127	hypothetical protein	1,5	0,3	1,0	0,0	1,4	N.D.	1,1	0,0	1,1	0,5	0,8	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	1,3	0,1	1,1	0,4	0,7	0,4	0,8	0,1	1,0	0,2
HP1128	hypothetical protein	0,9	0,1	1,3	0,2	0,8	0,1	0,9	0,2	1,2	0,7	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	0,8	0,1	1,3	0,1	0,9	0,0	0,8	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,3
HP1129	biopolymer transport protein	0,5	0,0	1,1	0,2	0,6	0,0	1,0	0,1	1,0	0,4	0,8	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,2	0,1	0,7	0,0	1,2	0,1	0,8	0,1	0,8	0,0
HP1130	biopolymer transport protein	0,6	0,0	1,2	0,2	0,7	0,1	0,9	0,2	0,9	0,3	0,8	0,0	0,9	0,2	0,8	0,1	0,7	0,1	1,2	0,1	1,0	0,3	1,4	0,1	0,7	0,1	1,1	0,4
HP1131	ATP synthase F1, subunit epsilon	0,6	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,2	0,9	0,3	0,8	0,0	1,0	0,2	0,8	0,1	0,7	0,1	1,3	0,1	0,9	0,3	1,4	0,1	0,7	0,1	0,7	0,2
HP1132	ATP synthase F1, subunit beta	0,7	0,0	1,0	0,1	0,6	0,1	0,9	0,1	0,9	0,3	0,8	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	1,2	0,1	1,0	0,2	1,3	0,3	0,7	0,2	0,7	0,2
HP1133	ATP synthase F1, subunit gamma	0,5	0,0	0,9	0,3	0,7	0,0	0,8	0,2	0,9	0,4	0,8	0,0	1,0	0,3	0,9	0,1	0,8	0,1	1,1	0,2	0,9	0,2	1,3	0,3	0,7	0,1	0,7	0,3
HP1134	ATP synthase F1, subunit alpha	0,6	0,0	1,1	0,2	0,8	0,1	0,9	0,2	0,8	0,3	0,8	0,0	0,9	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	1,2	0,1	1,2	0,4	1,0	0,1	0,7	0,4	0,5	0,1
HP1135	ATP synthase F1, subunit delta	0,6	0,1	0,9	0,2	1,3	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	1,0	0,1	1,0	0,0	0,8	0,1	1,2	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	0,8	0,0	0,6	0,1
HP1136	ATP synthase F0, subunit b	0,9	N.D.	0,9	0,3	1,3	0,1	0,9	0,0	1,2	0,2	0,8	0,1	1,2	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,7	0,2	1,0	0,2
HP1137	ATP synthase F0, subunit b'	2,2	0,3	1,1	0,2	2,0	0,1	0,9	0,2	1,3	0,4	0,9	0,2	1,0	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	0,8	0,1

HP1138	plasmid replication-partition related protein	1,3	0,2	0,8	0,1	1,4	0,2	0,9	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,0	1,2	0,3	1,1	0,2	1,2	0,2	1,3	0,2	1,1	0,2	0,9	0,1
HP1139	SpoOJ regulator	1,4	0,1	1,1	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,1	0,3	0,9	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	0,9	0,3	1,4	0,2	1,2	0,1	1,1	0,3	0,8	0,1
HP1140	biotin operon repressor/biotin acetyl coenzyme A carboxylase synthetase	1,4	0,2	0,9	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	0,8	N.D.	1,1	0,1	0,9	0,0	1,0	0,2	1,0	0,0	1,0	N.D.	0,9	0,0	0,8	0,1
HP1141	methionyl-tRNA formyltransferase	1,3	0,0	0,9	0,1	1,2	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	1,0	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	1,0	0,1
HP1142	hypothetical protein	1,1	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	1,0	0,1	1,0	0,0	0,9	0,0	1,1	0,2	0,9	0,1	1,2	0,0	1,0	0,2	1,0	0,2
HP1143	hypothetical protein	1,2	0,0	0,8	0,1	1,2	0,0	0,9	0,1	1,1	0,3	1,1	0,2	1,1	0,1	0,9	0,0	0,9	0,0	1,1	0,2	0,7	0,1	1,2	0,2	1,2	0,2	1,1	0,0
HP1144	hypothetical protein	1,1	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,1	0,6	0,9	N.D.	1,0	N.D.	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,1	N.D.	1,0	0,1	1,9	N.D.
HP1145	hypothetical protein	0,5	0,1	1,1	0,1	0,7	0,1	0,9	0,2	1,1	0,2	0,7	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,7	0,4	0,9	0,0	1,0	N.D.	1,3	0,4	1,0	N.D.
HP1146	hypothetical protein	0,7	0,1	1,1	0,2	1,0	N.D.	1,0	0,2	1,0	0,3	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,3	0,1	1,2	0,2	0,8	0,1	1,3	0,3	1,0	0,4	1,2	0,1
HP1147	ribosomal protein L19	0,8	0,1	0,8	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,3	0,3	1,1	0,2	1,3	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	0,7	0,2
HP1148	tRNA (guanine-N1)-methyltransferase	0,7	0,0	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,4	0,7	0,1	0,8	0,1	1,2	0,1	1,3	0,4	0,9	0,3	1,8	0,8	1,0	N.D.	1,1	0,1	0,6	0,1
HP1149	conserved hypothetical protein	0,6	0,0	1,2	0,2	0,8	0,1	1,0	0,2	0,9	0,3	0,7	0,0	1,0	0,1	1,2	0,1	1,6	0,3	1,5	0,2	1,3	0,1	0,8	N.D.	1,1	0,4	0,4	0,1
HP1150	hypothetical protein	0,6	0,0	1,2	0,2	0,8	0,1	1,2	0,1	1,0	0,4	0,7	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,6	0,1	1,6	0,3	1,4	0,2	0,9	0,0	1,0	0,3	0,5	0,0
HP1151	ribosomal protein S16	0,7	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	0,8	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,5	0,1	1,5	0,1	1,4	0,3	0,8	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1
HP1152	signal recognition particle protein	0,8	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	0,8	0,0	1,2	0,0	1,1	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2
HP1153	valyl-tRNA synthetase	1,3	0,0	0,8	0,1	1,3	0,0	1,1	0,1	0,9	0,2	0,8	0,2	1,1	0,1	0,9	0,0	0,9	0,0	1,1	0,1	0,8	0,0	1,2	0,2	1,1	0,2	1,1	0,0
HP1154	Hypothetical protein (operon with *murG*)	1,0	0,1	1,0	0,2	1,3	0,1	0,9	0,2	2,7	0,8	1,1	0,0	4,8	1,8	3,0	0,2	3,1	0,2	1,3	0,1	3,0	0,3	1,8	0,1	0,4	0,2	5,4	1,6
HP1155	Transferase, peptidoglycan synthesis (*mur* G)	0,8	0,0	1,3	0,2	0,9	0,0	1,0	0,2	1,7	0,4	1,7	0,2	4,2	1,7	3,5	0,2	2,8	0,6	2,0	0,5	3,3	1,2	2,2	0,3	0,5	0,3	6,5	1,1
HP1156	outer membrane protein	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,5	0,9	0,3	1,0	0,2	1,1	0,1	1,0	0,2	1,3	0,3
HP1157	outer membrane protein	1,3	0,0	0,9	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	1,0	0,1	1,0	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,2	0,2	0,9	0,2	1,0	0,2
HP1158	pyrroline-5-carboxylate reductase	1,3	0,2	0,9	0,1	1,5	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	1,0	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1
HP1159	cell filamentation protein	1,2	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,2	0,4	1,0	0,3	1,0	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,2	N.D.	0,7	0,1	0,7	0,1
HP1160	conserved hypothetical protein	2,0	0,1	0,9	0,2	1,7	0,1	0,9	0,2	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,4	0,1	1,3	0,2	0,9	0,3	0,8	0,0	1,1	0,3	2,5	0,3	3,6	0,8
HP1161	flavodoxin	0,7	0,0	1,1	0,3	1,1	0,2	1,5	0,3	0,9	0,3	0,9	0,0	1,2	0,3	0,9	0,1	1,7	0,6	1,5	0,2	0,8	0,2	1,7	0,0	1,9	0,4	2,3	0,9
HP1162	conserved hypothetical integral membrane protein	0,9	0,1	0,8	0,4	0,8	0,1	0,8	0,4	1,1	0,2	0,9	0,0	0,9	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,2	0,0	1,2	0,0	1,3	N.D.	1,3	0,2	1,6	0,4
HP1163	hypothetical protein	1,1	0,0	1,2	0,1	0,6	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,1	0,3	1,1	0,2	0,9	0,1	1,4	0,4	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,6	0,4	1,5	0,4
HP1164	thioredoxin reductase	0,9	0,0	1,0	0,1	0,7	0,1	1,1	0,1	0,8	0,2	0,9	0,0	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	0,9	0,1	1,1	0,2	1,3	0,3
HP1165	tetracycline resistance protein tetA(P), putative	1,3	0,0	1,0	0,1	1,4	0,3	1,0	0,1	1,4	0,5	0,8	0,0	1,1	0,3	1,0	0,1	0,8	0,1	1,2	0,0	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,4	1,1	0,1
HP1166	glucose-6-phosphate isomerase	0,8	0,0	0,8	0,1	0,8	0,1	0,8	0,2	1,1	0,3	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,6	0,2
HP1167	hypothetical protein	1,0	0,0	0,9	0,1	1,6	0,3	1,0	0,1	1,3	0,7	0,7	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	0,6	0,2	1,1	0,1	0,7	0,1	0,8	0,1	0,4	0,3	0,8	0,2
HP1168	carbon starvation protein	0,8	0,1	0,9	0,2	0,7	0,1	0,9	0,0	1,0	0,3	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,4	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	0,7	0,1
HP1169	glutamine ABC transporter, permease protein	1,2	0,1	1,0	0,2	0,9	N.D.	1,0	0,2	1,0	0,3	1,5	0,0	1,0	0,1	1,2	0,1	1,2	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	N.D.	1,5	0,5	1,0	0,0
HP1170	glutamine ABC transporter, permease protein	1,3	N.D.	1,6	0,3	0,8	0,2	1,5	0,1	0,9	0,3	1,2	N.D.	1,1	N.D.	1,5	0,1	1,7	0,1	1,0	0,2	N.D.	N.D.	2,1	N.D.	0,9	0,2	1,1	N.D.
HP1171	glutamine ABC transporter, ATP-binding protein	0,9	0,1	0,9	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	1,0	0,3	1,4	0,2	1,0	0,2	1,2	0,1	1,2	0,1	1,0	0,2	1,7	0,4	1,3	0,1	1,2	0,3	1,0	0,1
HP1172	glutamine ABC transporter, periplasmic glutamine-binding protein	0,5	0,0	1,5	0,3	0,4	0,0	1,3	0,1	0,7	0,3	1,6	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	2,4	0,8	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,0	1,3	0,3	1,3	0,0
HP1173	hypothetical protein	1,1	0,1	1,4	0,2	0,8	0,1	1,3	0,2	1,0	0,2	1,5	0,3	1,2	0,2	1,0	0,0	1,8	0,5	1,1	0,1	1,2	0,2	1,4	0,4	1,1	0,1	1,4	0,1
HP1174	glucose/galactose transporter	1,3	0,1	1,0	0,1	1,6	0,1	1,0	0,2	1,3	0,4	0,7	0,1	0,8	0,0	0,9	0,0	0,9	0,2	1,1	0,1	0,8	0,1	1,1	N.D.	0,9	0,2	2,0	0,5
HP1175	conserved hypothetical integral membrane protein	1,8	0,0	1,1	0,2	1,5	0,1	1,3	0,4	1,2	0,5	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	0,8	0,3	1,2	0,1	0,8	0,2	1,1	0,1	2,0	0,4	3,5	0,3
HP1177	outer membrane protein	0,8	0,1	1,1	0,1	0,7	0,1	0,6	0,0	0,9	0,2	1,2	0,2	0,7	0,1	0,9	0,0	1,7	0,5	1,0	0,2	1,2	0,6	1,2	0,2	1,1	0,1	1,2	0,4
HP1178	purine-nucleoside phosphorylase	0,7	0,0	0,9	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	1,0	0,3	0,6	0,0	1,0	0,2	1,1	0,1	0,7	0,2	1,2	0,1	0,7	0,0	0,8	0,1	0,9	0,1	1,2	0,2
HP1179	phosphopentomutase	0,6	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	0,6	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	0,5	0,1	0,9	0,2	0,7	0,0	0,7	0,1	0,7	0,1	1,0	0,2
HP1180	pyrimidine nucleoside transport protein	0,8	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,2	0,6	0,0	0,9	0,2	0,9	0,1	0,7	0,2	1,0	0,2	1,0	0,2	0,7	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2
HP1181	multidrug-efflux transporter	0,7	0,0	0,9	0,1	1,1	0,4	0,8	0,1	1,1	0,3	0,8	0,1	1,1	0,3	1,1	0,1	0,5	0,1	1,1	0,1	1,0	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	0,8	0,2
HP1182	conserved hypothetical protein	0,5	0,0	1,0	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	0,9	0,0	0,9	0,2	0,9	0,1	0,7	0,2	1,2	0,1	1,7	0,7	1,0	0,2	0,9	0,3	1,0	0,3
HP1183	NA+/H+ antiporter	0,8	0,0	1,0	0,2	0,8	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	0,8	0,0	0,9	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,2	0,0	1,0	0,1	1,3	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1
HP1184	conserved hypothetical integral membrane protein	0,8	0,0	0,9	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	1,4	0,3	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1
HP1185	conserved hypothetical integral membrane protein	0,7	0,0	1,2	0,2	0,7	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	1,0	0,1	1,1	0,1	1,3	0,4	1,3	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	0,9	0,7	0,9	0,1
HP1186	carbonic anhydrase	1,2	0,0	0,8	0,2	1,1	0,1	0,7	0,1	1,2	0,3	1,0	0,0	0,9	0,1	0,7	0,0	0,9	0,3	1,0	0,2	0,7	0,1	1,5	0,5	2,6	1,0	6,5	1,4
HP1187	hypothetical protein	1,2	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	1,0	0,3	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,0	0,9	0,0	1,0	0,2	0,8	0,1	1,1	0,2	1,6	0,6	2,0	0,6
HP1188	hypothetical protein	1,8	0,2	1,0	0,1	1,8	0,3	1,0	0,1	1,1	0,3	0,9	0,2	1,6	1,1	0,9	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	0,8	0,2	1,0	0,1	1,6	0,4	2,2	0,4
HP1189	aspartate-semialdehyde dehydrogenase	1,4	0,0	0,9	0,0	1,4	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,1	0,2	0,9	0,1	0,9	0,0	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,2	0,2	1,0	0,1	1,0	0,3
HP1190	histidyl-tRNA synthetase	1,3	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,2	0,3	1,1	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	0,8	0,3	0,8	0,2	1,2	0,1	1,1	0,4	1,4	0,2
HP1191	ADP-heptose-lps heptosyltransferase II	1,1	N.D.	0,9	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	1,1	0,1	0,8	0,0	0,9	0,0	1,2	0,1	1,2	0,2	0,9	0,2	1,1	0,0	0,8	N.D.	1,1	0,2	1,0	N.D.
HP1192	secreted protein involved in flagellar motility	2,5	0,2	0,8	0,1	1,8	0,2	1,0	0,5	0,9	0,4	0,7	0,1	2,2	0,9	1,1	0,1	0,7	0,3	0,8	0,3	0,7	0,2	0,6	0,0	1,8	0,5	1,8	0,9
HP1193	aldo-keto reductase, putative	0,9	0,1	0,9	0,1	0,7	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	1,0	0,0	1,1	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,3	0,2	1,4	N.D.
HP1195	translation elongation factor EF-G	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	1,3	0,2	1,0	0,1	0,8	0,0	1,0	0,2	1,1	0,1	1,2	0,4	1,1	0,1	1,0	0,3	0,7	0,1
HP1196	ribosomal protein S7	0,8	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	1,0	0,3	1,0	0,0	0,9	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	1,0	0,1	0,7	0,2
HP1197	ribosomal protein S12	0,6	0,0	1,1	0,1	0,7	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	0,8	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,3	0,1	1,2	0,3	0,8	0,2	1,0	0,0	0,9	0,1
HP1198	*DNA-directed RNA polymerase, beta subunit*	0,6	0,1	1,0	0,1	0,9	N.D.	1,0	0,1	1,2	0,4	0,8	0,1	1,0	0,0	0,9	0,1	0,8	0,2	0,8	0,3	1,0	0,2	0,9	0,0	0,6	0,0	0,8	0,1
HP1199	ribosomal protein L7/L12	0,6	0,0	0,9	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	0,8	0,1	0,7	0,1	0,8	0,2	1,0	0,1	0,8	0,3	1,3	0,1	0,4	0,2	0,2	0,0
HP1200	ribosomal protein L10	0,5	0,0	1,1	0,3	1,0	0,1	1,2	0,3	1,0	0,4	1,0	0,0	0,8	0,0	0,7	0,1	0,7	0,3	1,3	0,1	0,9	0,5	1,1	0,1	0,3	0,1	0,2	0,0
HP1201	ribosomal protein L1	0,5	0,0	1,1	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	0,7	0,0	0,8	0,2	0,8	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	1,0	0,3	0,8	0,1	0,5	0,1	0,3	0,1
HP1202	ribosomal protein L11	0,5	0,0	1,1	0,1	0,6	0,1	1,1	0,4	0,8	0,4	0,8	0,0	1,0	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	1,2	0,2	1,1	0,3	0,8	0,2	0,7	0,4	0,5	0,1
HP1203	transcription termination factor NusG	0,5	0,0	1,3	0,3	0,8	0,1	1,2	0,4	0,9	0,3	0,7	0,1	0,7	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,6	0,6	0,7	0,1	0,8	0,2	0,5	0,1
HP1204	ribosomal protein L33	0,7	0,0	1,1	0,3	0,6	0,1	1,0	0,2	1,0	0,4	1,1	0,1	1,0	0,3	0,8	0,1	0,9	0,2	1,4	0,2	0,9	0,1	1,3	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,2
HP1205	translation elongation factor EF-Tu	1,0	0,0	0,8	0,2	1,0	0,1	0,8	0,1	0,8	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	0,7	0,0	0,9	0,2	1,1	0,1	0,8	0,3	1,2	0,2	0,8	0,2	1,0	0,1
HP1206	multidrug resistance protein	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,0	1,0	0,2	1,0	0,3	1,0	0,0	1,0	0,0	0,9	0,0	0,9	0,2	1,1	0,1	1,1	N.D.	1,3	0,0	1,1	0,3
HP1207	hypothetical protein	1,4	0,0	0,9	0,0	1,3	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	1,1	0,2	1,0	0,0	0,8	0,1	0,7	0,3	0,9	0,1	1,0	N.D.	0,9	0,1	1,1	0,1
HP1208	ulcer associated adenine specific DNA methyltransferase	1,2	0,0	1,0	0,2	1,2	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,2	0,7	0,1	0,9	N.D.	1,6	0,1	1,1	0,0	0,9	0,2	1,7	0,2	0,8	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.
HP1209	ulcer-associated gene restriction endonuclease	1,0	0,0	0,8	0,2	1,1	0,1	0,9	0,2	0,9	0,3	0,7	0,0	1,1	0,4	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	0,6	0,0	1,1	0,3	0,9	0,1
HP1210	serine acetyltransferase	N.D.	N.D.	1,1	0,2	0,6	N.D.	1,1	0,2	0,9	0,3	0,7	0,0	1,0	N.D.	1,2	0,1	1,7	0,3	1,6	0,3	1,9	0,2	1,0	N.D.	1,1	0,5	0,8	0,1
HP1211	hypothetical protein	1,7	0,2	1,1	0,2	1,4	0,1	1,0	0,0	1,4	0,6	0,6	0,1	1,3	0,4	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,2	0,3	1,0	N.D.	1,1	0,3	1,7	0,7
HP1212	ATP synthase F0, subunit c	1,6	0,1	0,8	0,2	1,5	0,1	0,9	0,2	1,1	0,4	1,2	0,2	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,2	0,1	0,6	0,2	1,7	0,1	1,3	0,3	1,6	0,4
HP1213	polynucleotide phosphorylase	0,7	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,3	1,1	0,0	0,8	0,1	1,0	0,0	0,9	0,2	1,0	0,2	1,1	0,1	1,3	0,3	1,1	0,2	0,8	0,0
HP1214	conserved hypothetical protein	0,8	0,0	1,3	0,2	0,7	0,1	1,2	0,2	1,0	0,3	1,1	0,0	1,1	0,1	1,2	0,1	1,3	0,3	1,3	0,2	1,7	0,1	0,9	0,1	1,4	0,5	1,1	0,3
HP1215	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	0,5	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,0	1,0	N.D.	0,9	N.D.	1,3	N.D.
HP1216	conserved hypothetical secreted protein	0,7	0,1	0,9	0,2	0,9	N.D.	0,8	0,2	1,0	0,2	0,8	0,1	1,1	N.D.	1,2	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	N.D.	0,9	0,4	0,8	0,1
HP1217	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,8	0,1	1,0	0,2	0,7	0,2	1,0	N.D.	0,9	0,1	0,6	0,0	N.D.	N.D.	0,6	0,0	1,0	N.D.	1,0	0,2	1,7	N.D.
HP1218	glycinamide ribonucleotide synthetase	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,3	0,8	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	1,1	0,3	0,8	0,3	1,0	0,1	1,0	0,1	0,7	0,1	0,8	0,3
HP1219	hypothetical protein	0,5	N.D.	1,0	0,1	0,7	N.D.	0,9	0,2	1,1	0,3	1,0	0,2	0,9	0,1	0,8	0,0	1,2	0,1	1,2	0,0	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,1	1,2	N.D.
HP1220	ABC transporter, ATP-binding protein	0,6	0,0	0,9	0,1	0,7	0,1	0,9	0,2	1,0	0,4	0,9	0,1	1,0	0,1	1,2	0,0	0,9	0,0	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	0,8	0,0	0,5	0,0
HP1221	undecaprenyl diphosphate synthase	0,8	0,0	2,0	0,2	0,9	0,1	0,4	0,1	0,9	0,3	1,0	0,0	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	0,8	0,3	1,2	0,1	1,0	0,2	1,2	0,3	0,7	0,2
HP1222	D-lactate dehydrogenase	0,8	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	1,1	0,0	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	0,9	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1
HP1223	no description available	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP1224	uroporphyrinogen III cosynthase	1,0	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,0	1,1	0,1	1,1	0,2	0,8	0,0	1,2	N.D.	1,1	0,0	1,4	0,3
HP1225	conserved hypothetical integral membrane protein	1,3	N.D.	1,1	0,3	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,1	0,2	1,1	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1	1,2	0,1	0,9	0,2	1,0	0,0	1,1	N.D.	1,1	0,0	1,2	0,2
HP1226	oxygen-independent coproporphyrinogen III oxidase, putative	1,1	0,1	1,2	0,2	1,5	0,2	1,0	0,2	1,0	0,2	1,1	0,0	1,2	0,2	1,0	0,0	0,6	0,1	1,0	0,1	0,7	0,0	1,1	N.D.	0,8	0,1	1,1	0,3
HP1227	cytochrome c553	2,2	0,3	0,5	0,2	3,1	0,2	0,8	0,2	1,3	0,6	1,1	0,1	1,6	0,3	1,0	0,0	0,7	0,1	1,2	0,1	0,5	0,1	1,4	0,3	0,6	0,1	0,8	0,1
HP1228	invasion protein	1,1	0,0	1,3	0,1	1,2	0,2	1,1	0,2	1,0	0,2	0,7	0,0	0,9	0,2	1,1	0,0	1,2	0,2	0,8	0,2	0,9	0,1	0,6	N.D.	0,9	0,1	0,7	0,1
HP1229	aspartokinase	1,3	0,2	0,8	0,2	1,1	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,0	1,1	0,3	0,7	0,3	1,4	0,2	0,9	0,0	0,9	0,3	0,5	0,1
HP1230	hypothetical protein	0,8	0,1	1,2	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	0,8	0,0	1,1	0,0	1,0	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	0,8	N.D.	1,0	0,3	1,0	0,2
HP1231	DNA polymerase III delta prime subunit	0,6	0,1	1,4	0,1	0,7	0,0	1,1	0,1	1,0	0,3	0,7	0,1	0,9	0,2	1,3	0,1	1,4	0,7	1,2	0,1	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,3	0,3	1,0	N.D.
HP1232	dihydropteroate synthase	0,8	0,1	1,2	0,2	0,7	0,1	1,1	0,2	1,1	0,4	0,9	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,6	0,4	1,2	0,1	1,1	0,0	0,9	0,1	0,9	0,2
HP1233	Hypothetical protein	0,4	0,0	1,3	0,6	0,8	0,1	1,5	0,6	2,2	0,7	2,4	0,5	3,9	2,3	1,7	0,2	1,6	0,3	1,4	0,3	1,3	0,1	1,3	N.D.	0,2	0,0	4,1	1,7
HP1234	conserved hypothetical integral membrane protein	0,6	N.D.	1,0	0,2	1,1	N.D.	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,1	0,4	1,0	0,1	1,6	0,5	1,0	0,1	0,8	0,0	1,0	N.D.	0,8	0,3	1,4	0,4
HP1235	conserved hypothetical integral membrane protein	0,8	0,2	1,1	0,3	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1	1,0	0,2	1,2	0,1	1,2	0,3	0,9	0,2	1,1	0,0	0,9	N.D.	1,0	0,3	0,9	0,1
HP1236	hypothetical protein	0,9	0,1	0,9	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	1,2	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	0,8	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1
HP1237	carbamoyl-phosphate synthetase	0,7	0,0	1,1	0,3	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,4	0,8	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	1,0	0,2
HP1238	aliphatic amidase	0,4	0,0	0,9	0,2	0,4	0,0	0,9	0,4	1,4	0,7	0,7	0,0	1,4	0,2	0,8	0,1	1,1	0,1	1,3	0,1	N.D.	N.D.	0,5	0,0	1,6	0,3	0,7	0,5
HP1240	conserved hypothetical protein	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	0,8	0,2	0,9	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	1,2	0,2	1,5	0,1	1,2	0,3	1,1	0,1
HP1241	alanyl-tRNA synthetase	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	N.D.	0,9	0,1	N.D.	0,4	1,1	0,0	0,9	0,0	0,9	0,0	1,1	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,2	0,2	1,0	N.D.
HP1242	no description available	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP1243	outer membrane protein	1,0	0,1	0,8	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	0,9	0,0	1,0	0,1	0,9	0,0	0,7	0,0	0,8	0,2	0,6	0,1	0,8	0,1	1,2	0,4	1,7	0,2
HP1244	ribosomal protein S18	0,9	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	1,1	0,3	1,1	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	0,7	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	1,3	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1
HP1245	single-strand DNA-binding protein	0,7	0,1	0,8	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	0,9	0,0	0,9	0,0	0,8	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,4	0,1	0,9	0,2	1,0	0,3
HP1246	no description available	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP1247	hypothetical protein	0,8	0,1	1,2	0,2	0,6	0,1	1,2	0,1	0,8	0,4	1,1	0,0	0,8	0,2	1,2	0,1	0,7	0,1	1,0	0,1	1,3	0,2	1,6	N.D.	1,2	0,3	1,6	0,3
HP1248	virulence associated protein homolog	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,0	0,2	0,7	0,1	1,1	N.D.	1,2	0,1	1,0	0,2	1,2	0,2	1,2	0,0	0,9	N.D.	1,1	0,3	0,7	N.D.
HP1249	shikimate 5-dehydrogenase	0,8	N.D.	1,2	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,2	1,1	0,2	0,9	0,0	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	0,7	0,3	1,1	0,0	0,9	N.D.	0,9	0,2	1,3	N.D.
HP1250	hypothetical protein	0,7	0,1	0,9	0,1	0,6	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,2	0,1	0,8	0,0	1,2	0,1	1,2	0,2	0,9	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,3
HP1251	oligopeptide ABC transporter, permease protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	1,2	0,2	1,0	0,1	0,8	0,1	1,2	0,2	0,9	0,2	1,1	N.D.	1,0	0,1	0,9	N.D.
HP1252	oligopeptide ABC transporter, periplasmic oligopeptide-binding protein	0,8	0,0	1,2	0,1	0,8	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	0,8	0,0	1,2	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,3	0,2	1,2	0,2	0,9	0,0	1,4	0,0	1,2	0,1
HP1253	tryptophanyl-tRNA synthetase	0,7	0,0	0,9	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,3	0,9	0,0	1,0	0,2	1,1	0,1	1,4	0,1	1,5	0,3	1,3	0,3	1,1	0,3	1,1	0,3	1,4	0,1
HP1254	biotin synthesis protein	0,9	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,3	0,2	1,2	0,2	0,8	0,1	0,9	0,2	1,4	0,1	1,5	0,3	1,0	0,1	1,1	0,1	0,8	N.D.	1,3	0,2	0,9	0,2
HP1255	protein translocation protein, low temperature	0,5	0,0	1,1	0,2	0,4	0,1	1,1	0,2	0,9	0,3	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,3	0,2	1,8	0,5	0,8	0,2	1,3	0,3	1,4	0,5
HP1256	ribosome releasing factor	1,0	0,1	1,2	0,2	0,8	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	0,9	0,2	1,2	0,1	1,1	0,2	0,9	0,0	0,7	0,2
HP1257	orotate phosphoribosyltransferase	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,0	1,1	0,1	0,9	0,2	0,8	0,0	1,0	0,1	1,1	0,0	1,1	0,2	1,1	0,0	1,1	0,2	1,1	N.D.	0,9	0,2	0,7	0,1
HP1258	conserved hypothetical mitochondrial protein 4	1,0	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,2	0,3	0,7	0,1	1,0	0,2	1,3	0,1	1,0	0,3	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	N.D.	1,0	0,1	0,9	0,2
HP1259	conserved hypothetical protein	0,9	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,3	0,8	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,6	0,1	0,6	0,4	0,9	0,1	1,0	N.D.	0,9	0,1	1,4	0,3
HP1260	NADH-ubiquinone oxidoreductase, NQO7 subunit	0,9	0,2	1,1	0,2	1,1	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,0	1,2	0,2	1,1	0,0	1,4	0,4	1,0	0,0	1,1	0,1	1,1	0,2
HP1261	NADH-ubiquinone oxidoreductase, NQO6 subunit	0,8	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,2	0,1	0,9	0,2	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,0	1,0	0,2	1,1	0,1	1,7	0,5	0,7	0,1	0,8	0,1	0,9	0,2
HP1262	NADH-ubiquinone oxidoreductase, NQO5 subunit	1,0	N.D.	1,1	0,1	1,1	N.D.	1,2	0,2	0,9	0,2	0,9	0,1	1,0	0,2	1,1	0,0	1,0	0,2	0,9	0,1	1,3	0,3	1,0	0,1	0,8	0,2	1,1	0,2
HP1263	NADH-ubiquinone oxidoreductase, NQO4 subunit	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	1,2	0,0	0,9	0,0	0,8	0,2	1,2	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,2	0,2
HP1264	hypothetical protein	1,0	0,0	1,1	0,2	1,1	0,2	1,1	0,2	1,1	0,3	0,8	0,1	0,9	0,3	1,2	0,1	0,9	0,2	1,4	0,2	1,2	0,2	1,1	N.D.	1,1	0,4	1,0	0,1
HP1265	hypothetical protein	0,7	0,0	0,9	0,1	0,8	0,2	1,1	0,2	1,0	0,3	0,8	0,0	0,9	0,2	1,3	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,1	0,9	0,3	0,7	0,1
HP1266	NADH-ubiquinone oxidoreductase, NQO3 subunit	0,9	0,1	1,0	0,2	1,2	0,2	1,1	0,3	1,1	0,2	1,0	0,1	1,2	0,1	1,1	0,1	0,8	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	1,0	0,2	1,4	0,2
HP1267	NADH-ubiquinone oxidoreductase, NQO8 subunit	0,8	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	1,2	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	1,1	0,0	1,1	0,1	1,3	0,2	1,0	0,3	1,4	0,3
HP1268	NADH-ubiquinone oxidoreductase, NQO9 subunit	0,8	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	1,0	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,2	0,0	0,9	0,4	1,4	0,5
HP1269	NADH-ubiquinone oxidoreductase, NQO10 subunit	0,8	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	0,9	0,0	1,0	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,0	0,9	0,1	1,2	0,2	0,9	0,2	1,5	0,2
HP1270	no description available	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	0,8	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP1271	NADH-ubiquinone oxidoreductase, NQO12 subunit	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	1,3	0,2
HP1272	NADH-ubiquinone oxidoreductase, NQO13 subunit	1,2	0,2	1,1	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	1,2	0,2	1,2	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	0,8	0,2	0,8	0,2	1,0	0,2	1,4	0,0	0,9	0,2	1,3	0,2
HP1273	NADH-ubiquinone oxidoreductase, NQO14 subunit	1,1	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,2	0,1	0,9	0,2	1,4	0,1
HP1274	paralysed flagella protein	0,8	0,2	1,3	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,3	1,3	0,1	1,0	0,2	1,4	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	1,6	0,5	1,4	0,3	1,1	0,2	1,4	0,4
HP1275	phosphomannomutase	0,7	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	1,0	0,2	0,9	0,3	1,5	0,0	1,0	0,2	1,0	0,0	1,0	0,2	0,8	0,2	1,1	0,4	1,7	0,1	1,6	0,5	3,2	0,8
HP1276	hypothetical protein	1,0	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,1	0,4	1,1	0,2	1,1	N.D.	1,0	0,1	1,3	0,4	0,9	0,1	0,8	0,1	1,1	N.D.	1,0	N.D.	0,9	N.D.
HP1277	tryptophan synthase, alpha subunit	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,0	1,1	0,2	0,8	0,2	1,6	0,4	0,7	N.D.	1,4	0,7	1,2	0,2
HP1278	tryptophan synthase, beta subunit	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,3	1,2	0,2	0,9	0,0	1,2	0,0	1,4	0,3	0,9	0,1	1,8	0,6	1,0	0,1	1,0	0,3	0,9	0,1
HP1279	anthranilate isomerase	1,2	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	1,3	0,1	1,2	0,1	0,8	0,2	1,2	0,1	1,4	N.D.	1,2	0,2	1,2	0,2
HP1280	anthranilate synthase component II	0,7	0,0	N.D.	N.D.	0,7	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,3	0,8	0,0	1,0	0,2	1,2	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,7	0,4	1,0	0,0	1,0	0,5	0,9	0,1
HP1281	anthranilate synthase component II	0,7	0,1	0,9	0,1	0,6	0,1	0,9	0,0	1,0	0,3	0,8	0,0	0,8	0,2	1,3	0,1	1,2	0,1	1,1	0,0	1,6	0,0	1,0	N.D.	1,5	0,6	0,7	0,3
HP1282	anthranilate synthase component I	0,3	0,0	0,9	0,1	0,6	0,1	1,0	0,1	0,9	0,3	0,8	0,0	0,8	0,2	1,3	0,1	1,4	0,1	1,1	0,1	2,8	1,4	1,0	0,1	1,3	0,7	0,8	0,2

HP1283	hypothetical protein	1,1	N.D.	1,1	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,1	0,4	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1
HP1284	conserved hypothetical protein	0,5	0,0	1,2	0,1	0,6	0,0	0,9	0,0	1,0	0,3	0,7	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,2	0,4	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2
HP1285	no description available	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP1286	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP1287	transcriptional regulator	0,8	0,0	0,9	0,1	0,7	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	0,9	0,0	1,1	0,2	1,1	0,1	1,0	0,2	1,2	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,3	0,3	1,9	0,4
HP1288	hypothetical protein	0,7	0,1	0,8	0,2	0,7	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	0,8	0,0	1,0	0,2	0,7	0,1	0,9	0,2	1,4	0,3	0,8	0,2	1,2	0,2	2,7	1,1	4,7	1,0
HP1289	hypothetical protein	2,4	0,2	1,0	0,2	2,0	0,0	1,0	0,1	0,8	0,2	0,9	0,0	0,8	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,3	0,2	0,8	0,2	1,0	0,1	1,5	0,1	1,5	0,1
HP1290	nicotinamide mononucleotide transporter	1,7	0,1	0,9	0,1	1,5	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	1,1	N.D.	1,2	0,2	1,4	0,2
HP1291	conserved hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,3	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,1	0,3	0,9	0,0	1,1	0,3	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,2	0,3	1,2	N.D.	1,1	0,2	1,2	0,3
HP1292	ribosomal protein L17	0,8	0,1	1,1	0,1	1,0	0,0	1,1	0,2	1,0	0,2	1,2	0,0	0,8	0,1	0,7	0,1	0,7	0,1	1,0	0,1	0,6	0,2	1,5	0,2	0,6	0,3	0,5	0,2
HP1293	*DNA-directed RNA polymerase, alpha subunit*	0,9	0,0	1,1	0,2	1,1	0,0	1,0	0,4	0,9	0,2	1,4	0,1	0,9	0,2	0,6	0,1	0,7	0,1	1,1	0,1	0,7	0,2	1,3	0,2	0,5	0,3	0,4	0,1
HP1294	ribosomal protein S4	0,9	0,1	1,0	0,2	1,4	0,1	0,9	0,3	0,9	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	0,7	0,0	0,7	0,2	1,0	0,1	0,8	0,3	1,2	0,0	0,4	0,3	0,3	0,0
HP1295	ribosomal protein S11	1,0	0,1	1,1	0,2	1,5	0,0	1,1	0,2	0,9	0,3	1,1	0,1	0,9	0,0	0,7	0,1	0,8	0,2	1,0	0,1	0,9	0,3	0,9	0,1	0,5	0,3	0,3	0,0
HP1296	no description available	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,3	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP1297	ribosomal protein L36	0,7	0,2	1,2	0,2	1,0	0,1	1,2	0,4	0,8	0,2	0,9	0,0	0,9	0,2	0,8	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,3	1,0	0,2	0,7	0,1	0,5	0,2
HP1298	translation initiation factor EF-1	0,9	0,1	1,1	0,2	1,2	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	1,1	0,2	0,9	0,1	0,8	0,0	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	0,9	0,2	0,8	0,2
HP1299	methionine amino peptidase	0,8	0,2	1,2	0,3	1,3	0,1	1,1	0,3	0,9	0,2	1,2	0,0	0,8	0,2	0,8	0,0	0,7	0,2	1,2	0,1	0,9	0,4	1,5	0,2	0,3	0,1	0,2	0,1
HP1300	preprotein translocase subunit	0,7	0,0	0,9	0,0	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,3	0,1	0,8	0,1	0,8	0,0	0,7	0,1	1,0	0,1	0,8	0,3	1,3	0,0	0,3	0,2	0,3	0,1
HP1301	ribosomal protein L15	0,8	0,2	1,0	0,2	1,3	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	0,7	0,0	0,6	0,2	0,9	0,1	0,7	0,3	1,3	0,1	0,3	0,1	0,3	0,1
HP1302	ribosomal protein S5	0,7	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,3	0,0	0,8	0,2	0,7	0,0	0,6	0,1	1,1	0,1	0,6	0,2	1,4	0,1	0,3	0,1	0,3	0,0
HP1303	ribosomal protein L18	0,6	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,0	0,9	0,2	1,3	0,0	0,9	0,1	0,7	0,0	0,7	0,2	1,2	0,1	0,6	0,2	1,3	0,2	0,4	0,1	0,3	0,0
HP1304	ribosomal protein L6	0,7	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	1,3	0,1	0,9	0,1	0,7	0,0	0,6	0,1	0,9	0,1	0,7	0,3	1,3	0,0	0,3	0,1	0,3	0,0
HP1305	ribosomal protein S8	1,1	0,1	1,0	0,2	1,2	0,0	0,9	0,1	0,9	0,2	1,3	0,1	0,9	0,1	0,6	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	0,7	0,1	1,2	0,2	0,5	0,2	0,4	0,0
HP1306	ribosomal protein S14	0,9	0,1	1,1	0,3	1,3	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	1,3	0,0	0,8	0,1	0,7	0,1	0,7	0,1	1,0	0,1	0,7	0,1	1,3	0,0	0,7	0,7	0,4	0,0
HP1307	ribosomal protein L5	1,0	0,1	1,1	0,3	1,2	0,0	1,1	0,1	1,0	0,2	1,3	0,1	0,8	0,1	0,6	0,1	0,6	0,1	0,9	0,2	0,7	0,2	1,4	0,2	0,5	0,2	0,3	0,0
HP1308	ribosomal protein L24	1,0	0,1	1,0	0,1	1,4	0,1	1,0	0,2	0,9	0,3	1,3	0,1	0,8	0,1	0,6	0,1	0,6	0,1	0,9	0,1	0,7	0,3	1,2	0,0	0,5	0,4	0,3	0,0
HP1309	ribosomal protein L14	1,1	0,1	1,0	0,1	1,5	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	1,2	0,1	0,8	0,1	0,6	0,1	0,7	0,2	0,9	0,1	0,7	0,2	1,4	0,1	0,4	0,3	0,3	0,0
HP1310	ribosomal protein S17	1,0	0,1	1,1	0,2	1,4	0,2	1,0	0,2	1,0	0,3	1,3	0,1	0,8	0,1	0,6	0,0	0,6	0,1	0,9	0,1	0,7	0,3	1,3	0,1	0,3	0,0	0,3	0,0
HP1311	ribosomal protein L29	1,1	0,1	1,1	0,2	1,4	0,0	1,1	0,1	1,0	0,2	1,3	0,1	0,9	0,1	0,7	0,1	0,6	0,1	1,6	0,4	0,7	0,1	1,2	0,1	0,7	0,7	0,3	0,0
HP1312	ribosomal protein L16	0,9	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	0,9	0,2	0,9	0,2	1,5	0,2	0,8	0,1	0,7	0,1	0,6	0,1	1,2	0,1	0,7	0,1	1,3	0,2	0,7	0,6	0,3	0,0
HP1313	ribosomal protein S3	0,7	0,2	1,1	0,2	1,0	0,1	1,1	0,2	0,9	0,2	1,2	0,1	0,8	0,2	0,8	0,1	0,6	0,1	1,0	0,0	0,9	0,3	1,3	0,3	0,3	0,0	0,3	0,1
HP1314	ribosomal protein L22	0,7	0,0	1,2	0,2	0,9	0,1	1,1	0,2	1,0	0,3	1,3	0,0	0,8	0,1	0,7	0,0	0,6	0,1	1,0	0,1	0,8	0,3	1,4	0,1	0,3	0,1	0,2	0,0
HP1315	ribosomal protein S19	0,8	0,2	1,2	0,3	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,2	0,0	0,8	0,1	0,7	0,0	0,6	0,2	0,9	0,1	0,8	0,3	1,3	0,1	0,3	0,1	0,2	0,0
HP1316	ribosomal protein L2	0,7	0,0	0,9	0,2	0,9	0,1	0,9	0,2	0,9	0,3	1,3	0,1	0,9	0,1	0,7	0,0	0,6	0,1	0,9	0,1	0,8	0,3	1,3	0,0	0,3	0,1	0,3	0,0
HP1317	ribosomal protein L23	0,6	0,1	1,2	0,2	1,0	N.D.	1,1	0,3	0,9	0,2	1,3	0,0	0,9	0,0	0,7	0,0	0,6	0,2	0,9	0,1	0,8	0,3	1,3	0,1	0,4	0,1	0,2	0,0
HP1318	ribosomal protein L4	0,6	0,0	1,1	0,2	0,9	0,1	1,1	0,2	0,9	0,3	1,2	0,1	0,8	0,1	0,7	0,0	0,6	0,1	0,8	0,2	0,9	0,4	1,2	0,1	0,3	0,1	0,2	0,0
HP1319	ribosomal protein L3	0,6	0,1	0,9	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	0,8	0,2	1,1	0,0	0,9	0,1	0,7	0,0	0,7	0,2	0,9	0,2	1,1	0,5	1,1	0,0	0,5	0,1	0,3	0,0
HP1320	ribosomal protein S10	0,5	0,0	1,2	0,2	1,1	0,2	1,2	0,1	0,9	0,2	1,1	0,0	0,9	0,1	0,7	0,0	0,8	0,3	0,9	0,1	1,6	1,0	1,0	0,0	0,6	0,2	0,5	0,1
HP1321	conserved hypothetical ATP-binding protein	1,2	0,0	1,2	0,2	1,2	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1
HP1322	hypothetical protein	1,1	0,2	0,8	0,2	1,2	0,0	1,1	0,1	0,9	0,2	1,7	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	0,5	0,2	0,7	0,3	1,0	0,0	1,8	0,3	1,1	0,0	1,3	0,3
HP1323	ribonuclease HII	1,2	0,1	1,1	0,2	1,1	0,0	1,2	0,3	1,0	0,3	1,1	0,2	0,9	0,1	0,6	0,1	0,8	0,2	1,1	0,1	1,2	0,3	1,1	0,0	1,4	0,4	1,4	0,3
HP1324	hypothetical protein	1,3	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	0,9	0,3	1,2	0,1	0,9	0,1	0,6	0,0	0,7	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	0,9	0,2	1,2	0,3
HP1325	fumarase	1,2	0,1	0,9	0,2	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,4	1,4	0,2	1,0	0,1	0,7	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2	1,1	0,2	1,0	0,0	1,1	0,2	1,4	0,3
HP1326	hypothetical protein	2,4	0,1	0,7	0,3	3,5	0,2	1,0	0,2	3,1	2,9	1,5	0,1	1,2	0,2	0,6	0,0	0,5	0,1	0,8	0,2	0,3	0,1	1,0	0,1	1,8	0,5	5,0	1,4
HP1327	hypothetical protein	1,9	0,0	1,4	0,4	1,7	0,0	1,1	0,2	2,3	1,8	1,2	0,0	0,8	0,1	0,8	0,1	0,6	0,1	0,9	0,1	0,7	0,0	1,0	N.D.	1,4	0,3	1,5	0,4
HP1328	cation efflux system protein	1,1	0,1	1,1	0,1	1,2	0,2	1,2	0,2	1,3	0,5	1,3	0,0	0,9	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	1,1	0,0	0,9	0,0	0,9	N.D.	0,8	0,0	1,0	0,3
HP1329	cation efflux system protein	0,9	0,2	0,9	0,1	1,1	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	1,0	0,0	1,1	0,1	0,8	0,0	0,8	0,1	1,0	0,1	0,7	0,1	1,0	0,0	0,9	0,2	1,2	N.D.
HP1330	conserved hypothetical integral membrane protein	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	N.D.	0,8	0,0	0,7	0,1	0,8	0,1	0,6	0,0	1,1	N.D.	0,6	0,1	0,6	0,0
HP1331	conserved hypothetical integral membrane protein	0,7	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	1,0	0,2	0,9	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,6	0,0	1,2	N.D.	0,6	0,2	0,4	0,0
HP1332	co-chaperone and heat shock protein	0,7	0,1	1,1	0,3	1,1	N.D.	0,9	0,0	0,9	0,2	1,0	0,1	0,8	0,1	0,8	0,0	0,7	0,0	1,2	0,1	0,7	0,0	0,9	N.D.	0,7	0,1	0,7	N.D.
HP1333	hypothetical protein	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	N.D.	1,2	0,3	1,0	0,2	1,0	0,0	1,0	0,1	0,8	0,0	0,8	0,1	0,8	0,1	0,6	0,0	1,1	N.D.	0,7	0,6	0,8	0,1
HP1334	hypothetical protein	4,8	0,4	1,2	0,2	1,6	0,1	0,7	0,2	0,8	0,1	0,9	0,2	1,3	0,2	1,5	0,1	1,0	0,3	1,0	0,1	0,7	0,4	0,6	N.D.	1,2	0,5	2,7	1,1
HP1335	conserved hypothetical protein	0,6	0,0	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	0,8	0,3	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,3	0,2	0,9	0,3	0,5	0,1
HP1336	hypothetical protein	0,8	0,2	1,1	0,2	0,9	0,0	1,1	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	1,1	0,1	0,8	0,1	0,9	0,0	1,3	0,2	1,0	0,3	0,9	0,2
HP1337	conserved hypothetical protein	0,6	0,0	1,0	0,1	0,7	0,1	1,0	0,0	0,9	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	0,8	0,0	0,8	0,0	1,0	0,1	0,7	0,0	0,9	N.D.	0,8	0,2	0,8	0,1
HP1338	conserved hypothetical protein	0,6	0,0	1,2	0,1	0,6	0,0	1,2	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,7	0,2	1,1	0,1	1,7	0,4	1,2	0,2	1,6	0,3	1,0	0,1
HP1339	biopolymer transport protein	0,9	0,0	1,1	0,2	0,7	0,1	1,1	0,0	0,7	0,2	0,9	0,1	0,8	0,3	0,9	0,1	2,3	0,4	1,3	0,3	2,0	0,3	1,1	0,1	1,9	0,4	0,9	0,0
HP1340	biopolymer transport protein	0,9	0,1	1,1	0,1	0,8	0,0	1,1	0,1	0,8	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	0,8	0,0	2,1	0,2	1,0	0,2	1,5	0,2	1,0	0,0	1,7	0,3	0,5	0,0
HP1341	siderophore-mediated iron transport protein	0,7	0,1	1,2	0,1	0,7	0,1	1,1	0,1	0,7	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1	1,7	0,2	0,9	0,1	1,3	0,0	1,0	N.D.	1,2	0,1	0,7	0,1
HP1342	outer membrane protein	1,6	0,1	N.D.	N.D.	1,5	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,3	1,3	0,2	1,3	0,2	0,8	0,0	0,7	0,1	0,8	0,2	0,7	0,1	0,9	0,1	0,8	0,2	1,3	0,3
HP1343	conserved hypothetical integral membrane protein	1,1	0,1	1,1	0,2	1,3	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	1,6	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	0,8	0,0	1,0	0,1	1,2	0,2	1,5	0,4
HP1344	magnesium and cobalt transport protein	1,0	0,1	0,9	0,0	1,3	0,0	1,2	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	0,8	0,0	0,8	0,1	0,9	0,0	1,0	0,0	1,0	0,2	1,3	0,1
HP1345	phosphoglycerate kinase	1,5	0,2	0,9	0,2	1,3	0,2	0,9	0,2	0,9	0,2	1,3	0,0	1,1	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	1,0	0,0	0,7	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,6	0,3
HP1346	glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	0,9	0,2	1,0	0,0	1,1	0,1	0,9	0,0	0,8	0,1	0,8	0,2	0,8	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,7	0,4
HP1347	uracil-DNA glycosylase	1,4	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	1,1	0,2	1,1	0,3	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,0	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	N.D.	1,2	0,1	1,1	0,2
HP1348	1-acyl-glycerol-3-phosphate acyltransferase	0,7	0,1	0,9	0,1	1,0	N.D.	1,1	0,2	1,0	0,3	1,0	0,0	0,9	0,1	1,2	0,0	0,9	0,1	0,8	0,2	0,9	0,0	1,1	N.D.	0,9	0,2	0,8	0,1
HP1349	hypothetical protein	0,5	0,1	0,9	0,1	0,8	0,2	0,9	0,1	1,0	0,4	1,1	0,2	0,9	0,0	1,0	0,0	1,0	0,0	1,0	0,1	0,7	0,0	0,9	N.D.	0,6	0,1	0,8	0,1
HP1350	protease	0,7	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,8	0,0	0,8	0,1	0,9	0,0	1,4	0,2	0,9	0,1	1,4	0,4	1,0	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1
HP1351	hypothetical protein	0,8	0,0	0,8	0,3	1,0	0,1	0,9	0,2	1,1	0,3	1,0	0,0	1,0	0,0	1,1	0,0	1,2	0,1	0,8	0,2	0,8	0,1	1,1	N.D.	0,8	0,1	1,0	0,3
HP1352	adenine specific DNA methyltransferase	1,3	0,2	1,0	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	1,1	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	0,7	0,2	1,2	0,2	0,8	0,2	1,4	0,3
HP1353	hypothetical protein	0,7	0,0	N.D.	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,1	0,0	1,0	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	1,2	0,1	0,9	0,2	1,0	0,0	0,8	0,1	0,8	0,1
HP1354	putative adenine specific DNA methyltransferase	1,3	0,1	1,1	0,1	1,3	0,1	1,3	0,2	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,0	1,0	0,2	1,1	0,2
HP1355	nicotinate-nucleotide pyrophosphorylase	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,4	0,1	1,0	0,2	1,2	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,4	0,4	1,3	0,4	1,0	0,1	1,1	0,2
HP1356	quinolinate synthetase A	1,0	0,1	0,9	0,2	1,2	0,0	1,0	0,3	1,0	0,3	1,1	0,1	1,0	0,2	1,3	0,0	1,2	0,2	1,1	0,0	1,2	0,1	1,4	0,1	1,0	0,3	1,1	0,1
HP1357	phosphatidylserine decarboxylase proenzyme	1,0	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	1,0	0,3	1,0	0,2	1,2	0,2	1,0	0,0	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	0,8	0,1	1,0	N.D.	1,0	0,3	1,3	0,3
HP1358	hypothetical protein	1,1	0,1	0,8	0,2	1,3	0,1	0,8	0,2	1,0	0,2	1,1	0,2	1,1	0,2	1,1	0,0	1,1	0,2	0,9	0,1	1,2	0,3	1,0	0,1	1,0	0,2	1,2	0,1
HP1359	hypothetical protein	1,0	0,1	1,3	0,2	1,3	N.D.	1,4	0,3	0,9	0,2	1,0	0,0	0,9	0,2	1,2	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	1,1	0,2	1,0	N.D.	1,1	0,1	1,5	0,3
HP1360	4-hydroxybenzoate octaprenyltransferase	0,9	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	1,1	0,2	1,0	0,3	1,1	0,1	0,8	0,3	1,2	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,9	1,0	1,4	0,1	1,2	0,3	1,2	0,4
HP1361	competence locus E	1,0	0,1	1,1	0,5	1,1	N.D.	1,0	0,3	1,0	0,3	1,0	0,2	1,0	0,3	1,2	0,1	0,9	0,1	1,0	0,0	1,0	0,0	0,9	N.D.	1,0	0,1	0,8	N.D.
HP1362	replicative DNA helicase	0,7	0,2	1,0	0,1	0,8	0,1	1,2	0,2	0,8	0,2	1,1	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	0,9	0,0	0,8	0,2	1,2	0,2	1,3	0,2	1,1	0,2	1,1	0,3
HP1363	conserved hypothetical integral membrane protein	0,9	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,3	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,3	0,2	1,6	0,4	1,4	0,2
HP1364	signal-transducing protein, histidine kinase	0,9	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,3	0,2	1,0	0,2	0,9	0,1	0,8	N.D.	1,2	0,0	0,9	0,1	0,9	0,0	0,9	0,0	1,1	N.D.	0,9	0,4	1,0	0,2
HP1365	response regulator	0,9	0,0	1,3	0,2	1,0	0,1	1,4	0,2	1,0	0,3	0,8	0,0	0,9	0,1	1,2	0,0	1,3	0,1	0,9	0,1	1,0	0,0	1,0	N.D.	1,6	0,9	N.D.	N.D.
HP1366	type IIS restriction enzyme R protein	1,0	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,2	1,0	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	1,1	0,0	1,0	0,2	0,8	0,2	0,9	0,1	0,9	N.D.	0,8	0,1	1,5	N.D.
HP1367	type IIS restriction enzyme M1 protein	1,4	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	1,1	0,2	0,9	0,0	1,1	0,1	1,3	0,3	1,0	0,1	1,1	0,1	1,2	0,0	1,4	N.D.	1,2	0,0	0,9	0,1
HP1368	type IIS restriction enzyme M2 protein	1,0	0,1	0,9	0,1	1,2	0,0	0,8	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,3	0,0	0,9	0,1	1,0	0,0	1,3	0,1	0,9	N.D.	1,3	0,2	1,6	0,7
HP1369	no description available	1,7	N.D.	N.D.	N.D.	1,2	0,3	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,0	0,0	1,0	N.D.	0,9	0,1	1,0	N.D.	1,0	0,0	1,0	0,2	1,3	N.D.	0,9	0,1	1,0	N.D.
HP1370	type III restriction enzyme M protein	1,6	0,2	0,9	0,1	1,3	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	0,9	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	1,0	0,2	0,9	N.D.	1,2	0,1	1,2	0,1
HP1371	type III restriction enzyme R protein	0,8	0,1	0,8	0,2	0,7	0,0	0,9	0,3	1,0	0,2	0,8	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	1,0	0,1	0,9	N.D.	1,2	0,2	1,3	0,5
HP1372	rod shape-determining protein	0,7	0,1	0,9	0,2	0,9	0,0	0,8	0,2	1,0	0,3	1,1	0,0	1,0	0,1	1,1	0,0	0,8	0,2	1,4	0,3	1,0	0,3	1,2	0,1	0,8	0,2	0,9	0,1
HP1373	rod shape-determining protein	0,7	0,0	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	1,2	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	0,8	0,1	1,0	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	0,7	0,2	0,7	0,1
HP1374	ATP-dependent protease ATPase subunit	1,3	0,1	1,1	0,2	1,3	0,0	1,0	0,1	0,8	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,0	0,9	0,2	1,0	0,0
HP1375	UDP-N-acetylglucosamine acyltransferase	1,2	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	0,9	0,0	0,8	0,2	1,2	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,0	1,0	0,1	0,8	0,1	0,8	0,4	1,1	0,1
HP1376	(3R)-hydroxymyristoyl-(acyl carrier protein) dehydratase	1,2	0,1	0,9	0,1	1,2	0,0	0,9	0,1	0,8	0,2	1,0	0,2	0,9	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	1,1	0,2	1,9	0,5
HP1377	hypothetical protein	1,0	0,1	0,9	0,1	1,4	0,1	1,0	0,0	1,1	0,4	0,9	0,0	0,9	0,2	1,0	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,0	0,8	0,0	1,2	0,1	1,2	0,4
HP1378	competence lipoprotein	1,1	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	0,9	0,1	1,1	0,0	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1
HP1379	ATP-dependent protease	0,9	0,1	0,8	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,3	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	1,1	0,4	1,3	0,1
HP1380	prephenate dehydrogenase	1,1	0,2	1,1	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	1,2	0,4	1,1	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	1,2	0,2	1,4	0,1	0,9	0,4	0,8	0,2
HP1381	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,3	0,5	N.D.	N.D.	1,1	0,2	1,2	0,2	1,1	0,3	0,9	N.D.	1,0	0,4	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	N.D.	N.D.	N.D.	1,5	0,6	1,3	N.D.
HP1382	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,2	0,3	1,1	0,1	1,3	0,4	0,9	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	0,8	0,0	0,9	N.D.	0,9	0,1	0,6	N.D.
HP1383	restriction modification system S subunit	1,3	N.D.	0,9	0,1	1,4	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,3	N.D.	0,8	0,0	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	1,1	0,0	N.D.	N.D.
HP1384	hypothetical protein	1,1	N.D.	0,8	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	1,0	0,0	1,1	0,1	0,9	0,1	1,3	0,0	0,7	0,2	0,9	0,0	1,1	N.D.	1,1	0,0	1,2	N.D.
HP1385	fructose-1,6-bisphosphatase	0,8	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,2	0,0	1,0	0,4	0,8	0,1	1,1	0,3	0,9	0,1	0,7	0,2	1,3	0,3	1,1	0,2	1,4	0,1
HP1386	D-ribulose-5-phosphate 3 epimerase	0,7	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	0,9	0,0	1,0	0,0	1,3	0,4	1,0	0,0	1,7	0,7	0,8	0,0	0,9	0,2	0,8	0,1
HP1387	DNA polymerase III epsilon subunit	0,7	0,0	1,2	0,3	0,9	0,1	1,3	0,3	1,1	0,2	0,8	0,0	0,9	0,1	1,2	0,1	1,2	0,4	0,8	0,1	1,0	0,0	1,1	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1
HP1388	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,1	0,3	1,2	0,2	1,2	N.D.	0,7	0,2	1,3	0,4	0,8	0,1	0,9	0,2	1,0	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.
HP1389	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,8	0,4	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	0,4	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	0,9	0,0	1,4	0,0	0,8	0,2	1,3	0,1	N.D.	N.D.	1,5	0,3	1,1	N.D.
HP1390	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,4	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	0,8	1,1	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	0,0	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	0,8	N.D.	N.D.	N.D.	1,3	N.D.	1,2	0,1
HP1391	hypothetical protein	2,1	0,2	1,1	0,1	0,4	0,0	0,9	0,1	1,3	0,4	0,7	0,0	0,8	0,3	1,5	0,2	1,8	0,1	0,9	0,1	1,9	0,1	1,8	N.D.	0,5	0,1	1,7	0,2
HP1392	fibronectin/fibrinogen-binding protein	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,2	1,0	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,1	0,9	N.D.	0,8	0,1	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.
HP1393	DNA repair protein	1,2	0,2	1,1	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	0,8	0,1	1,2	0,1	1,1	0,1	1,5	0,4	1,3	0,2	1,6	0,3	0,9	0,1	0,9	0,2
HP1394	conserved hypothetical protein	0,9	0,0	1,2	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,2	0,0	0,8	0,1	1,0	0,0	1,1	0,1	0,9	0,1	0,8	0,0	1,0	N.D.	0,8	0,0	0,6	0,0
HP1395	outer membrane protein	1,4	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	0,9	0,1	1,1	0,4	1,3	0,1	1,0	0,1	0,8	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	0,7	0,2	1,5	0,2	0,8	0,1	1,2	0,1
HP1396	hypothetical protein	1,2	0,1	0,8	0,1	1,3	0,0	1,1	0,1	0,9	0,1	0,7	0,0	1,1	0,3	0,9	0,1	1,0	0,3	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	3,0	0,3
HP1397	hypothetical protein	1,4	0,1	1,0	0,1	1,4	0,0	1,0	0,0	1,0	0,2	1,0	0,2	1,2	0,3	1,1	0,0	1,1	0,1	0,6	0,2	1,0	0,3	1,1	0,3	1,0	0,2	3,5	0,8
HP1398	alanine dehydrogenase	1,2	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,3	1,0	0,2	0,8	0,2	0,8	0,1	0,8	0,2	0,9	0,1	1,1	0,0	0,9	0,1	1,1	0,3	1,8	0,3
HP1399	arginase	1,3	0,1	0,9	0,1	1,6	0,0	0,8	0,2	1,1	0,3	0,7	0,1	0,8	0,1	0,8	0,0	1,5	0,3	1,4	0,3	0,6	0,1	1,6	0,2	1,7	0,6	2,5	0,3
HP1400	iron(III) dicitrate transport protein	1,0	0,2	1,0	0,0	0,7	0,1	1,0	0,1	1,1	0,4	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	1,9	0,2	1,1	0,1	1,4	0,6	0,7	0,0	0,9	0,3	0,4	0,2
HP1401	conserved hypothetical protein	1,2	0,1	1,2	0,3	1,1	0,0	1,0	0,1	1,4	0,7	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,3	0,9	0,1	1,0	0,0	1,0	N.D.	1,5	0,5	1,8	0,3
HP1402	type I restriction enzyme R protein	1,3	0,3	0,9	0,2	1,3	0,2	0,8	0,1	1,2	0,5	1,3	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,0	0,8	0,0	0,8	N.D.	1,0	0,4	1,2	0,4
HP1403	type I restriction enzyme M protein	0,9	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	0,7	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,0	0,9	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	0,9	0,2
HP1404	type I restriction enzyme S protein	0,6	0,1	1,0	0,1	1,1	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	N.D.	1,1	0,1	1,3	0,1	1,2	0,3	0,8	0,0	N.D.	N.D.	1,3	0,5	1,3	N.D.
HP1406	biotin synthetase	0,6	0,0	1,0	0,2	0,8	N.D.	0,9	0,2	1,1	0,2	1,2	0,1	1,1	0,2	0,9	0,0	1,1	0,1	0,4	0,4	1,1	0,3	1,3	0,1	0,7	N.D.	0,9	0,1
HP1407	conserved hypothetical integral membrane protein	0,7	0,1	1,0	0,1	1,1	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	1,1	0,3	1,1	0,0	0,8	0,2	0,9	0,0	1,2	0,2	1,1	0,1	1,0	0,3	1,1	0,1
HP1408	hypothetical protein	1,2	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,2	1,0	0,2	1,1	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,8	0,0	0,7	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.
HP1409	hypothetical protein	0,9	0,2	N.D.	N.D.	1,3	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,6	0,8	0,1	1,4	0,2	0,8	0,0	1,1	0,2	1,1	0,1	0,7	0,1	0,8	0,1	1,8	0,6	4,3	1,3
HP1410	hypothetical protein	0,8	0,0	N.D.	N.D.	1,3	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,5	0,8	0,0	1,3	0,2	0,9	0,0	1,1	0,2	1,1	0,1	0,7	0,1	0,7	N.D.	1,5	0,6	4,9	1,6
HP1411	hypothetical protein	0,8	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,4	0,9	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,2	0,2	0,8	0,0	0,8	0,2	1,2	0,2	2,3	0,8
HP1412	hypothetical protein	1,1	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	0,8	0,0	1,2	0,4	0,6	0,0	0,7	N.D.
HP1413	conserved hypothetical protein	1,3	0,1	0,8	0,2	1,1	0,0	1,0	0,0	1,0	0,2	1,2	0,0	1,1	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1	1,3	0,0	1,0	N.D.	1,0	0,1	1,3	0,1
HP1414	conserved hypothetical protein	1,6	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,3	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,3	0,2	1,0	0,0	1,1	0,0	1,1	N.D.	1,2	0,0	1,6	0,3
HP1415	tRNA delta(2)-isopentenylpyrophosphate transferase	1,1	0,1	1,2	0,1	N.D.	N.D.	1,3	0,2	1,0	0,2	0,9	0,0	0,9	0,0	1,2	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	1,4	0,1	1,0	N.D.	1,2	0,0	1,0	N.D.
HP1416	lipopolysaccharide 1,2-glucosyltransferase	1,2	0,1	1,2	0,2	1,2	0,1	1,1	0,3	1,0	0,3	1,2	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	1,3	0,1	1,3	N.D.	1,3	0,2	1,3	0,4
HP1417	conserved hypothetical protein, authentic frameshift	1,4	0,1	N.D.	N.D.	1,4	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,1	0,0	1,0	0,1	1,0	0,0	1,0	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1	1,3	N.D.	1,2	0,1	1,3	0,1
HP1418	UDP-N-acetylenolpyruvoylglucosamine reductase	1,1	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	0,8	0,3	1,2	0,1	1,0	0,2	1,2	0,1	0,8	0,1	1,0	0,0	1,4	0,1	1,0	0,0	1,1	0,4	1,2	0,3
HP1419	flagellar basal body protein involved in export (*fliQ*)	1,0	N.D.	1,0	0,1	1,1	N.D.	0,9	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,0	0,8	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	1,2	N.D.	1,1	0,2	1,3	0,1
HP1420	flagella-associated ATPase (*fliI*)	1,3	0,2	1,1	0,2	1,3	0,1	1,2	0,3	0,9	0,3	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	0,6	0,1	0,9	0,1	1,5	0,2	1,1	N.D.	1,0	0,2	0,9	0,2
HP1421	conjugative transfer regulon protein	0,8	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,0	0,7	0,1	1,0	0,0	1,3	0,2	1,0	0,0	0,9	0,3	0,8	0,1
HP1422	isoleucyl-tRNA synthetase	0,8	0,1	0,9	0,2	0,9	0,2	1,0	0,4	0,8	0,1	0,8	N.D.	1,0	0,1	0,9	0,0	0,8	0,1	1,2	0,2	0,9	0,0	0,9	0,0	0,9	0,2	1,1	0,1
HP1423	conserved hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,2	0,2	1,0	0,0	1,0	0,2	0,9	0,2	1,0	0,3	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,0	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	1,8	N.D.
HP1424	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,2	0,1	0,8	N.D.	1,1	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	1,2	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	1,0	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1
HP1425	hypothetical protein	1,4	0,1	1,0	0,2	1,5	0,2	0,9	0,2	0,9	0,2	0,9	0,1	1,5	0,6	1,0	0,2	1,1	0,2	0,8	0,1	1,4	0,4	2,0	N.D.	1,5	0,3	1,5	0,3

HP1426	conserved hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,2	0,6	0,1	0,9	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,3	0,9	0,1	1,1	0,0	1,1	N.D.	1,2	0,1	1,2	N.D.
HP1427	histidine-rich, metal binding polypeptide	1,4	0,2	0,8	0,3	1,1	0,1	1,1	0,5	1,8	0,7	1,9	0,2	1,0	0,1	0,7	0,1	1,5	0,1	1,0	0,0	0,7	0,1	2,5	0,5	1,9	0,4	4,3	1,2
HP1428	conserved hypothetical protein	0,7	N.D.	1,8	0,4	0,9	0,4	1,2	0,2	1,2	0,9	0,9	0,0	0,9	0,1	1,4	0,1	1,1	0,2	0,9	0,0	1,7	0,3	1,3	N.D.	0,6	0,3	0,4	0,1
HP1429	polysialic acid capsule expression protein	0,7	0,1	1,2	0,2	0,7	0,1	1,1	0,1	1,1	0,6	0,8	0,0	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	1,7	0,3	1,0	0,0	0,8	0,2	0,4	0,1
HP1430	conserved hypothetical ATP-binding protein	0,7	0,0	1,3	0,2	0,8	0,1	1,2	0,2	1,0	0,5	0,8	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,0	1,4	0,2	1,0	0,0	0,8	0,3	0,5	0,1
HP1431	16S rRNA (adenosine-N6,N6-)-dimethyltransferase	1,6	0,1	1,3	0,3	1,6	0,0	1,0	0,2	1,2	0,5	1,0	0,2	0,9	0,2	1,3	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	1,3	0,5	1,2	0,1	1,1	0,5	0,7	0,3
HP1432	histidine and glutamine-rich protein	2,1	0,2	1,4	1,1	0,3	0,0	1,8	0,9	2,7	1,8	1,0	0,3	0,6	0,1	0,5	0,0	4,1	0,9	0,9	0,1	3,3	0,8	0,7	0,2	5,0	1,7	7,7	0,6
HP1433	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	0,2	1,1	0,0	0,8	0,2	0,9	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	0,0	1,2	N.D.
HP1434	formyltetrahydrofolate hydrolase	1,1	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	1,1	0,1	0,9	0,0	1,1	N.D.	1,0	0,0	0,8	0,1
HP1435	protease IV	1,0	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,2	0,2	1,0	0,1	0,8	0,0	1,4	0,2	1,0	0,1	1,3	0,1	1,1	0,0	1,2	0,1	1,1	0,2
HP1436	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,2	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,2	1,1	0,2	1,1	0,1	1,0	N.D.	1,1	0,1	1,2	0,4	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,2	N.D.	1,1	0,3	N.D.	N.D.
HP1437	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	0,2	1,2	0,1	1,1	N.D.	1,0	0,0	1,1	N.D.	0,8	0,1	1,9	0,9	0,8	N.D.	1,0	0,2	0,9	N.D.
HP1438	conserved hypothetical lipoprotein	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,3	0,9	N.D.	0,9	N.D.	0,8	0,0	0,8	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,0	N.D.
HP1439	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,3	0,4	0,6	N.D.	0,9	N.D.	1,0	0,1	1,2	N.D.	0,9	0,0	1,0	0,0	0,8	N.D.	0,9	0,2	0,7	N.D.
HP1440	Hyp.	1,8	0,0	1,3	0,1	0,4	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	0,7	0,0	0,7	0,1	1,9	0,1	3,0	1,0	1,1	0,1	2,8	0,2	5,6	N.D.	0,6	0,1	0,9	0,2
HP1441	peptidyl-prolyl cis-trans isomerase B, cyclosporin-type rotamase	0,5	0,1	1,0	0,1	1,2	0,0	1,2	0,1	0,9	0,2	1,1	0,0	1,0	0,2	0,8	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	1,1	0,2	1,0	0,2
HP1442	carbon storage regulator	0,6	0,0	0,9	0,2	1,3	0,2	1,1	0,2	0,9	0,1	1,0	0,0	1,0	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	0,6	0,2	0,9	0,1	0,7	N.D.	1,3	0,3	1,1	0,2
HP1443	conserved hypothetical protein	0,5	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,2	0,1	0,9	0,2	1,3	0,0	1,0	0,2	1,2	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	0,7	0,2
HP1444	small protein	1,0	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	1,1	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	0,8	0,1	1,2	0,1	1,2	0,0
HP1445	biopolymer transport protein	0,6	0,1	0,9	0,3	1,0	0,0	1,2	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	0,9	0,3	0,9	0,0	1,1	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	1,4	0,1	1,0	0,4	0,9	0,2
HP1446	biopolymer transport protein	0,5	0,0	1,0	0,2	0,9	0,1	1,1	0,0	0,9	0,2	0,9	0,1	0,9	0,2	1,0	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	1,3	0,2	0,8	0,0	1,0	0,4
HP1447	ribosomal protein L34	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,0	1,0	0,1	0,9	0,2	1,1	0,4	1,0	0,1	1,0	0,0	1,5	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	2,3	1,5	0,8	0,1	0,6	0,0
HP1448	ribonuclease P, protein component	1,1	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,3	1,0	0,4	0,9	0,0	0,8	0,1	1,0	0,1	1,5	0,2	1,1	0,2	1,6	0,9	0,8	N.D.	0,6	0,2	0,4	0,1
HP1449	conserved hypothetical protein	0,8	0,1	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,2	0,9	0,4	0,7	0,1	0,7	0,1	1,1	0,1	1,4	0,2	0,9	0,0	1,3	0,5	0,8	N.D.	0,8	0,3	0,6	0,1
HP1450	60 kDa inner-membrane protein	0,9	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	0,8	0,3	1,0	0,0	0,8	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,2	1,1	0,3	1,0	0,1	0,8	0,2	0,9	0,0
HP1451	hypothetical protein	1,2	0,1	0,9	0,1	1,3	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,5	0,2	0,8	0,1	0,8	0,1
HP1452	no description available	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	0,9	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,0	1,1	0,1	1,0	0,0	1,0	N.D.	0,9	0,1	1,1	0,1
HP1453	conserved hypothetical protein	1,3	0,1	1,0	0,0	1,3	0,0	1,1	0,1	1,1	0,3	1,0	0,0	1,0	0,1	1,0	0,0	0,8	0,0	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	N.D.	1,0	0,1	1,2	0,1
HP1454	hypothetical protein	1,3	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	1,2	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,5	0,2	1,7	0,2
HP1455	hypothetical protein	0,8	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	1,2	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,7	0,5	1,7	0,5
HP1456	membrane-associated lipoprotein	0,9	0,0	1,0	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	0,8	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	0,8	0,0	1,2	0,3	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	1,3	0,4	1,5	0,2
HP1457	hypothetical protein	0,6	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	1,0	0,0	1,0	0,2	0,9	0,1	1,4	0,1	0,9	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	1,4	0,4	1,7	0,5
HP1458	thioredoxin	1,2	0,1	0,7	0,2	0,7	0,1	0,5	0,2	1,2	0,2	1,8	0,1	1,3	0,3	0,8	0,0	1,8	0,4	1,7	0,6	1,2	0,5	1,1	0,1	1,7	0,4	2,3	0,5
HP1459	conserved hypothetical protein	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,0	1,0	0,2	1,0	0,0	1,0	0,2	1,1	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,1	0,3	1,2	0,2	1,1	0,2	1,1	0,4
HP1460	DNA polymerase III alpha-subunit	0,9	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,2	0,0	0,9	0,2	1,0	0,0	1,0	0,1	1,0	0,0	0,9	0,2	1,0	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	N.D.	1,4	0,2
HP1461	cytochrome c551 peroxidase	1,1	0,1	0,9	0,0	2,2	0,1	1,0	0,1	1,3	0,5	1,3	0,0	1,6	0,5	0,9	0,0	0,5	0,1	1,1	0,1	0,5	0,0	1,7	0,1	0,4	0,1	0,2	0,1
HP1462	secreted protein involved in motility	0,8	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,0	1,0	0,1	1,1	0,0	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,0	1,2	0,1	1,0	0,0	1,0	0,2
HP1463	hypothetical protein	1,3	0,1	1,0	0,1	1,2	0,0	1,1	0,1	1,0	0,3	1,2	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,4	0,2	2,3	0,1	1,0	0,1
HP1464	conserved hypothetical secreted protein	0,9	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,0	0,8	0,2	1,1	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,2	0,1	1,2	N.D.	0,9	0,0	1,2	0,2
HP1465	ABC transporter, ATP-binding protein	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,8	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,6	0,1	1,4	0,2	1,2	0,3	1,0	0,0
HP1466	conserved hypothetical integral membrane protein	1,2	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	1,2	0,0	0,8	0,1	1,2	0,1	1,3	0,3	1,1	0,1	1,5	0,1	1,0	N.D.	1,2	0,1	1,2	0,2
HP1467	hypothetical protein	1,3	0,2	1,0	0,2	1,1	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,0	1,4	0,1	0,9	N.D.	1,1	0,3	0,9	0,2
HP1468	branched-chain-amino-acid aminotransferase	1,1	N.D.	0,9	0,0	1,4	0,0	1,1	0,1	0,9	0,3	0,9	0,0	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,4	0,2	0,6	0,0	1,1	0,3	0,6	0,1
HP1469	outer membrane protein	1,6	0,1	1,0	0,1	1,6	0,1	1,2	0,1	1,1	0,3	1,0	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,3	0,3	1,1	0,1	0,8	0,1	0,8	0,1	2,6	0,7	0,8	0,1
HP1470	DNA polymerase I	1,2	0,2	1,0	0,1	1,1	0,2	1,1	0,2	1,0	0,2	1,2	0,1	0,9	0,1	1,1	0,0	1,1	0,1	0,9	0,0	1,1	0,0	1,0	0,0	1,1	0,2	1,1	0,1
HP1471	type IIS restriction enzyme R protein	0,7	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	1,3	0,7	1,0	0,0	1,1	0,1	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1
HP1472	type IIS restriction enzyme M protein	0,8	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	1,0	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1
HP1473	hypothetical protein	0,6	0,1	1,1	0,3	1,0	N.D.	1,1	0,2	1,1	0,4	1,0	0,1	1,1	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,0	0,9	N.D.	1,1	0,3	1,0	N.D.
HP1474	thymidylate kinase	N.D.	N.D.	0,8	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,3	0,9	0,3	1,1	0,0	1,1	N.D.	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	1,1	N.D.	1,0	0,3	0,6	N.D.
HP1475	lipopolysaccharide core biosynthesis protein	1,6	1,2	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,2	0,9	0,3	1,1	0,0	1,0	0,2	1,2	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	0,0	1,0	N.D.	0,9	0,3	1,0	0,2
HP1476	phenylacrylic acid decarboxylase	0,5	0,0	0,9	0,1	0,8	0,0	0,9	0,1	0,9	0,3	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	1,0	0,0	1,3	N.D.	0,9	0,3	1,1	0,2
HP1477	hypothetical protein	0,7	0,1	0,9	0,2	1,1	N.D.	0,9	0,1	1,0	0,3	0,9	0,1	1,0	0,1	1,3	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,2	0,0	1,0	0,2	1,3	N.D.
HP1478	DNA helicase II	0,6	N.D.	0,8	0,3	N.D.	N.D.	1,0	0,1	0,9	0,3	1,1	0,0	1,1	0,2	1,3	0,1	1,0	0,0	1,1	0,2	1,2	0,0	1,3	0,0	1,1	0,0	0,9	N.D.
HP1479	hypothetical protein	1,3	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,0	0,2	1,2	0,0	1,0	0,1	1,1	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	1,0	N.D.	1,0	0,2	1,2	0,1
HP1480	seryl-tRNA synthetase	1,1	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,3	1,2	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1
HP1481	hypothetical protein	1,1	0,1	0,9	0,2	1,3	0,0	0,9	0,2	1,1	0,3	1,0	0,1	0,8	0,2	1,2	0,1	1,1	0,1	0,9	0,0	1,2	0,1	1,1	0,2	1,1	0,3	0,7	0,1
HP1482	hypothetical protein	1,0	N.D.	0,7	0,3	1,3	N.D.	1,1	0,1	0,9	0,2	0,8	0,0	0,8	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,0	0,8	N.D.	0,8	0,1	0,7	0,1
HP1483	gerC2 protein	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,0	0,9	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,4	0,4	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	0,5	0,0
HP1484	conserved hypothetical integral membrane protein	1,1	0,2	1,1	0,1	1,2	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	0,9	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	1,2	0,1	1,2	0,1	1,1	0,2	1,2	0,3
HP1485	conserved hypothetical protein	1,3	N.D.	1,0	0,1	1,1	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,4	1,1	0,0	0,9	0,1	1,3	0,1	1,2	0,1	0,9	0,0	1,3	0,1	0,8	N.D.	1,7	0,4	0,7	0,1
HP1486	conserved hypothetical integral membrane protein	1,1	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	1,2	0,2	0,9	0,3	1,0	0,0	0,9	0,2	1,4	0,1	1,1	0,0	1,0	0,0	1,2	0,0	1,3	N.D.	1,0	0,2	1,0	0,1
HP1487	conserved hypothetical integral membrane protein	0,6	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	0,8	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	0,9	0,2	1,1	0,2	1,4	0,5	1,1	N.D.	0,9	0,2	0,7	0,1
HP1488	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP1489	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP1490	conserved hypothetical protein	0,6	0,0	1,0	0,1	0,8	0,1	1,2	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	0,8	0,1	1,2	0,1	1,2	0,1	1,1	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	1,4	0,3	0,8	0,0
HP1491	phosphate permease	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	1,1	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1
HP1492	conserved hypothetical nifU-like protein	1,0	N.D.	0,8	0,2	0,8	0,1	0,8	0,1	0,8	0,2	1,2	0,2	1,0	0,1	1,1	0,2	1,2	0,4	0,8	0,1	1,4	0,1	1,1	N.D.	1,0	0,1	0,8	0,0
HP1493	hypothetical protein	0,6	0,0	1,1	0,1	0,9	0,0	1,1	0,1	0,8	0,2	0,8	0,0	0,9	0,1	1,2	0,1	1,3	0,2	0,8	0,1	1,4	0,0	1,2	N.D.	1,0	0,2	0,7	0,1
HP1494	UDP-MurNac-tripeptide synthetase	N.D.	N.D.	0,8	0,5	0,6	0,1	1,3	0,2	0,8	0,3	1,0	0,0	0,9	0,1	1,6	0,1	1,4	0,1	0,9	0,1	1,6	0,2	1,0	N.D.	1,3	0,3	1,1	0,3
HP1495	transaldolase	1,1	0,1	1,2	0,2	0,8	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	1,1	0,0	1,3	0,0	0,8	0,1	1,3	0,2	1,7	0,5	1,0	0,1	0,9	0,1
HP1496	general stress protein	1,0	0,1	1,0	0,3	1,1	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	1,2	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	0,9	0,0	0,7	0,0	1,3	0,1	0,8	0,2	0,8	0,0
HP1497	peptidyl-tRNA hydrolase	0,9	0,1	1,1	0,2	1,2	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	1,1	0,0	0,9	0,2	1,0	0,0	1,3	0,1	1,2	0,2	0,8	0,1	1,2	0,3	1,4	0,3	0,8	0,1
HP1498	hypothetical protein	1,2	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,3	0,2	1,0	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,3	0,3
HP1499	hypothetical protein	1,5	0,3	1,0	0,3	1,2	0,0	0,8	0,1	1,0	0,3	0,9	0,1	1,1	0,3	0,8	0,0	0,9	0,2	1,3	0,4	0,8	0,1	0,9	0,0	1,3	0,0	1,4	0,2
HP1500	hypothetical protein	1,6	0,2	1,1	0,2	1,7	N.D.	1,0	0,1	1,2	0,3	1,0	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	0,8	0,0	1,3	0,3	0,9	0,0	0,9	N.D.	0,9	0,3	0,9	0,3
HP1501	outer membrane protein	1,4	0,1	1,1	0,1	1,3	0,0	1,0	0,1	0,9	0,2	1,1	0,3	0,9	0,2	1,1	0,2	1,4	0,3	0,9	0,0	0,9	0,1	0,9	0,0	2,0	0,6	1,1	0,1
HP1502	hypothetical protein	2,3	0,3	0,8	0,1	2,1	0,2	0,9	0,1	0,9	0,1	2,1	0,0	1,6	0,3	1,4	0,1	0,8	0,2	0,8	0,1	0,5	0,3	1,8	0,3	0,9	0,1	0,8	0,0
HP1503	cation-transporting ATPase, P-type	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,0	0,9	0,2	1,0	0,2	0,9	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	N.D.	1,0	0,0	1,2	0,4
HP1504	conserved hypothetical protein	0,8	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	1,0	0,0	0,9	0,2	1,0	0,1	0,8	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1
HP1505	riboflavin biosynthesis protein	0,5	0,1	0,8	0,1	0,8	0,0	1,0	0,0	0,9	0,2	0,9	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,6	0,1	0,9	0,0	1,2	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,3
HP1506	glutamate permease	0,8	0,0	1,1	0,1	0,7	0,1	1,1	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	0,8	0,1	0,8	0,1	0,8	0,0	0,8	0,1	1,0	N.D.	1,3	0,2	1,7	0,3
HP1507	conserved hypothetical ATP-binding protein	0,5	0,1	1,1	0,2	0,7	0,0	1,2	0,0	0,9	0,2	0,9	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	1,3	0,2	1,3	0,0	1,1	0,2	1,2	0,3
HP1508	ferrodoxin-like protein	0,5	0,0	1,3	0,2	0,6	0,1	1,2	0,1	0,8	0,3	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,4	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	1,1	0,2
HP1509	conserved hypothetical integral membrane protein	0,7	0,1	1,0	0,1	0,6	0,1	1,0	0,0	0,9	0,3	1,2	0,2	0,9	0,2	0,8	0,1	1,1	0,0	1,1	0,2	0,8	0,1	1,5	0,1	0,9	0,2	1,4	0,3
HP1510	conserved hypothetical protein	0,6	0,0	1,1	0,3	0,7	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,8	0,1	0,8	0,1	1,3	N.D.	1,1	0,1	1,7	0,4
HP1511	hypothetical protein	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,7	0,8	1,0	0,2	1,0	0,1	1,2	0,3	0,7	0,1	1,0	0,1	1,2	N.D.	1,2	0,1	1,2	N.D.
HP1512	no description available	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	1,0	0,0	1,4	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,7	0,1	1,4	0,2	1,3	0,4
HP1513	selenocysteine synthase SelA, putative	1,1	0,1	1,2	0,2	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,1	0,2	1,5	0,2	0,9	0,1
HP1514	transcription termination factor NusA	1,1	0,0	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	1,1	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	0,9	0,1	0,6	0,3	0,4	0,1
HP1516	hypothetical protein	1,1	0,0	1,0	0,0	1,1	0,0	1,1	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	1,1	0,4	0,9	0,1	0,8	0,2	1,0	0,1	1,0	0,0	0,6	N.D.	1,2	0,2	1,0	0,1
HP1517	type IIS restriction enzyme R and M protein	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	0,9	0,0	1,2	0,1	1,1	0,0	1,0	0,2
HP1518	hypothetical protein	1,0	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	1,3	0,7	0,9	0,1	0,7	0,2	0,8	0,1	1,0	0,1	0,7	N.D.	1,0	0,1	2,4	1,8
HP1519	hypothetical protein	2,3	0,4	1,0	0,2	N.D.	N.D.	0,8	0,2	1,1	0,3	N.D.	N.D.	1,4	0,2	1,4	0,1	1,4	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	0,7	N.D.	1,2	0,4	1,0	N.D.
HP1520	hypothetical protein	1,4	0,0	1,2	0,2	1,2	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	1,1	0,0	1,3	0,0	1,1	0,1	1,0	N.D.	1,0	0,1	0,9	0,0	1,5	N.D.	1,2	0,0	1,3	0,2
HP1521	type III restriction enzyme R protein	1,4	0,3	0,9	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	1,4	0,2	1,7	0,4
HP1522	no description available	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP1523	DNA recombinase	1,4	0,2	1,1	0,2	1,2	0,0	1,1	0,1	1,0	0,2	1,2	0,2	1,0	0,1	1,1	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	1,2	0,0	1,0	N.D.	1,2	0,1	1,2	0,2
HP1524	hypothetical protein	1,9	0,0	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,3	1,0	0,2	1,2	0,2	1,1	0,3	1,2	0,0	1,6	0,4	0,9	0,1	0,8	0,2	1,4	0,4	1,0	0,3	1,4	0,4
HP1525	hypothetical protein	0,7	0,1	1,3	0,5	0,9	0,0	1,1	0,1	1,1	0,3	0,8	0,1	0,9	0,1	1,4	0,1	1,3	0,2	1,3	0,3	1,1	0,1	0,9	0,0	1,0	0,4	0,7	0,1
HP1526	exodeoxyribonuclease	0,6	0,0	1,2	0,2	0,6	0,1	0,9	0,1	0,8	0,3	1,0	0,2	1,0	0,2	1,2	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,7	0,1
HP1527	hypothetical protein	0,6	0,0	0,8	0,2	0,6	0,1	0,9	0,2	0,9	0,4	1,0	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1	0,8	0,1	1,0	0,2	0,7	0,1	1,4	0,4	0,9	0,4	1,5	1,0
HP1529	chromosomal replication initiator protein	0,7	0,0	1,3	0,3	0,7	0,1	1,1	0,1	1,0	0,3	0,9	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,5	0,5	1,2	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1
HP1530	purine nucleoside phosphorylase	0,5	0,0	1,2	0,2	0,6	0,0	1,1	0,2	0,9	0,3	1,1	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	1,7	0,7	1,0	0,2	1,0	0,3	0,7	0,1
HP1531	hypothetical protein	0,5	0,1	1,0	0,1	0,6	0,1	1,0	0,2	0,9	0,5	1,2	0,3	1,2	0,1	1,1	0,1	1,4	0,4	0,9	0,1	1,3	0,2	0,8	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,2
HP1532	glucosamine fructose-6-phosphate aminotransferase (isomerizing)	0,6	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,1	0,0	1,1	0,2	1,0	0,1	1,2	0,1	0,9	0,1	0,9	0,3
HP1533	conserved hypothetical protein	0,5	0,0	1,1	0,1	0,5	0,1	0,9	0,1	0,9	0,4	1,2	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1	1,2	0,3	1,2	0,2	1,1	0,2	1,2	0,2	0,9	0,2	0,6	0,1
HP1534	IS605 transposase	N.D.	N.D.	1,2	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,3	1,1	0,1	1,3	N.D.	1,1	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,3	0,3	1,0	N.D.	1,1	0,0	0,9	N.D.
HP1535	IS605 transposase	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	0,4	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	1,0	0,3	0,7	N.D.	1,0	0,1	1,3	0,3	1,4	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.
HP1537	hypothetical protein	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,3	1,3	0,4	N.D.	N.D.	1,0	0,0	1,3	0,4	0,9	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,0	0,9	N.D.	1,1	0,1	1,5	N.D.
HP1538	ubiquinol cytochrome c oxidoreductase, cytochrome c1 subunit	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,3	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,3	0,1	1,0	0,2	0,8	0,0	0,7	0,0	0,8	0,1	0,7	0,1	1,1	0,2	0,7	0,2	0,6	0,1
HP1539	ubiquinol cytochrome c oxidoreductase, cytochrome b subunit	1,0	0,1	0,8	0,2	1,3	0,2	0,9	0,2	1,1	0,4	1,1	0,2	1,0	0,1	0,9	0,0	0,6	0,1	0,8	0,1	0,6	0,1	1,0	0,0	0,7	0,3	0,8	0,0
HP1540	ubiquinol cytochrome c oxidoreductase, Rieske 2Fe-2S subunit	1,3	0,1	0,8	0,1	1,5	0,0	1,0	0,1	1,2	0,4	1,1	0,2	1,0	0,1	0,8	0,0	0,7	0,2	0,8	0,1	0,7	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1
HP1541	transcription-repair coupling factor	1,2	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,1	0,0	1,0	0,1	1,0	0,0	0,8	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	1,0	0,3	1,0	0,1
HP1542	hypothetical protein	1,5	0,1	0,9	0,1	1,4	0,3	1,0	0,2	1,0	0,2	1,5	0,4	1,1	0,1	1,1	0,1	0,9	0,0	0,7	0,1	0,8	0,1	1,4	0,4	1,4	0,1	1,7	0,2
HP1543	toxR-activated gene	1,3	0,0	1,3	0,2	1,3	0,2	1,3	0,3	1,1	0,3	1,2	0,1	1,3	0,1	1,3	0,1	0,7	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	1,0	0,0	1,8	0,0	2,5	0,6
HP1544	toxR-activated gene	1,5	0,1	0,8	0,2	1,2	0,1	0,9	0,1	1,1	0,3	1,2	0,2	1,0	0,1	1,6	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,5	0,1	1,2	0,3	1,3	0,1
HP1545	folylpolyglutamate synthase	1,4	0,2	1,0	0,1	1,2	0,2	0,9	0,1	1,0	0,4	1,2	0,0	1,0	0,2	1,3	0,0	1,2	0,1	0,7	0,1	0,9	0,1	1,3	N.D.	0,9	0,1	1,0	0,3
HP1546	hypothetical protein	0,6	0,0	1,2	0,1	0,8	0,1	1,0	0,2	1,0	0,3	0,9	0,1	1,0	0,3	1,2	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	1,3	0,3	1,0	0,1	0,8	0,1
HP1547	leucyl-tRNA synthetase	0,7	0,0	1,1	0,1	0,7	0,1	1,1	0,1	0,9	0,3	0,9	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	1,3	0,3	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,0
HP1548	conserved hypothetical integral membrane protein	0,9	0,0	1,0	0,2	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,0	1,0	0,3	0,9	0,0	0,8	0,1	1,1	0,2	1,1	0,2	1,4	0,2	1,1	0,3	1,1	0,2
HP1549	protein-export membrane protein	0,8	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,1	0,1	0,9	0,3	1,0	0,1	0,7	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	1,3	0,2	1,0	0,9	1,0	0,2
HP1550	protein-export membrane protein	0,6	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,4	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	0,8	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	1,2	0,1	1,1	0,1	1,2	0,5
HP1551	conserved hypothetical secreted protein	0,8	0,0	1,0	0,1	0,7	0,1	0,9	0,2	0,9	0,3	1,2	0,0	1,1	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	0,8	0,2	1,1	0,3	1,1	0,3	2,2	0,3
HP1552	Na+/H+ antiporter	0,9	0,0	1,0	0,2	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	1,0	0,0	1,1	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	1,3	0,0	1,0	0,1	1,0	0,2
HP1553	helicase	0,8	0,0	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,0	0,3	0,9	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,1	0,2	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,2
HP1554	ribosomal protein S2	0,6	0,0	1,0	0,1	1,1	0,1	1,2	0,3	1,0	0,2	1,1	0,2	0,8	0,3	1,0	0,0	0,7	0,1	0,9	0,1	0,7	0,1	1,4	0,2	0,9	0,2	0,9	0,1
HP1555	translation elongation factor EF-Ts	0,8	0,1	0,8	0,2	1,3	0,2	1,1	0,2	1,1	0,3	1,1	0,1	0,8	0,2	1,0	0,1	0,6	0,1	0,9	0,1	0,6	0,0	1,3	0,1	0,8	0,2	0,7	0,1
HP1556	cell division protein	1,3	0,1	1,0	0,1	1,2	0,0	1,0	0,1	1,1	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,5	1,0	0,0
HP1557	flagellar basal body protein (*fliE*)	1,6	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	1,0	0,2	1,1	0,2	1,3	0,3	1,5	0,1	1,1	0,3	0,8	0,0	0,9	0,3	1,1	0,2	1,0	0,2	2,2	0,4
HP1558	Flagellar rod protein (*flgG*)	1,0	0,1	0,8	0,2	1,1	0,1	0,9	0,2	1,4	0,3	1,3	0,2	1,6	0,4	1,7	0,1	1,1	0,1	0,7	0,1	1,3	0,2	1,2	0,2	0,6	0,2	1,9	0,3
HP1559	Flagellar rod protein (*flgB*)	1,1	0,2	1,0	0,2	1,2	0,1	1,0	0,1	1,6	0,3	1,7	0,1	2,3	0,7	2,3	0,1	1,4	0,4	0,6	0,2	1,6	0,4	1,3	0,1	0,6	0,2	3,9	0,9
HP1560	cell division protein	1,5	0,1	0,9	0,1	1,2	0,0	0,8	0,3	1,1	0,2	1,1	0,1	1,0	0,1	1,4	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,2	0,1	1,1	N.D.	1,2	0,2	1,1	0,1
HP1561	iron(III) ABC transporter, periplasmic iron-binding protein	1,2	0,2	1,0	0,0	0,7	0,1	0,9	0,1	0,7	0,1	0,9	0,1	1,0	0,3	0,8	0,1	1,1	0,2	0,8	0,0	0,8	0,2	0,9	0,2	1,4	0,5	1,8	0,5
HP1562	iron(III) ABC transporter, periplasmic iron-binding protein	0,7	0,0	1,0	0,1	0,6	0,1	0,9	0,1	0,8	0,4	0,8	0,1	1,0	0,2	0,7	0,1	1,1	0,2	1,1	0,2	0,8	0,2	0,9	0,1	1,4	0,5	1,6	0,7
HP1563	alkyl hydroperoxide reductase	0,6	0,0	0,9	0,2	0,4	0,0	0,7	0,1	1,3	0,4	1,3	0,4	0,8	0,0	0,7	0,1	1,3	0,1	1,3	0,3	0,8	0,1	1,5	0,2	1,8	0,6	2,9	1,2
HP1564	outer membrane protein	0,7	0,0	0,8	0,2	0,6	0,1	0,5	0,1	0,9	0,3	0,9	0,1	0,8	0,2	0,6	0,0	0,9	0,3	1,1	0,2	0,6	0,1	1,0	0,0	1,0	0,3	2,1	0,9
HP1565	penicillin-binding protein 2	0,7	0,0	1,1	0,1	0,8	0,1	1,2	0,1	1,0	0,2	0,9	0,1	1,0	0,0	1,0	0,1	0,9	0,1	1,3	0,3	0,9	0,1	1,1	N.D.	1,0	0,1	1,5	N.D.
HP1566	hypothetical protein	0,7	0,0	1,1	0,1	0,8	0,1	1,2	0,2	1,0	0,3	1,0	0,0	1,0	N.D.	0,8	0,1	0,9	0,1	1,2	0,3	1,0	0,1	1,1	N.D.	1,3	0,2	1,5	N.D.
HP1567	conserved hypothetical GTP-binding protein	0,8	0,0	1,0	0,1	0,7	0,1	1,0	0,2	1,0	0,3	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	1,0	0,0
HP1568	hypothetical protein	0,7	0,0	0,9	0,1	0,9	0,2	1,0	0,1	1,1	0,3	0,9	0,0	1,0	0,1	1,2	0,0	1,1	0,1	0,9	0,1	1,5	0,4	1,3	0,1	1,0	0,2	0,8	0,1
HP1569	hypothetical protein	0,7	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	1,1	0,1	0,9	0,3	1,0	0,0	1,0	0,0	1,1	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	N.D.	0,9	0,2	0,9	0,1
HP1570	conserved hypothetical protein	1,1	0,1	1,0	0,1	1,2	0,1	0,9	0,2	1,1	0,3	1,0	0,2	0,8	0,1	1,1	0,0	1,0	0,3	0,7	0,1	1,1	0,4	1,2	0,0	1,0	0,2	0,8	0,2

HP1571	rare lipoprotein A	1,2	0,1	1,2	0,1	1,2	0,1	1,3	0,1	1,0	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	1,3	0,3	0,8	0,1	1,6	0,5	1,1	0,1	1,1	0,1	1,3	0,1
HP1572	regulatory protein DniR	1,3	0,1	1,1	0,0	1,2	0,1	1,1	0,1	1,1	0,2	1,0	0,2	1,0	0,1	1,1	0,0	1,2	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	1,1	0,1	1,1	0,1
HP1573	conserved hypothetical protein	1,3	0,1	0,5	0,3	1,1	0,1	0,6	0,3	1,2	0,4	1,3	0,3	1,1	0,1	1,1	0,1	1,4	0,2	0,7	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	1,0	0,3	1,6	0,2
HP1574	riboflavin synthase alpha subunit	1,5	0,1	1,0	0,1	1,3	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,1	0,2	0,8	0,2	1,2	0,0	1,3	0,2	0,9	0,1	1,4	0,1	1,2	0,2	1,3	0,5	1,1	0,2
HP1575	homolog of FlhB protein basal body (*flhB2*)	1,4	0,0	0,9	0,1	1,4	0,2	1,0	0,1	1,0	0,3	0,9	0,0	0,9	0,2	1,5	0,2	1,4	0,1	0,9	0,1	1,6	0,4	1,1	0,1	1,0	0,2	1,0	0,3
HP1576	ABC transporter, ATP-binding protein	0,9	0,1	1,2	0,1	1,2	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	0,9	0,2	1,5	0,1	1,3	0,1	0,9	0,1	1,9	0,5	1,0	0,1	0,9	0,2	0,4	0,0
HP1577	ABC transporter, permease protein	1,3	0,1	0,9	0,2	1,1	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	1,0	0,0	0,9	0,2	1,0	0,0	1,2	0,1	0,8	0,0	1,0	0,2	0,9	0,1	1,4	0,1	1,4	0,3
HP1578	LPS biosynthesis protein	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	0,4	1,1	0,0	1,2	N.D.	1,1	0,2	1,0	0,0	0,9	0,1	1,3	0,3	1,3	N.D.	1,1	0,1	0,8	N.D.
HP1579	no description available	N.D.	N.D.	1,2	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,3	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP1580	hypothetical protein	0,9	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,2	0,2	0,9	0,0	0,9	0,1	1,3	0,1	0,8	0,1	0,9	0,1	1,3	0,3	1,0	0,1	1,1	0,3	0,7	0,2
HP1581	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP1582	no description available	N.D.	N.D.	1,2	0,3	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP1583	no description available	N.D.	N.D.	1,3	0,6	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HP1584	sialoglycoprotease	0,7	0,0	1,1	0,3	0,7	0,1	1,0	0,1	1,0	0,2	0,9	0,0	1,1	0,1	1,1	0,1	1,2	0,3	1,1	0,2	1,1	0,1	0,9	0,0	1,0	0,0	0,8	0,1
HP1585	Flagellar rod protein (*flgG*)	0,7	0,0	0,9	0,2	0,9	0,2	1,0	0,1	1,1	0,4	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	0,6	0,2	0,8	0,0	0,8	0,2	0,9	0,0	0,9	0,3	1,0	0,3
HP1586	hypothetical protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,1	1,2	0,3	0,6	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,8	0,1	0,7	0,0	0,9	0,0	0,7	N.D.	1,1	0,0	6,0	N.D.
HP1587	conserved hypothetical protein	0,7	0,0	1,1	0,2	0,6	0,1	1,1	0,2	0,9	0,4	0,7	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	1,4	0,2	1,2	0,3	1,2	0,1	0,9	0,2	1,4	0,0	1,4	0,7
HP1588	conserved hypothetical protein	1,5	0,1	0,7	0,1	1,4	0,1	1,2	0,3	1,2	0,5	1,1	0,0	1,2	0,3	0,7	0,1	1,7	0,7	0,9	0,0	0,9	0,5	1,0	0,4	2,6	1,0	3,6	1,5
HP1589	conserved hypothetical protein	1,5	0,2	N.D.	N.D.	1,3	0,2	N.D.	N.D.	1,2	0,3	1,0	0,0	1,2	0,1	1,0	0,3	1,9	0,8	0,7	0,1	1,0	0,5	1,2	N.D.	2,4	1,0	2,7	1,0
HPrrnA16S	no description available	2,1	0,4	N.D.	N.D.	1,6	0,1	N.D.	N.D.	1,3	0,5	1,0	0,0	1,0	0,3	0,7	0,1	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,2	0,7	0,2	1,4	0,2	1,5	0,1
HPrrnA23S	no description available	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
HPrrnA5S	no description available	0,8	0,0	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,2	0,7	0,0	0,9	0,3	0,7	0,0	0,8	0,3	0,7	0,1	0,5	0,2	1,1	0,1	0,9	0,2	1,3	0,1
hsdS_1a	no description available	1,3	N.D.	0,6	0,2	1,3	0,0	0,6	0,1	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,3	N.D.	0,9	0,0	0,7	0,2	0,8	0,0	1,1	0,3	1,0	N.D.	1,1	0,2	0,9	N.D.
hsdS_3a	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,0	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	0,4	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	1,0	0,0	0,9	N.D.	0,6	0,1	1,2	0,2	0,9	N.D.	1,0	0,0	1,1	N.D.
hsdS_4	no description available	N.D.	N.D.	1,2	0,3	1,0	N.D.	0,9	0,1	1,0	0,2	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,1	1,1	0,1	0,9	0,1	1,3	0,1	1,1	N.D.	1,8	0,9	1,2	0,1
hylB	no description available	0,8	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,5	0,4	0,9	0,1	0,9	0,1	1,2	0,3	1,0	0,1	1,0	0,1
jhp0044	putative TYPE II DNA MODIFICATION ENZYME (METHYLTRANSFERASE)	N.D.	N.D.	0,7	0,3	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,2	0,3	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	0,9	0,1	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,4	0,3	N.D.	N.D.	1,2	0,2	66,0	49,7
jhp0045	putative TYPE II DNA MODIFICATION ENZYME (METHYLTRANSFERASE)	N.D.	N.D.	1,2	0,1	1,4	N.D.	0,9	0,2	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,3	1,7	0,1	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,8	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,7	0,3
jhp0046	putative TYPE II restriction enzyme	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,4	0,2	1,0	0,1	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,5	0,2	0,8	0,2	N.D.	N.D.	1,5	0,1	N.D.	N.D.	1,3	0,2	1,8	0,3
jhp0164	putative restriction enzyme	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	N.D.	1,5	N.D.	0,9	0,0	0,9	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,5	N.D.	40,6	57,4
jhp0165	putative	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,4	0,3	N.D.	0,3	N.D.	N.D.	1,2	N.D.	0,6	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	0,1	0,9	N.D.
jhp0318	putative	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,3	0,4	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,1	1,0	0,0	N.D.	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,1	0,9	N.D.
jhp0331	putative	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	0,3	N.D.	N.D.	0,9	0,2	1,2	0,1	1,1	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,0	N.D.	N.D.	1,1	0,0	1,1	N.D.
jhp0332	no description available	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
jhp0533	putative	N.D.	N.D.	1,1	0,2	0,8	N.D.	0,9	0,2	1,2	0,4	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,2	0,1	1,7	0,2	N.D.	N.D.	1,3	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,3	N.D.
jhp0540	putative	0,8	0,1	1,5	0,3	0,7	0,0	1,1	0,1	0,9	0,3	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,5	0,1	2,1	0,1	N.D.	N.D.	1,6	0,1	N.D.	N.D.	1,4	0,4	1,1	0,2
jhp0562	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
jhp0585	putative 3-HYDROXYACID DEHYDROGENASE	0,4	0,1	1,1	0,3	0,4	0,0	1,4	0,3	0,8	0,2	N.D.	N.D.	0,8	0,2	1,0	0,1	1,6	0,2	N.D.	N.D.	1,7	0,3	N.D.	N.D.	2,0	0,8	0,8	N.D.
jhp0587	putative	N.D.	N.D.	1,0	0,3	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	0,8	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,4	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,2	0,1
jhp0616	putative	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	0,9	0,0	1,6	N.D.	N.D.	N.D.	1,9	0,5	N.D.	N.D.	1,4	0,2	1,1	0,1
jhp0629	putative TYPE II DNA MODIFICATION ENZYME (METHYLTRANSFERASE)	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,2	N.D.	0,9	0,1	1,3	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,1	0,9	0,1	0,8	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	0,0	1,0	N.D.
jhp0630	no description available	N.D.	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.
jhp0755	putative	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	0,4	N.D.	N.D.	1,6	N.D.	0,9	N.D.	0,9	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	0,7	N.D.
jhp0756	putative TYPE II DNA MODIFICATION ENZYME (METHYLTRANSFERASE)	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	0,4	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	1,1	0,0	1,0	N.D.	N.D.	N.D.	1,5	0,5	N.D.	N.D.	1,1	0,2	0,6	N.D.
jhp0813	putative	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	0,3	N.D.	N.D.	1,3	N.D.	1,3	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,3	0,3	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,0	N.D.
jhp0814	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	0,5	N.D.	N.D.	1,3	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,2	0,1	0,8	0,1
jhp0820	putative lipopolysaccharide biosynthesis protein	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	0,3	N.D.	N.D.	1,4	N.D.	0,7	0,3	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,1	0,8	N.D.
jhp0825	putative	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	0,3	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	0,9	N.D.
jhp0828	putative	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,3	N.D.	0,4	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	1,0	N.D.	1,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,2	0,1	1,4	N.D.
jhp0829	putative	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	0,6	N.D.	N.D.	1,0	0,0	1,0	0,0	1,1	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,0	1,2	N.D.
jhp0830	putative	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	0,4	N.D.	N.D.	1,1	N.D.	2,6	2,3	1,3	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,0	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,1	N.D.
jhp0834	no description available	N.D.	N.D.	1,3	0,3	N.D.	N.D.	1,2	0,2	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	1,2	0,0	1,1	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,3	0,3	0,9	N.D.
jhp0870	putative outer membrane protein	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,2	0,3	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	1,1	0,3	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,3
jhp0896	putative	0,5	0,1	0,9	0,1	0,5	0,0	0,9	0,1	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,0	0,1	1,7	0,0	N.D.	N.D.	1,4	0,2	N.D.	N.D.	1,7	0,7	1,0	N.D.
jhp0914	putative	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	0,4	N.D.	N.D.	1,7	N.D.	0,9	0,3	1,1	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,2	0,9	N.D.
jhp0916	putative	N.D.	N.D.	0,9	0,4	N.D.	N.D.	0,8	0,3	1,2	0,3	N.D.	N.D.	0,8	0,1	0,8	0,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,2	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,1	0,9	N.D.
jhp0920	putative	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	0,3	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	0,9	0,1	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,0	N.D.	N.D.
jhp0921	putative	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,1	0,1	N.D.	N.D.	0,8	0,3	1,1	0,1	1,3	N.D.	N.D.	N.D.	1,5	0,5	N.D.	N.D.	1,3	0,3	1,1	0,3
jhp0922	putative	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	0,2	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	1,3	0,3	1,5	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,0	N.D.
jhp0923	putative	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,2	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	1,1	0,0	1,1	N.D.	N.D.	N.D.	1,3	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,3	0,8	N.D.
jhp0924	putative	N.D.	N.D.	1,3	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	0,2	N.D.	N.D.	1,2	N.D.	1,4	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,7	0,3	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,3	N.D.
jhp0925	putative	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	0,3	N.D.	N.D.	1,4	N.D.	1,0	0,0	1,0	N.D.	N.D.	N.D.	1,2	0,1	N.D.	N.D.	1,2	0,2	1,0	N.D.
jhp0926	putative	N.D.	N.D.	1,0	0,3	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	0,3	N.D.	N.D.	1,1	0,3	0,8	0,4	1,6	N.D.	N.D.	N.D.	1,7	0,6	N.D.	N.D.	1,0	0,2	0,9	N.D.
jhp0927	putative	0,3	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	0,6	N.D.	N.D.	0,9	0,1	0,9	0,0	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,2	1,0	N.D.
jhp0928	putative	0,7	0,0	0,9	0,1	0,9	0,2	1,2	0,1	0,9	0,3	N.D.	N.D.	1,3	0,3	0,8	0,1	1,4	0,6	N.D.	N.D.	0,6	0,2	N.D.	N.D.	0,8	0,2	1,1	N.D.
jhp0929	putative	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	0,3	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	1,0	0,1	1,2	0,0	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,5	N.D.
jhp0930	putative	N.D.	N.D.	1,2	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	0,2	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	1,0	0,2	1,3	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,0	N.D.	N.D.	1,1	0,0	1,8	1,0
jhp0932	putative	1,2	0,2	0,9	0,2	1,2	0,1	0,9	0,2	0,8	0,2	N.D.	N.D.	1,2	0,2	1,1	0,1	1,1	0,3	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,0	0,6	N.D.
jhp0933	putative	1,3	0,2	0,8	0,4	1,1	0,0	1,0	0,2	0,9	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,1	1,2	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,0	0,9	0,2
jhp0934	putative	1,2	0,1	1,1	0,2	0,9	0,1	1,2	0,1	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,2	0,3	1,0	0,1	1,5	0,0	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,9	0,3	1,1	N.D.
jhp0935	putative	1,1	N.D.	1,0	0,0	0,8	0,0	0,9	0,1	1,0	0,3	N.D.	N.D.	1,4	0,1	1,1	0,1	1,0	0,0	N.D.	N.D.	0,5	0,1	N.D.	N.D.	0,5	0,0	0,8	N.D.
jhp0936	putative	N.D.	N.D.	1,3	0,2	N.D.	N.D.	1,2	0,2	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,4	1,3	0,0	1,8	N.D.	N.D.	N.D.	1,9	N.D.	N.D.	N.D.	1,6	0,4	1,6	0,3
jhp0937	putative	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	0,3	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	1,1	N.D.	1,4	N.D.	N.D.	N.D.	1,2	N.D.	N.D.	N.D.	1,6	0,9	1,1	N.D.
jhp0940	putative	N.D.	N.D.	1,2	0,3	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,2	0,2	N.D.	N.D.	1,5	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,2	0,8	N.D.	N.D.	1,4	0,0	1,1	0,2
jhp0943	putative	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	0,5	N.D.	N.D.	1,6	N.D.	1,0	0,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,1	0,0	1,4	0,1
jhp0944	putative	N.D.	N.D.	1,2	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	0,3	N.D.	N.D.	1,1	N.D.	1,0	0,1	0,8	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,0	N.D.	N.D.	1,3	0,0	1,8	N.D.
jhp0945	putative	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	0,3	N.D.	N.D.	1,0	0,2	1,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,0	0,6	0,4
jhp0946	putative	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,1	0,9	0,1	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,1	0,9	N.D.
jhp0947	putative	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,2	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	0,9	0,3	1,4	0,1	N.D.	N.D.	1,5	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,2	1,0	N.D.
jhp0948	putative	0,6	N.D.	0,9	0,1	1,1	0,1	1,0	0,1	0,9	0,3	N.D.	N.D.	1,1	0,2	0,8	0,1	0,7	0,0	N.D.	N.D.	0,7	0,0	N.D.	N.D.	0,8	0,1	1,0	N.D.
jhp0949	putative	0,9	0,0	1,0	0,1	1,0	0,1	0,9	0,1	0,9	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,0	0,9	0,0	0,9	0,0	N.D.	N.D.	0,7	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,2	0,8	N.D.
jhp0950	putative	N.D.	N.D.	0,7	0,2	N.D.	N.D.	0,8	0,0	0,9	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,2	1,3	0,1	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,0	N.D.	N.D.	1,1	0,2	1,7	N.D.
jhp0951	INTEGRASE/RECOMBINASE (XERCD FAMILY)	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	0,5	N.D.	N.D.	1,1	N.D.	1,2	0,2	1,2	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,0	1,5	N.D.
jhp0953	no description available	0,9	0,1	0,9	0,1	1,0	0,1	0,9	0,2	1,1	0,4	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,1	0,2
jhp0954	putative	N.D.	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	0,3	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,1	N.D.	1,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,2	0,3	1,3	0,1
jhp0955	putative	0,5	N.D.	1,2	0,3	N.D.	N.D.	0,9	0,2	0,9	0,2	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	0,9	0,0	1,4	0,3	N.D.	N.D.	1,1	0,0	N.D.	N.D.	0,7	0,0	1,0	N.D.
jhp0956	putative	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	0,2	N.D.	N.D.	1,3	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,8	0,0	N.D.	N.D.	0,4	0,0	1,3	N.D.
jhp0957	putative	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,0	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	1,0	0,1	1,1	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	N.D.	N.D.	0,2	0,0	0,8	N.D.
jhp0958	putative	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,1	N.D.	1,1	0,1	1,3	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,6	1,3	1,4	N.D.
jhp0959	putative	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	0,3	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	1,0	0,1	1,0	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,2	1,2	N.D.
jhp0960	putative	N.D.	N.D.	0,7	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	0,4	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	0,8	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,0	1,2	0,0
jhp0961	putative	N.D.	N.D.	1,2	0,4	N.D.	N.D.	0,9	0,2	1,3	0,5	N.D.	N.D.	1,3	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,3	N.D.	N.D.	1,1	0,0	1,6	N.D.
jhp1032	putative lipopolysaccharide biosynthesis protein	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	1,0	0,3	1,1	0,1	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	1,1	0,0	1,1	0,2	N.D.	N.D.	1,5	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,0	N.D.
jhp1043	putative	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	0,3	N.D.	N.D.	1,4	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	0,8	N.D.
jhp1049	putative	1,5	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	0,6	N.D.	N.D.	1,1	N.D.	0,6	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,2	N.D.
jhp1132	putative	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	0,5	N.D.	N.D.	1,0	0,0	0,9	0,1	1,0	0,0	N.D.	N.D.	0,8	0,0	N.D.	N.D.	0,9	0,0	0,6	N.D.
jhp1160	putative	0,8	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,1	1,1	0,3	N.D.	N.D.	1,1	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,0	1,1	N.D.
jhp1284	TYPE II DNA MODIFICATION ENZYME (METHYLTRANSFERASE)	0,6	0,1	0,9	0,1	0,8	0,1	1,2	0,2	1,0	0,4	N.D.	N.D.	1,3	0,1	0,9	0,1	1,2	0,1	N.D.	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,1	1,1	N.D.
jhp1306	putative	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	0,3	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,0	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,4	0,0	1,2	N.D.
jhp1408	putative	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,3	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	1,1	0,1	1,2	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,0	0,8	N.D.
jhp1409	putative TYPE II DNA MODIFICATION ENZYME (METHYLTRANSFERASE)	N.D.	N.D.	1,0	0,0	0,5	0,1	0,9	0,1	1,1	0,4	N.D.	N.D.	1,4	N.D.	0,9	0,1	1,2	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,0	N.D.	N.D.	1,1	0,2	1,8	N.D.
jhp1429	ZINC-DEPENDENT ALCOHOL DEHYDROGENASE	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	0,3	N.D.	N.D.	0,8	0,0	0,9	0,1	1,7	0,2	N.D.	N.D.	1,3	0,0	N.D.	N.D.	1,7	0,2	1,4	0,0
jhp1437	putative	3,4	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,1	0,4	N.D.	N.D.	1,1	N.D.	1,0	0,1	1,6	0,3	N.D.	N.D.	1,1	0,0	N.D.	N.D.	0,7	0,0	1,1	N.D.
jhp1462	putative	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	1,1	0,2	N.D.	0,3	N.D.	N.D.	1,6	N.D.	0,9	0,1	0,9	0,0	N.D.	N.D.	1,0	0,0	N.D.	N.D.	0,8	0,1	1,2	N.D.
jhp1463	putative	N.D.	N.D.	1,1	0,4	N.D.	N.D.	1,1	0,1	N.D.	0,2	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	0,5	0,4	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	N.D.	N.D.	0,7	0,1	1,0	N.D.
jhp1495	putative	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	N.D.	1,9	N.D.	1,2	0,3	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	N.D.	1,0	N.D.
mod_1	no description available	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,2	0,5	N.D.	N.D.	1,4	0,0	0,9	0,2	1,2	0,1	1,2	N.D.	1,2	0,0	1,2	N.D.
mod1	no description available	0,9	0,3	1,2	0,1	0,9	0,1	1,2	0,2	0,8	0,3	0,9	0,1	1,2	N.D.	1,2	0,2	1,0	N.D.	0,5	N.D.	1,0	0,1	1,2	N.D.	1,4	0,2	0,7	N.D.
omp20	no description available	0,6	0,0	N.D.	N.D.	0,7	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	0,7	0,1	1,0	0,3	1,0	0,3	1,0	0,2	0,8	0,3	1,4	N.D.
Replika flaA	Flagellin A	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,4	0,0	N.D.	N.D.	5,5	3,0	2,0	0,8	20,3	13,0	16,5	6,4	0,5	0,2	N.D.	N.D.
Replika flaB	Flagellin B	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	15,8	5,4	N.D.	N.D.	7,7	2,7	4,8	0,3	7,8	3,8	8,4	0,6	0,3	0,1	13,3	6,5
Replika HP0751		N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	0,7	0,2	N.D.	N.D.	5,0	1,0	2,0	0,9	7,1	0,7	10,1	N.D.	0,3	0,0	N.D.	N.D.
Replika HP0753		N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	3,3	N.D.	2,3	1,2	4,2	0,1	N.D.	N.D.	0,3	0,1	N.D.	N.D.
res_1	no description available	N.D.	N.D.	1,3	0,3	N.D.	N.D.	1,0	0,5	N.D.	0,4	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,7	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,8	0,7	0,7	N.D.
tnpA	no description available	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	0,8	0,1	N.D.	0,4	1,0	0,0	1,1	N.D.	0,9	0,1	0,5	0,4	0,9	0,3	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,1
tnpB	no description available	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	0,4	0,7	0,0	1,1	N.D.	0,8	0,2	N.D.	N.D.	0,7	0,2	0,8	N.D.	N.D.	N.D.	1,1	0,1	0,8	N.D.
topA_2	no description available	N.D.	N.D.	0,5	0,4	N.D.	N.D.	1,2	0,3	N.D.	0,6	N.D.	N.D.	1,0	0,1	1,0	0,0	1,0	0,1	0,7	0,2	1,1	0,0	1,3	N.D.	1,0	0,1	0,9	0,1
topA_3	no description available	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	1,1	0,2	0,9	0,2	0,8	N.D.	1,0	N.D.	1,1	0,1	1,4	0,2	0,5	N.D.	1,2	0,0	1,1	N.D.	1,1	0,3	1,5	0,2
virB4_2	no description available	1,4	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	0,7	0,2	N.D.	N.D.	0,9	0,4	1,0	N.D.	N.D.	N.D.	0,9	0,0	0,7	N.D.
virB4_3	no description available	N.D.	N.D.	0,8	0,1	N.D.	N.D.	0,9	0,2	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	N.D.	N.D.	N.D.	0,8	N.D.	1,0	0,4	0,9	0,0	1,0	N.D.	1,0	0,0	0,7	N.D.
xerC	no description available	0,8	0,1	N.D.	N.D.	1,0	0,1	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	N.D.	1,0	0,2	N.D.	N.D.	0,8	0,0	N.D.	N.D.	1,2	0,0	1,2	N.D.	1,5	0,3	0,9	N.D.