

Tab. 16: Genotypen der für die Kopplungsanalyse verwendeten BC1-Bastarde. In der ersten Zeile sind die Individuen aufgetragen, die mit einer Nummer benannt wurden, die erst

	278	386	387	503	534	543	544	566	191	194	207	208	266	330	433	479	496	216	391	403	405	406	448	451	531	541	192	205	214	238	340	217	218			
KG V																																				
72 X 1 G																																				
15 L 0 H																																				
o	-	-	-	H	H	-	A	-	A	A	H	-	-	-	H	H	H	A	H	H	-	-	A	A	-	-	H	-	A	-	-	-	-	H		
CDKN2X	H	H	-	H	H	H	H	A	A	A	H	H	H	H	H	H	H	A	H	H	A	H	A	A	A	A	H	A	A	-	A	-	-	H		
K11.7	H	H	H	H	H	H	H	H	A	A	H	H	H	H	H	H	H	A	H	H	A	H	A	A	A	A	H	A	A	H	A	-	-	H		
27.6	H	H	H	H	H	H	H	H	H	A	H	H	H	H	H	H	H	A	H	A	A	A	A	A	A	A	H	A	A	H	A	-	-	H		
K2.3	H	H	H	H	H	H	H	H	H	A	H	H	H	H	H	H	H	A	A	A	A	A	A	A	A	A	H	A	A	H	A	-	-	H		
ES1	H	H	H	H	H	H	H	H	H	H	H	H	H	H	H	H	H	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	H	H	
13.3	H	H	H	H	H	H	H	H	H	H	H	H	H	H	H	H	A	A	H	A	H	A	A	A	A	A	A	H	A	H	A	A	A	H		
ttt	H	-	-	H	H	-	H	-	H	H	-	-	-	-	H	H	A	A	A	A	-	-	A	A	-	-	A	-	A	-	-	H	H			
12.1	H	H	H	-	H	H	H	H	H	H	H	H	H	H	H	-	-	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	H	H	
10.1	-	H	H	H	H	H	H	H	-	H	H	H	H	H	H	H	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	H	H	
18.2	H	H	H	H	H	H	H	H	H	H	A	A	A	A	A	H	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	H	H	
K31.9	H	H	H	H	H	H	H	H	H	H	A	A	A	A	A	H	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	-	H	
19.5	H	H	H	-	H	H	H	H	H	H	A	A	A	A	A	H	A	A	A	A	A	-	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	H	H		
R	H	H	H	H	H	H	H	H	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	A	H	H	H	H	H	H	-	-		
K27.3	H	A	H	A	A	H	H	H	A	A	A	A	A	A	A	H	H	A	H	H	H	A	A	H	H	A	H	H	H	A	H	-	-	H		
U2.3	H	A	H	A	A	H	H	H	A	A	A	A	A	A	A	H	H	A	H	H	H	A	A	H	H	A	H	H	A	H	-	-	-			

889 933 939

-	-	-
H	H	H
H	H	H
H	H	H
H	H	H
H	H	H
-	-	-
-	-	-
-	-	-
-	-	-
-	-	-
H	H	H
-	-	-
H	H	H
H	H	H
H	H	H